

Analisi del pedigree

Sustainability Health Environment Economy Profitability & Genomic Organisation Animal (pheno)Typing (SHEEP&GOAT)

12 luglio, 2023

RAZZA: SARDA (O)

Codice Razza: 21

Table 1: Consistenze

	Breed_21
Totale animali registrati	2833769
Maschi	159158
Femmine	2674611
% Maschi	6
% Femmine	94
F/M	17
Totale animali (anno di nascita dal 2013)	485028
Maschi (anno di nascita dal 2013)	40202
Femmine (anno di nascita dal 2013)	444826
% Maschi (anno di nascita dal 2013)	8
% Femmine (anno di nascita dal 2013)	92
F/M animali (anno di nascita dal 2013)	11
N. allevamenti con animali (anno di nascita dal 2013)	1458

Nelle tabelle 2 e 3 si riportano le statistiche descrittive dei seguenti parametri calcolati con optiSel (R-package): - equiGen: somma della completeness in tutte le generazioni;

- fullGen: numero massimo di generazioni piene (tutti gli ascendenti per generazione) tracciate;

- maxGen: numero massimo di generazioni massime (almeno un ascendente per generazione) tracciate;

- PCI: è l' Index of Pedigree Completeness che rappresenta la media armonica della completeness dei genitori (MacCluer, 1983);

- inbreeding: consanguineità.

Table 2: Statistiche descrittive delle summary del pedigree del totale dei soggetti

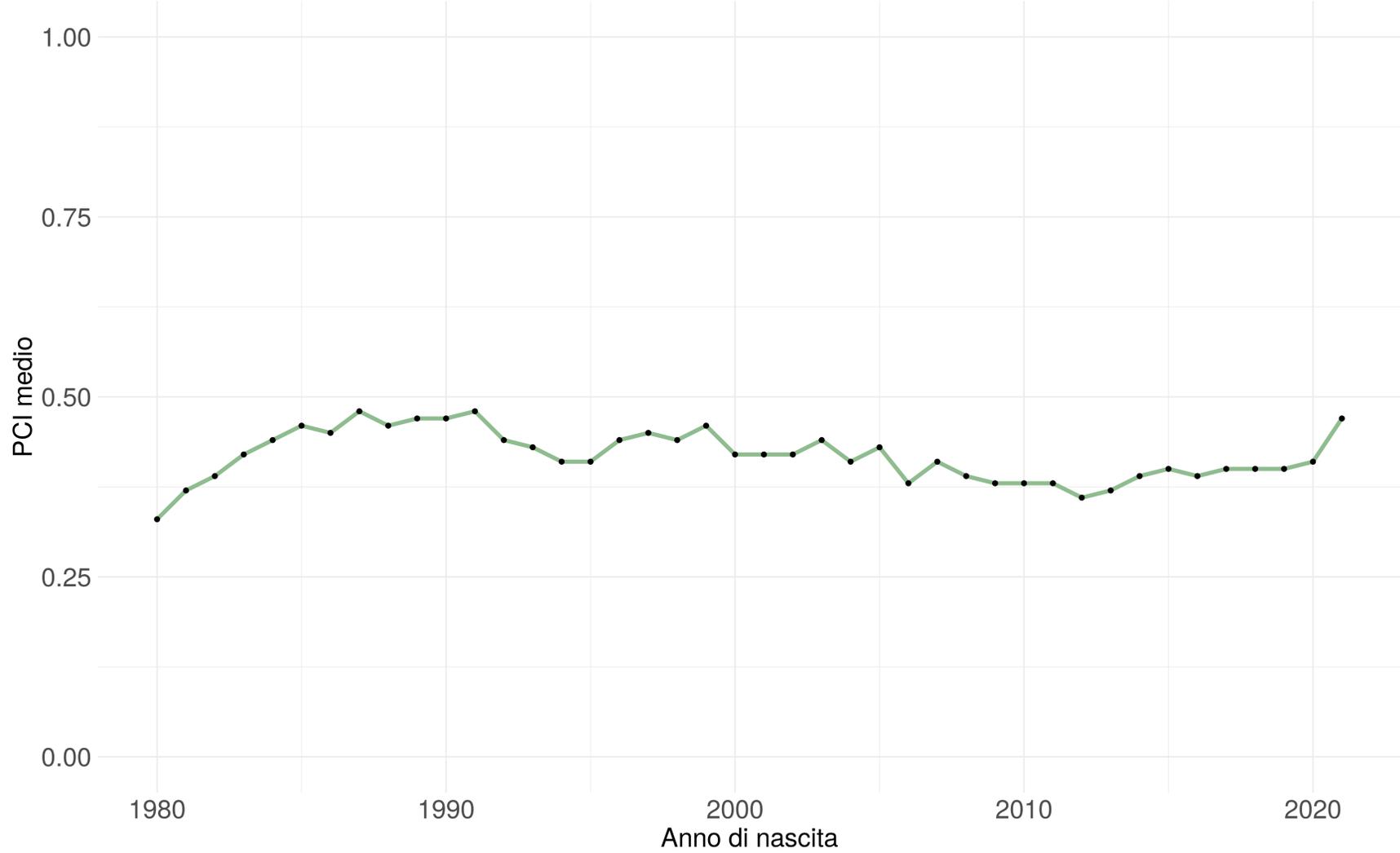
	Mean	Median	Sd	Kurtosis	Skewness	Min	Ist_Qu	IIIrd_Qu	Max	N.Miss	N.oss
equiGen	3.348	2.781	3.527	2.056	0.578	0.000	0.000	6.241	13.918	0	2833769
fullGen	1.412	1.000	1.774	3.342	1.136	0.000	0.000	3.000	10.000	0	2833769
maxGen	8.295	7.000	8.958	2.122	0.643	0.000	0.000	15.000	41.000	0	2833769
PCI	0.405	0.375	0.430	1.336	0.336	0.000	0.000	0.933	1.000	0	2833769
Inbreeding	0.017	0.000	0.047	22.764	4.114	0.000	0.000	0.008	0.631	0	2833769

Table 3: Statistiche descrittive delle summary del pedigree dei soggetti con anno di nascita dal 2013

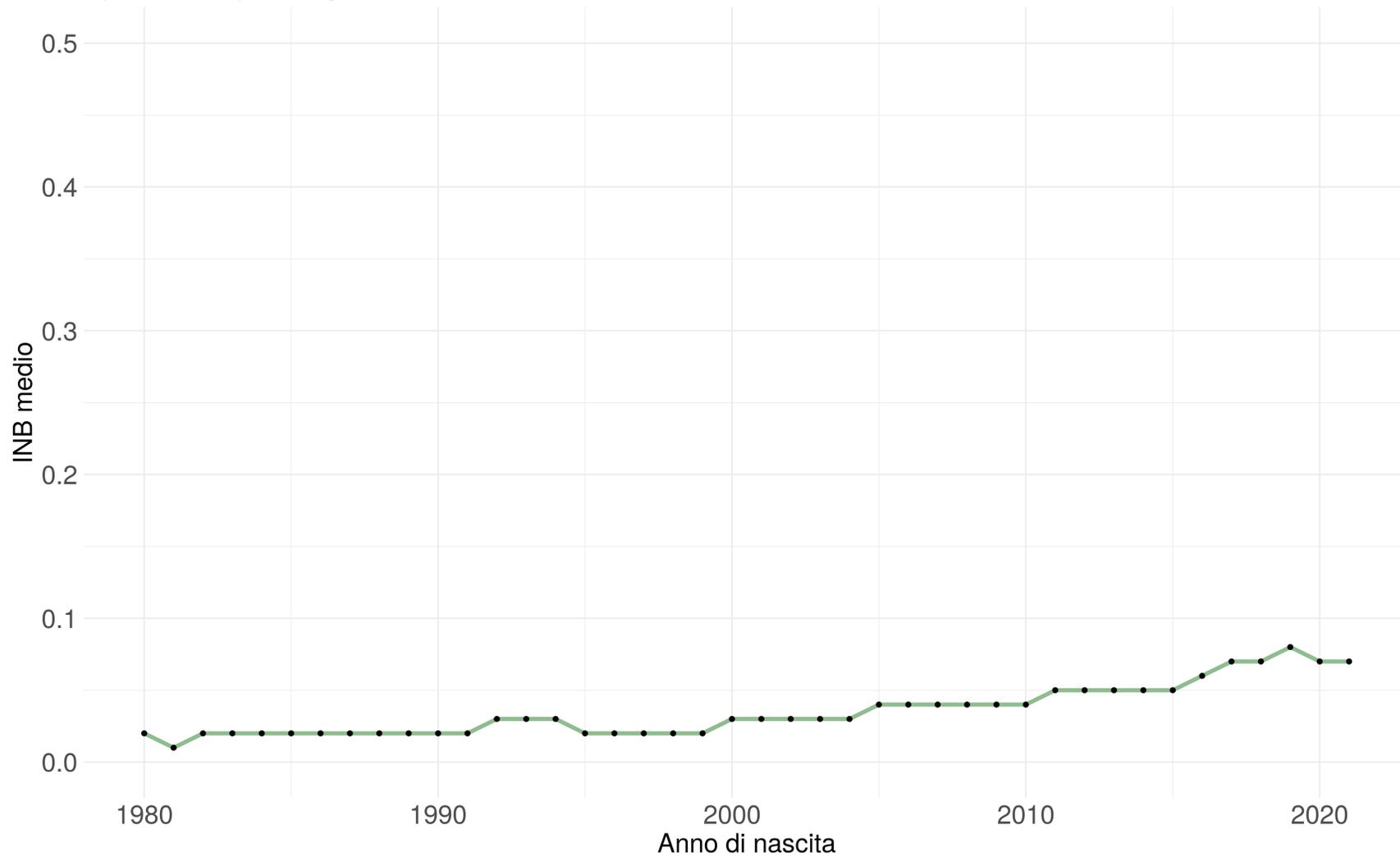
	Mean	Median	Sd	Kurtosis	Skewness	Min	Ist_Qu	IIIrd_Qu	Max	N.Miss	N.oss
equiGen	4.507	2.779	4.731	1.379	0.320	0.000	0.000	9.543	13.918	0	485028
fullGen	1.633	0.000	2.204	3.026	1.126	0.000	0.000	3.000	10.000	0	485028
maxGen	12.061	15.000	12.045	1.202	0.123	0.000	0.000	25.000	41.000	0	485028
PCI	0.399	0.000	0.453	1.268	0.376	0.000	0.000	0.968	1.000	0	485028
Inbreeding	0.028	0.000	0.062	15.142	3.230	0.000	0.000	0.027	0.631	0	485028

Index of Pedegree Completeness (PCI) medio per anno di nascita

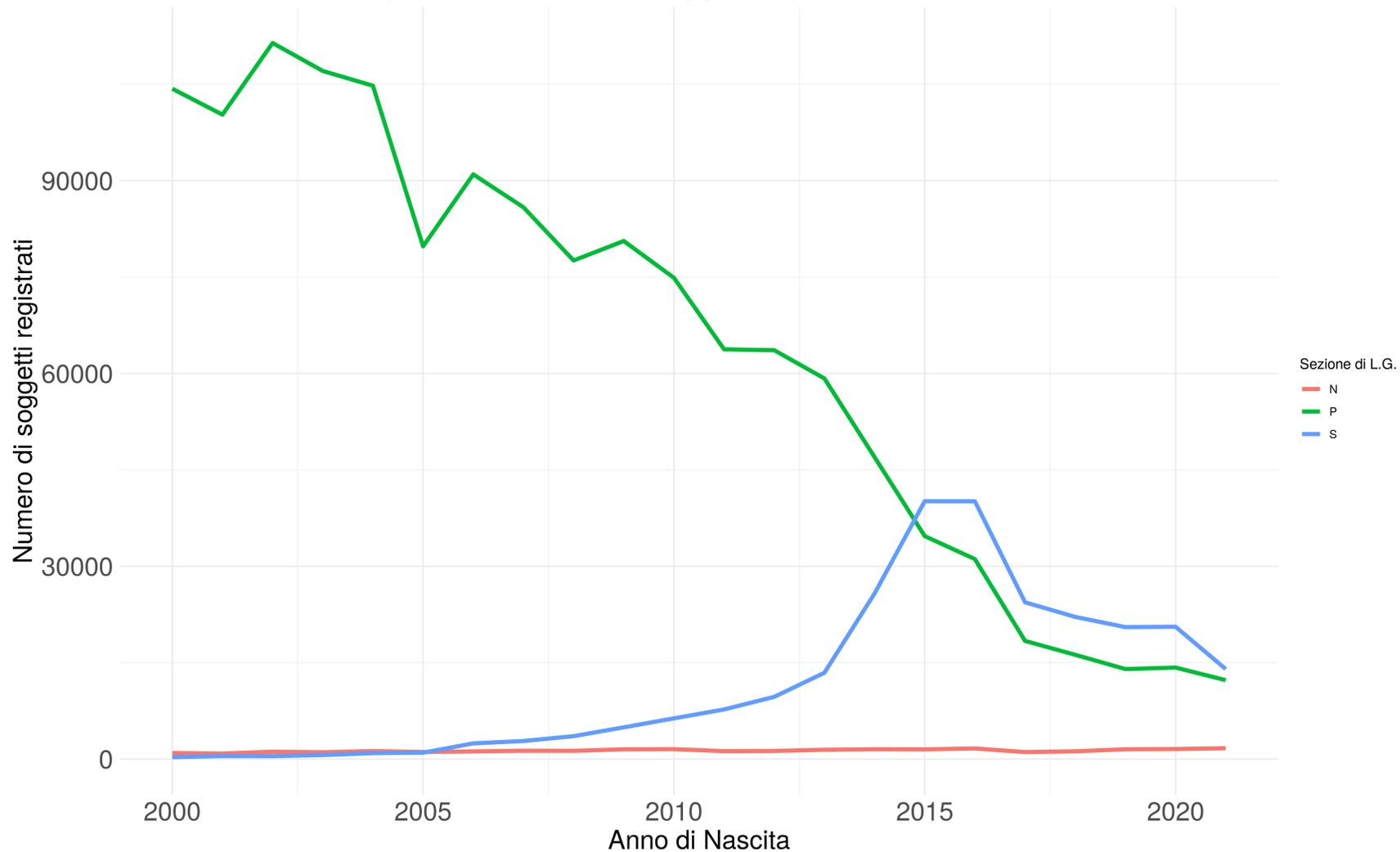
optiSel, R-packege, (Wellmann R., 2018; McCluer et. al,1983)



Inbreeding medio per anno di nascita
optiSel, R-packege, (Wellmann R., 2018)

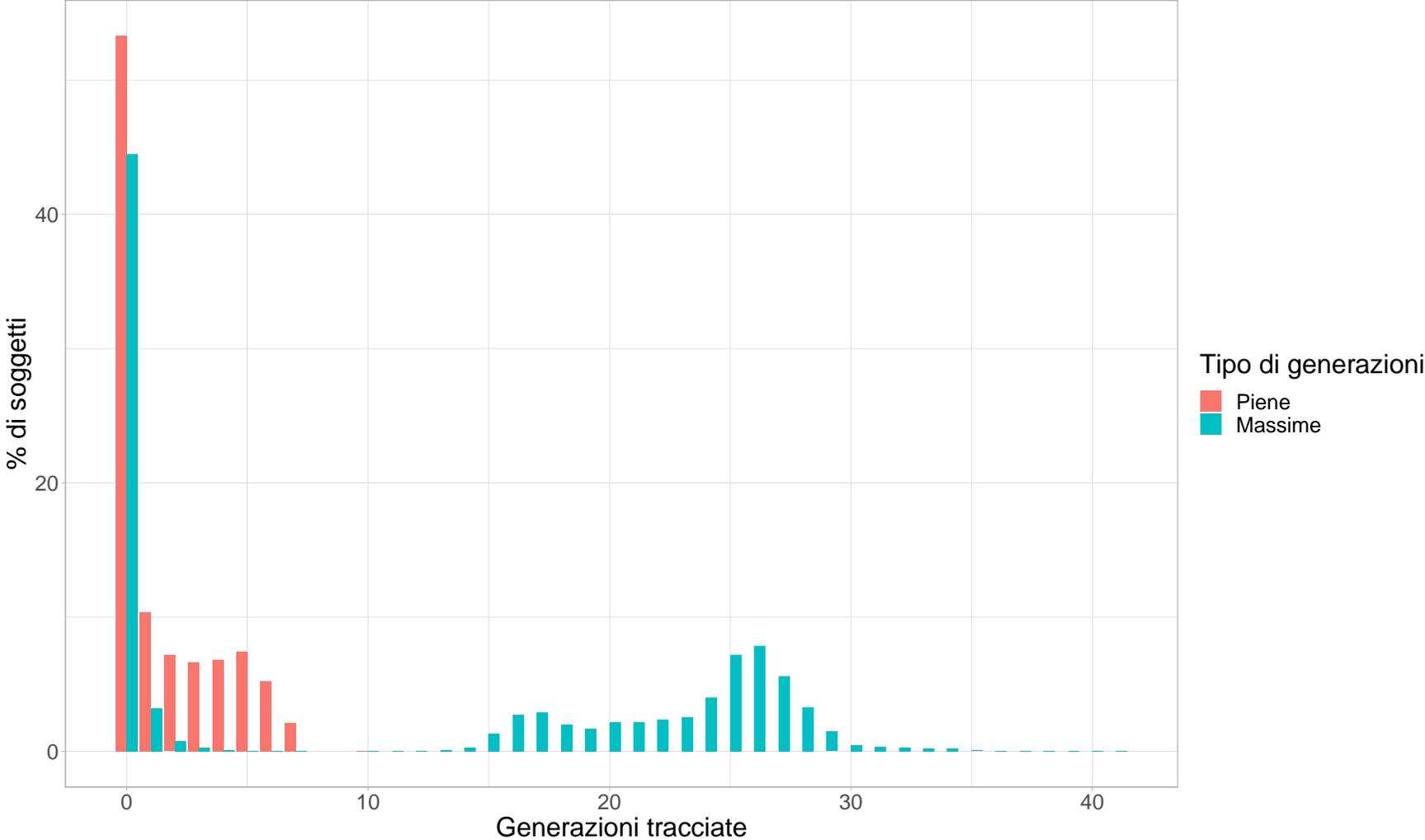


Andamento del numero di registrazione del libro Genealogico (L.G.) per sezione
Sezione P = Principale; sezione S = Supplementare; sezione N = Non iscritti.

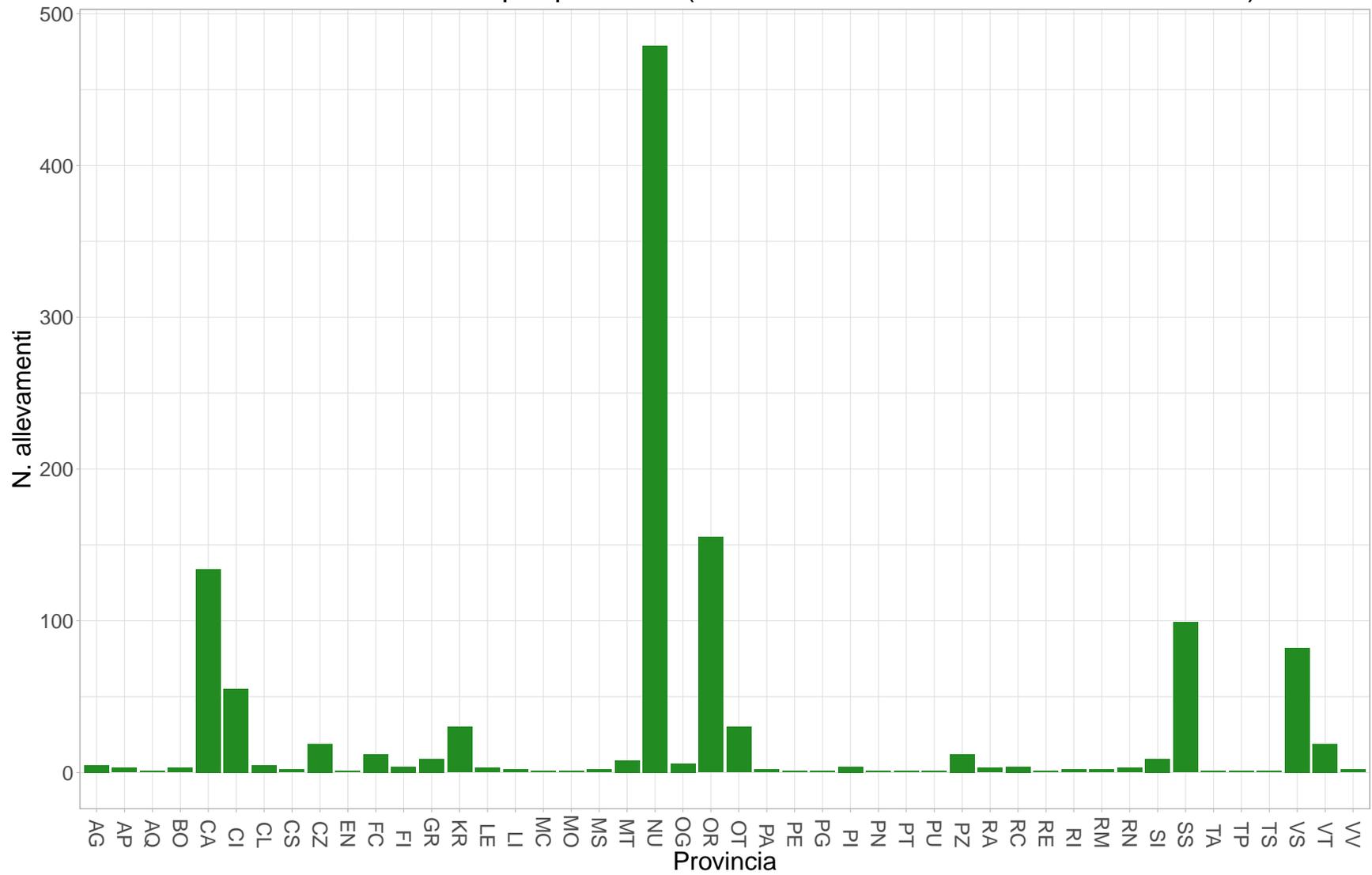


Distribuzione dei soggetti per numero di generazioni piene e massime tracciate

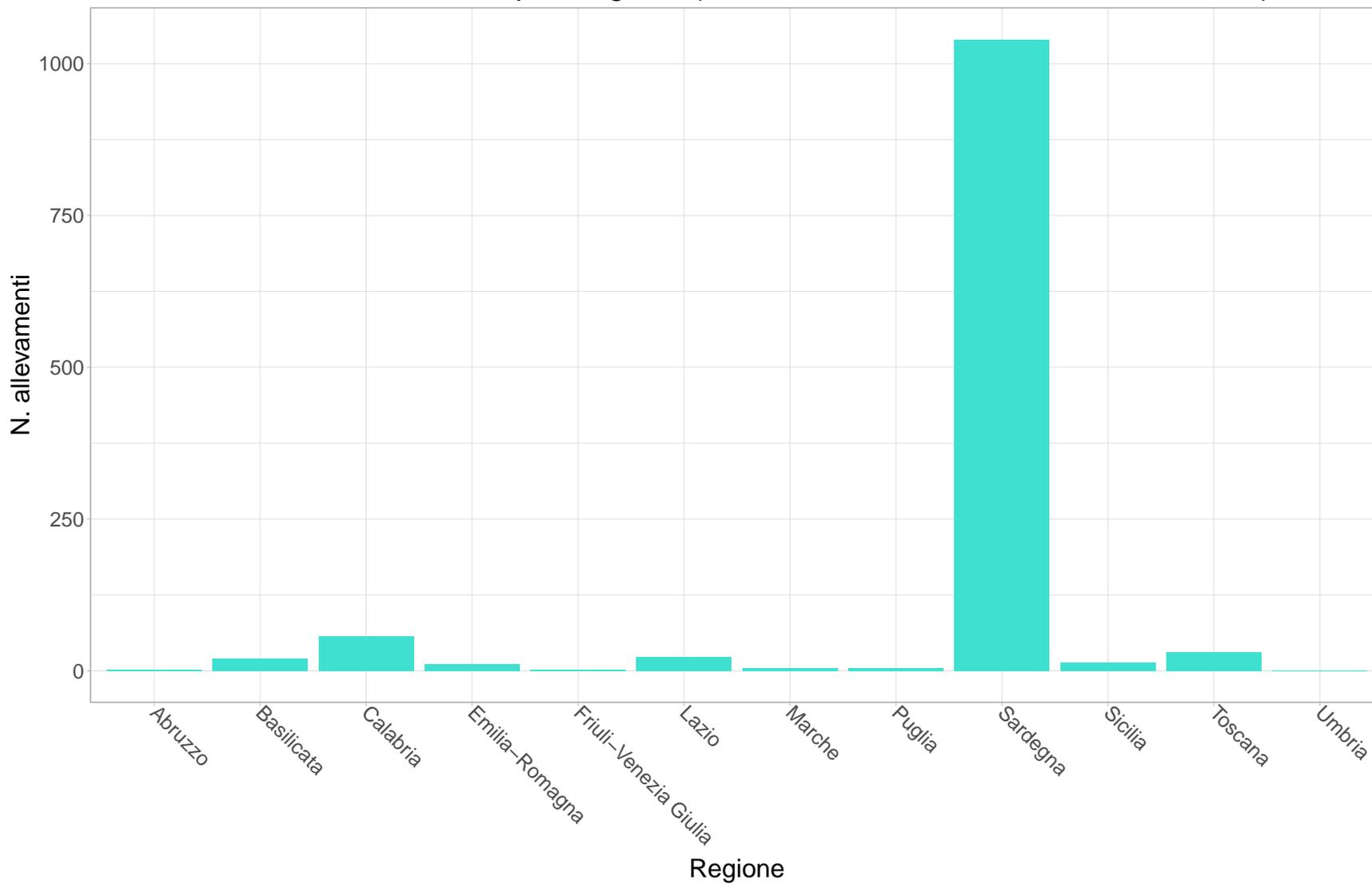
Soggetti vivi



Numero di allevamenti per provincia (allevamenti con almeno 10 animali iscritti)



Numero di allevamenti per Regione (allevamenti con almeno 10 animali iscritti)



Mappa di consanguineita' per provincia

Note: 99.9 % allevamenti localizzati

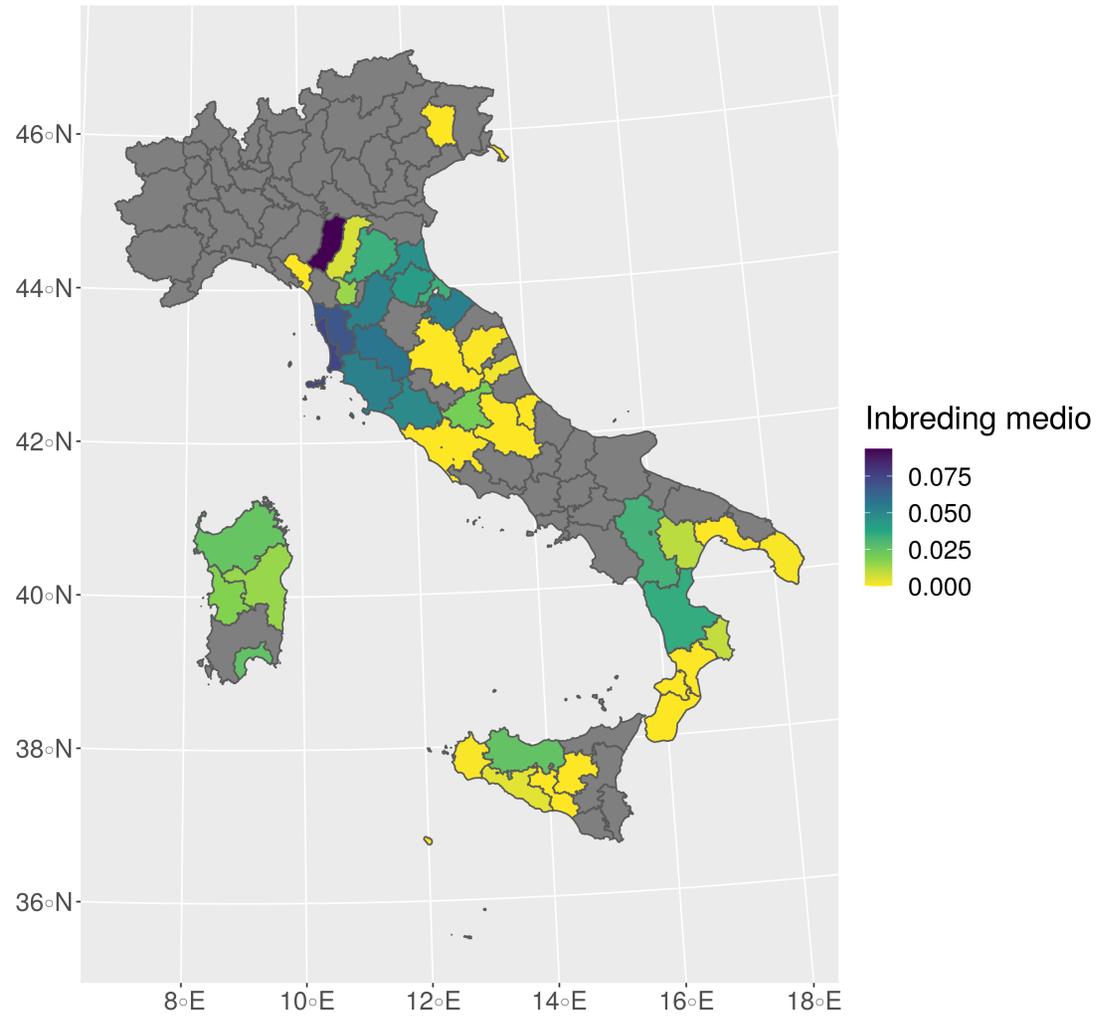


Figure 1: Mappa di Consanguineità

Mappa di consanguineita' per regione

Note: 100 % allevamenti localizzati

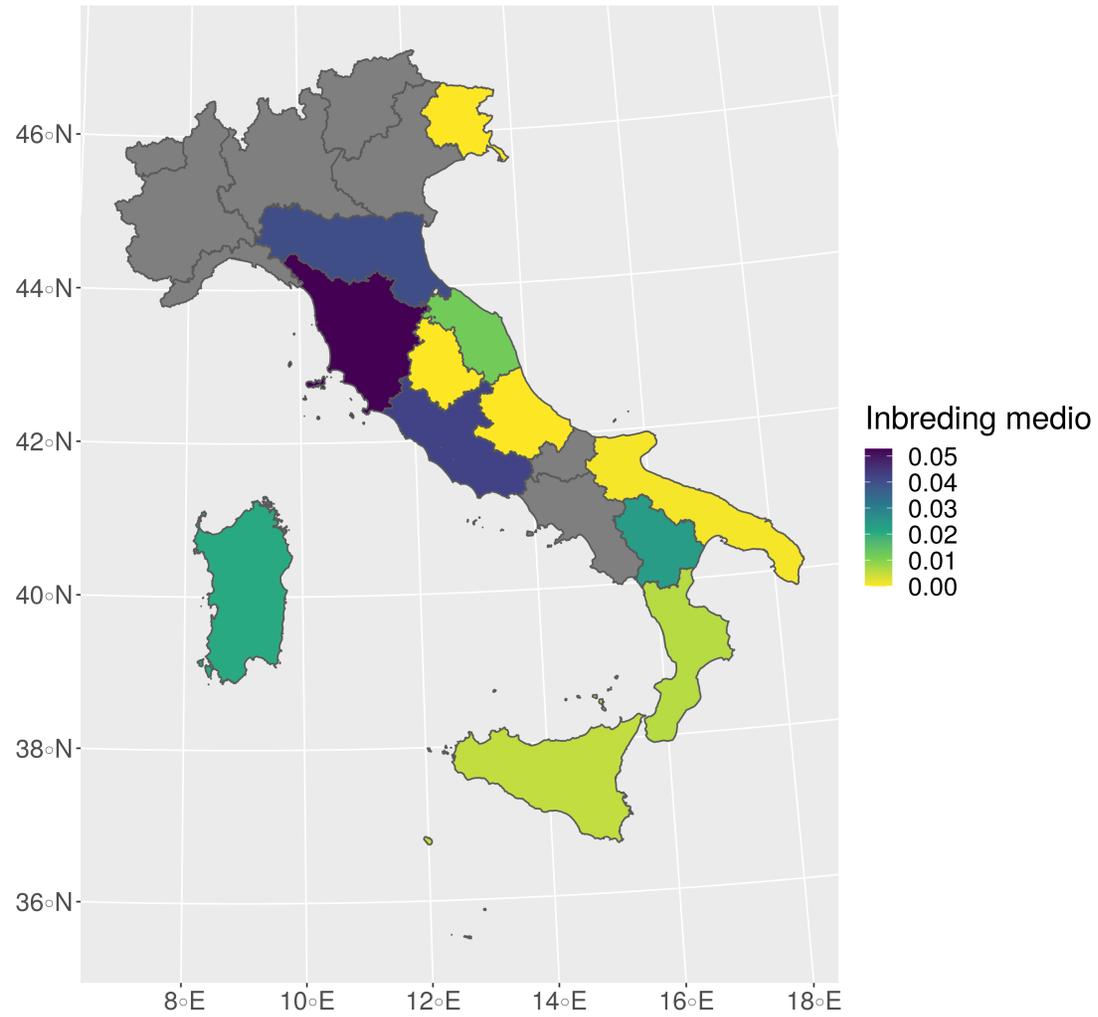


Figure 2: Mappa di Consanguineità

Analisi del pedigree

Sustainability Health Environment Economy Profitability & Genomic Organisation Animal (pheno)Typing (SHEEP&GOAT)

11 luglio, 2023

RAZZA: MASSESE

Codice Razza: 22

Table 1: Consistenze

	Breed_22
Totale animali registrati	133142
Maschi	6435
Femmine	126707
% Maschi	5
% Femmine	95
F/M	20
Totale animali (anno di nascita dal 2013)	19220
Maschi (anno di nascita dal 2013)	1646
Femmine (anno di nascita dal 2013)	17574
% Maschi (anno di nascita dal 2013)	9
% Femmine (anno di nascita dal 2013)	91
F/M animali (anno di nascita dal 2013)	11
N. allevamenti con animali (anno di nascita dal 2013)	142

Nelle tabelle 2 e 3 si riportano le statistiche descrittive dei seguenti parametri calcolati con optiSel (R-package): - equiGen: somma della completeness in tutte le generazioni;

- fullGen: numero massimo di generazioni piene (tutti gli ascendenti per generazione) tracciate;

- maxGen: numero massimo di generazioni massime (almeno un ascendente per generazione) tracciate;

- PCI: è l' Index of Pedigree Completeness che rappresenta la media armonica della completeness dei genitori (MacCluer, 1983);

- inbreeding: consanguineità.

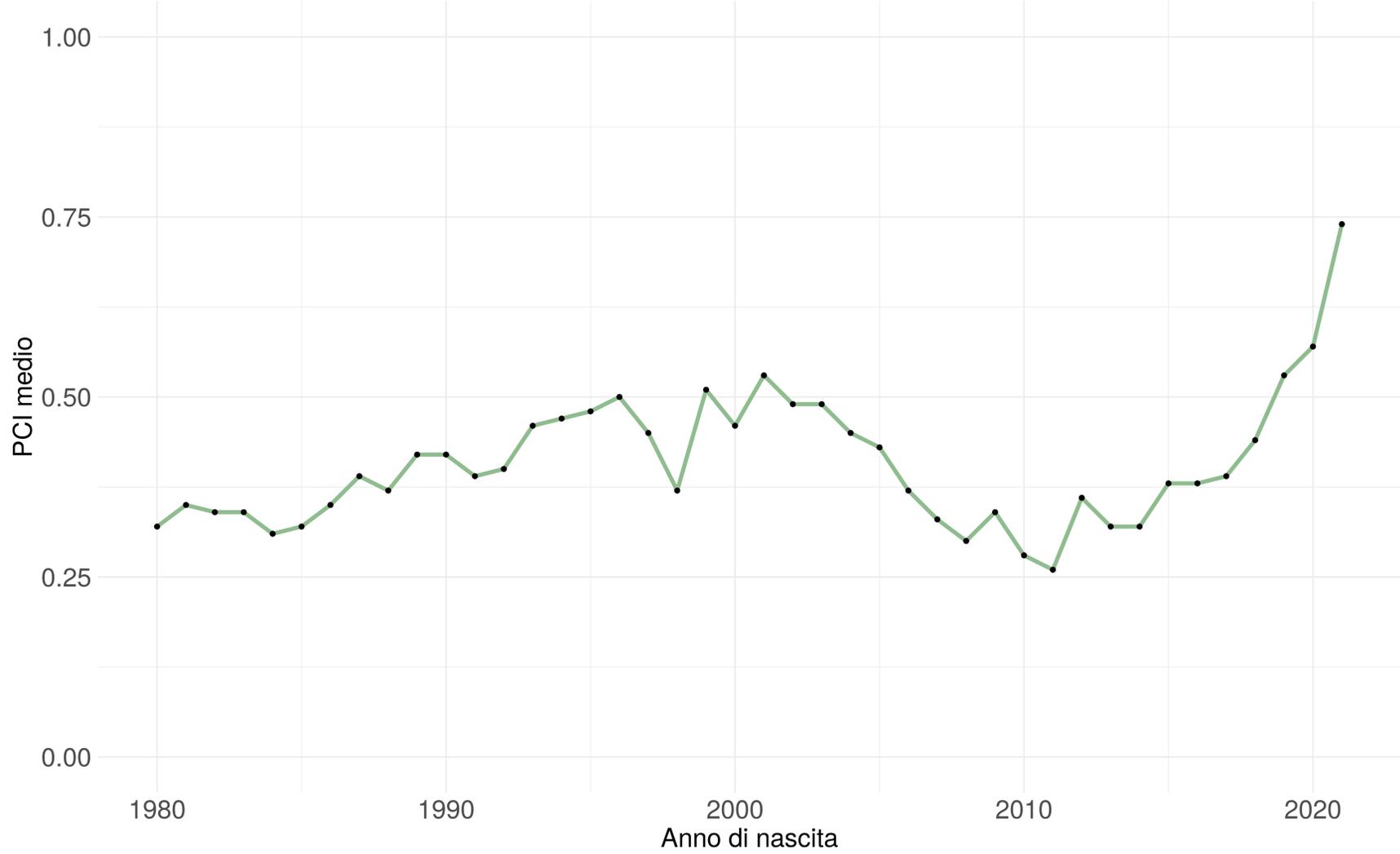
Table 2: Statistiche descrittive delle summary del pedigree del totale dei soggetti

	Mean	Median	Sd	Kurtosis	Skewness	Min	Ist_Qu	IIIrd_Qu	Max	N.Miss	N.oss
equiGen	2.321	1.500	2.802	5.013	1.474	0.000	0.000	3.623	15.219	0	133142
fullGen	1.164	1.000	1.413	6.219	1.677	0.000	0.000	2.000	9.000	0	133142
maxGen	5.856	2.000	7.297	3.235	1.150	0.000	0.000	11.000	29.000	0	133142
PCI	0.353	0.333	0.361	1.917	0.573	0.000	0.000	0.685	1.000	0	133142
Inbreeding	0.030	0.000	0.073	11.262	2.889	0.000	0.000	0.000	0.584	0	133142

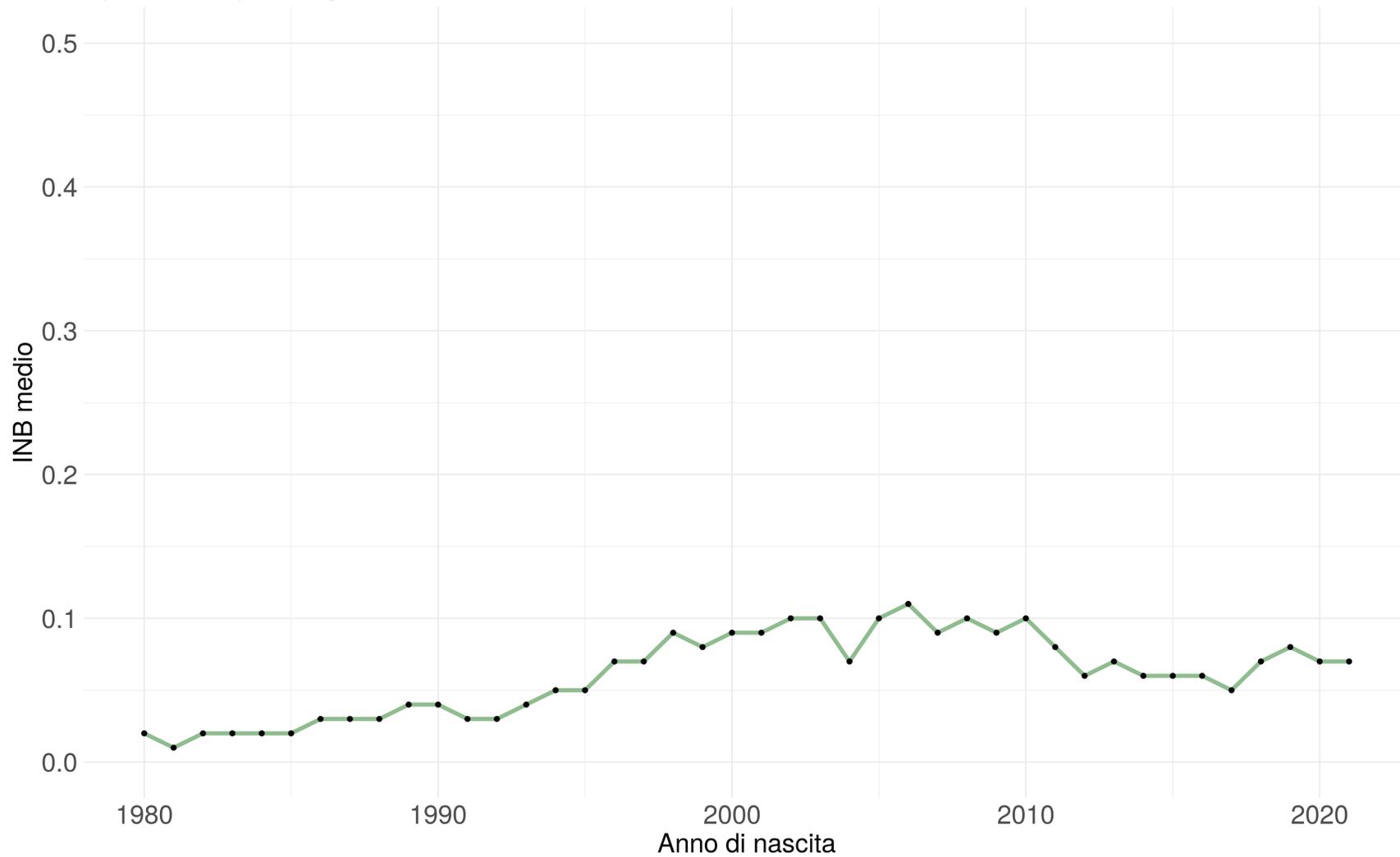
Table 3: Statistiche descrittive delle summary del pedigree dei soggetti con anno di nascita dal 2013

	Mean	Median	Sd	Kurtosis	Skewness	Min	Ist_Qu	IIIrd_Qu	Max	N.Miss	N.oss
equiGen	4.379	3.950	4.507	1.873	0.499	0.000	0.000	8.329	15.219	0	19220
fullGen	1.752	1.000	2.201	3.405	1.231	0.000	0.000	3.000	9.000	0	19220
maxGen	11.927	18.000	11.232	1.165	-0.004	0.000	0.000	23.000	29.000	0	19220
PCI	0.429	0.400	0.425	1.348	0.266	0.000	0.000	0.938	1.000	0	19220
Inbreeding	0.038	0.000	0.079	9.817	2.640	0.000	0.000	0.040	0.558	0	19220

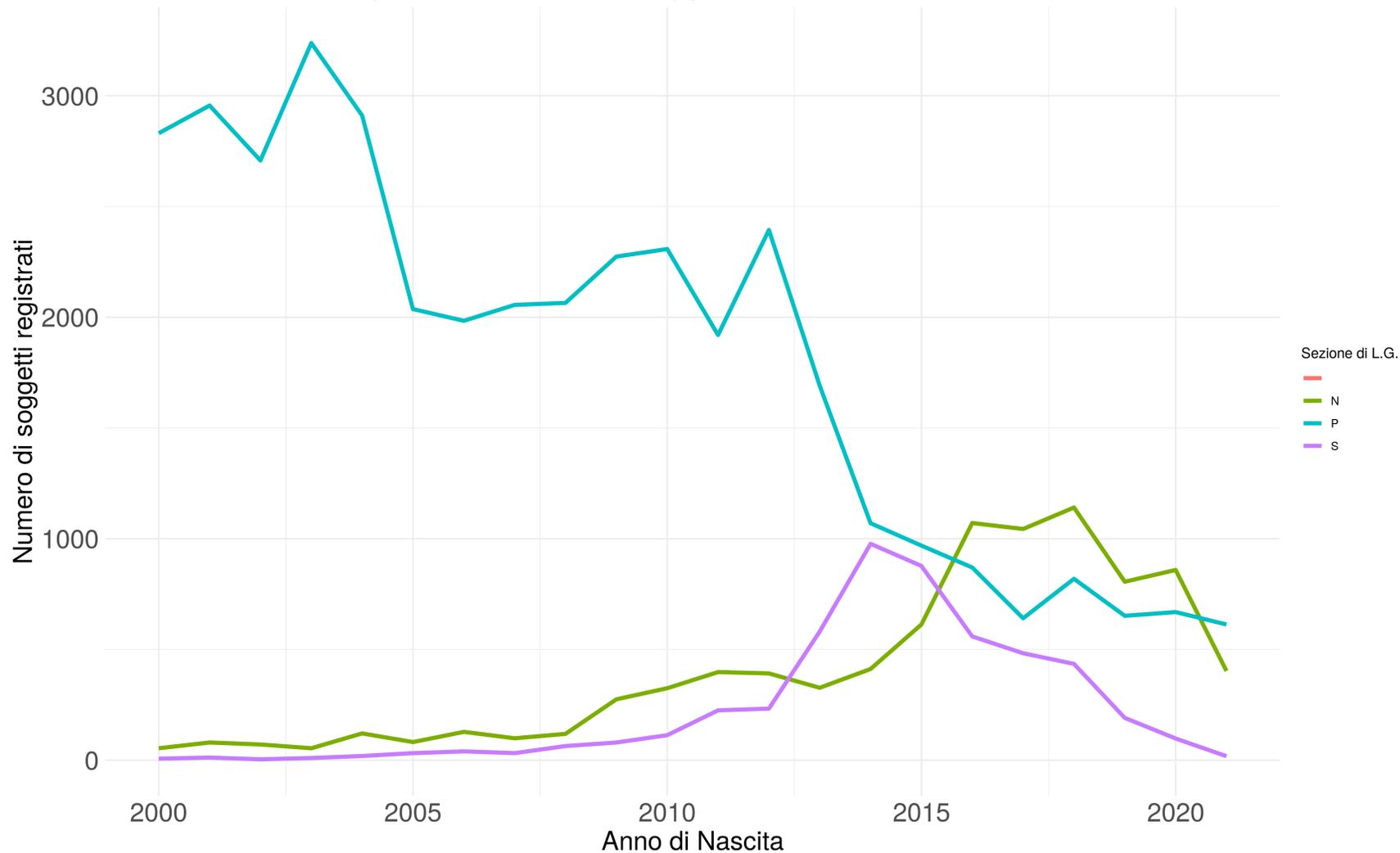
Index of Pedegree Completeness (PCI) medio per anno di nascita
optiSel, R-packege, (Wellmann R., 2018; McCluer et. al,1983)



Inbreeding medio per anno di nascita
optiSel, R-packege, (Wellmann R., 2018)

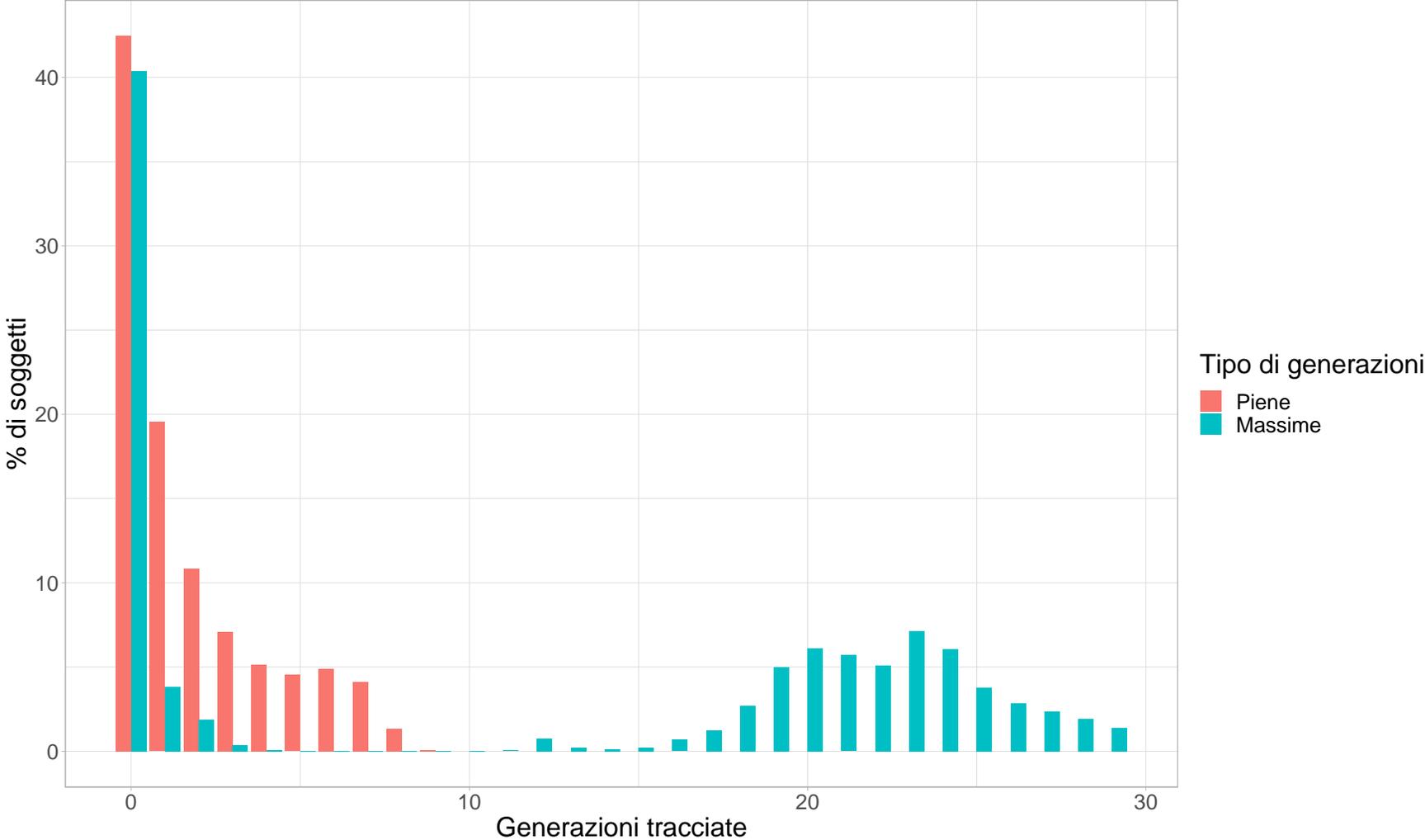


Andamento del numero di registrazione del libro Genealogico (L.G.) per sezione
Sezione P = Principale; sezione S = Supplementare; sezione N = Non iscritti.

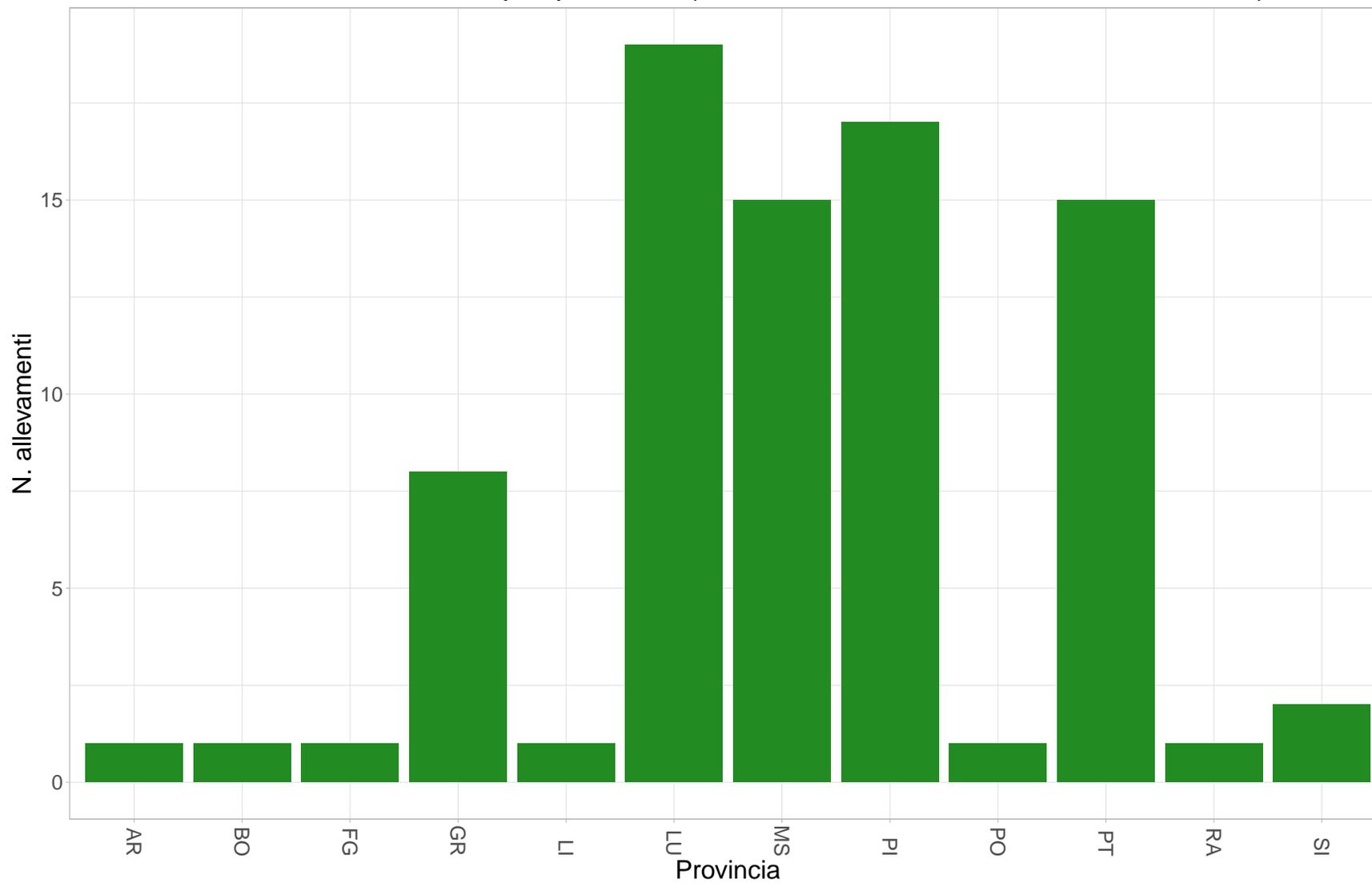


Distribuzione dei soggetti per numero di generazioni piene e massime tracciate

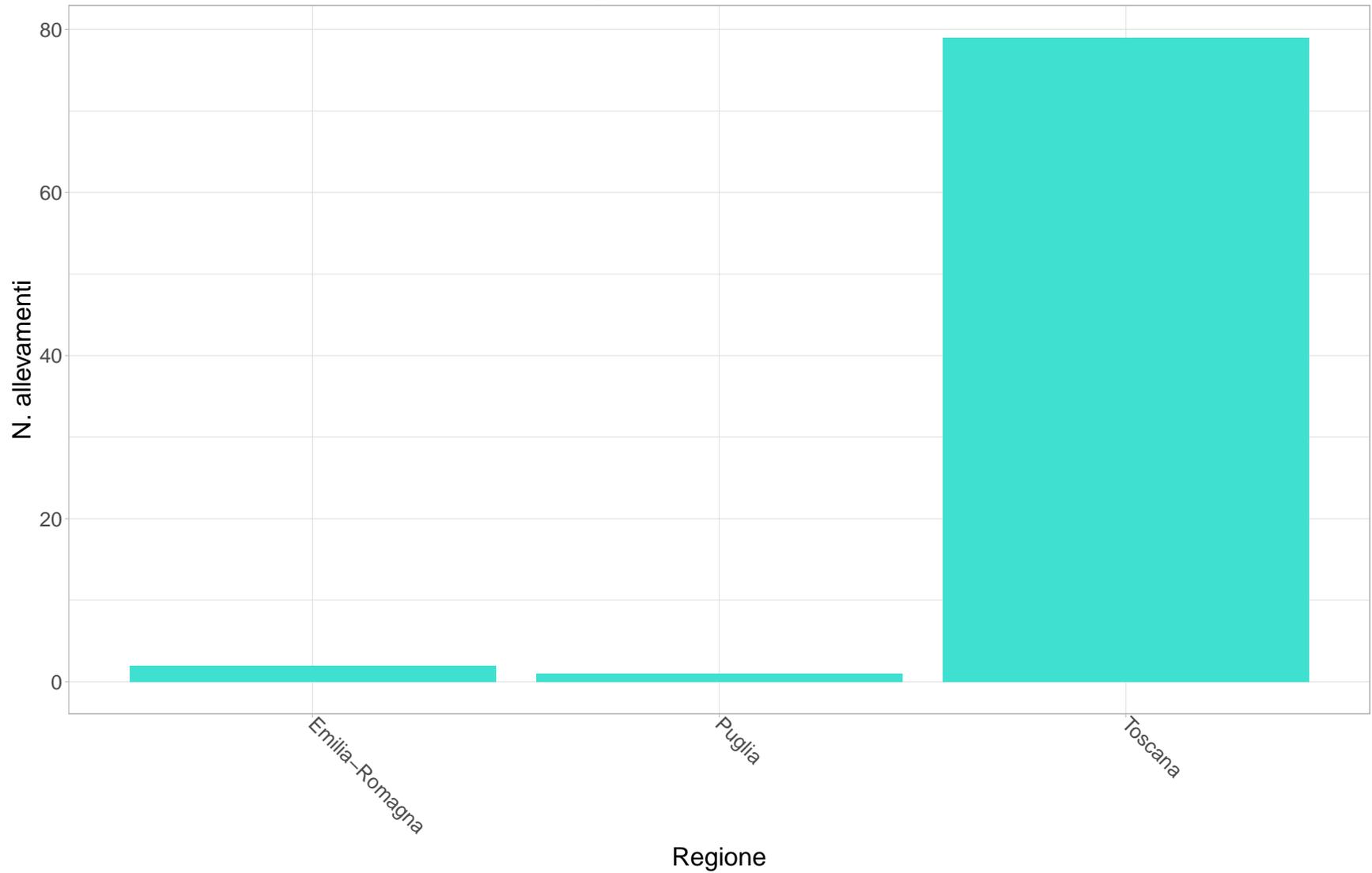
Soggetti vivi



Numero di allevamenti per provincia (allevamenti con almeno 10 animali iscritti)



Numero di allevamenti per Regione (allevamenti con almeno 10 animali iscritti)



Mappa di consanguineita' per provincia

Note: 100 % allevamenti localizzati

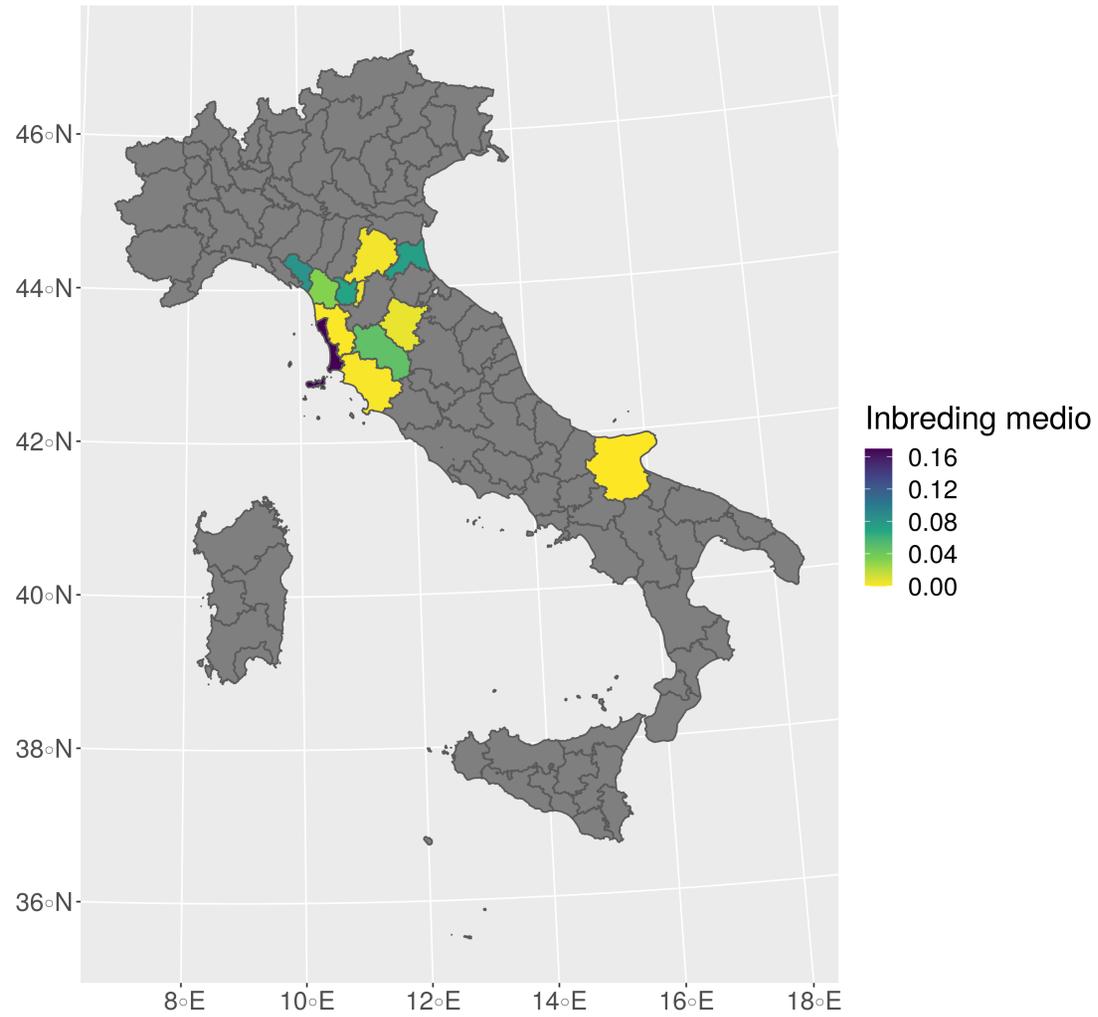


Figure 1: Mappa di Consanguineità

Mappa di consanguineita' per regione

Note: 100 % allevamenti localizzati

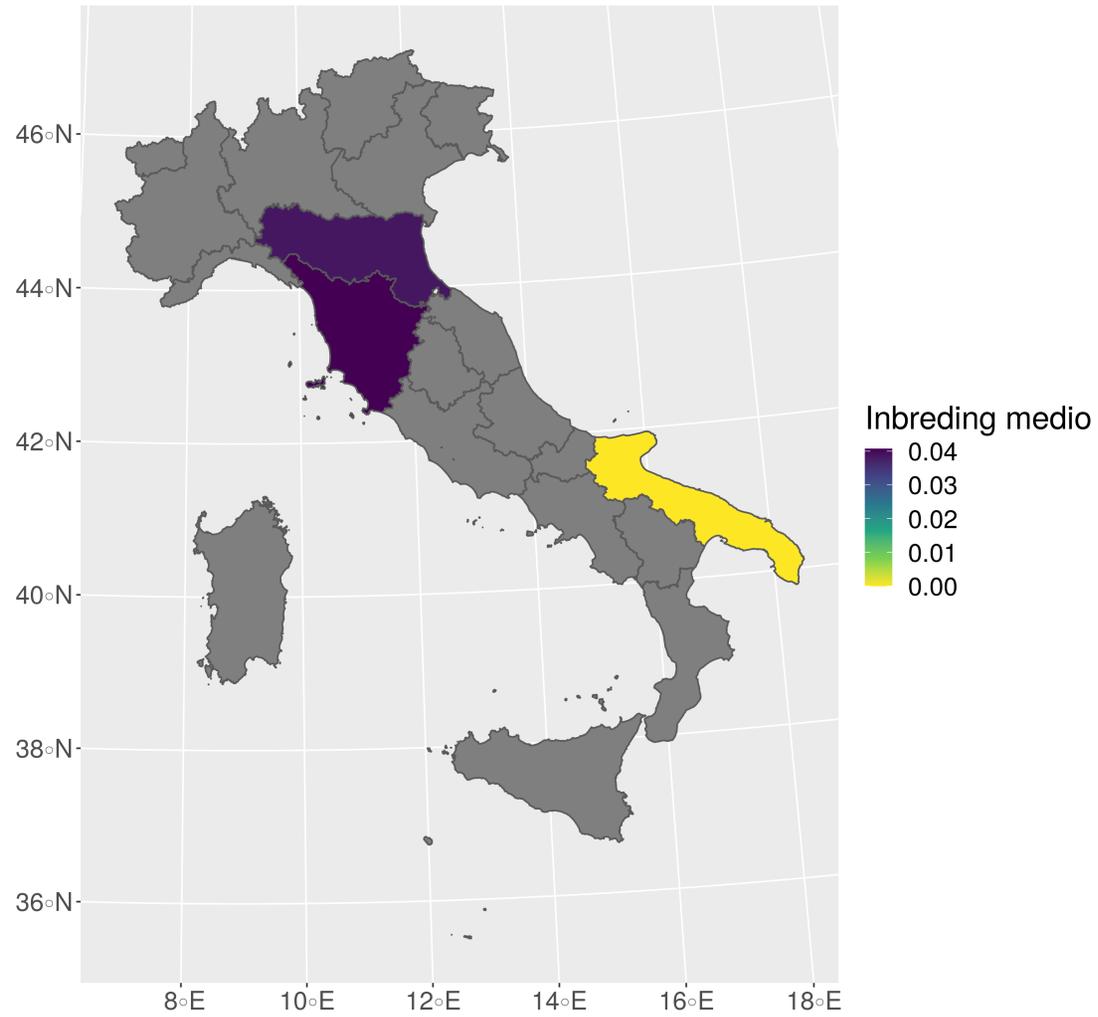


Figure 2: Mappa di Consanguineità

Analisi del pedigree

Sustainability Health Environment Economy Profitability & Genomic Organisation Animal (pheno)Typing (SHEEP&GOAT)

11 luglio, 2023

RAZZA: COMISANA

Codice Razza: 24

Table 1: Consistenze

	Breed_24
Totale animali registrati	743334
Maschi	25920
Femmine	717413
% Maschi	3
% Femmine	97
F/M	28
Totale animali (anno di nascita dal 2013)	15415
Maschi (anno di nascita dal 2013)	1488
Femmine (anno di nascita dal 2013)	13927
% Maschi (anno di nascita dal 2013)	10
% Femmine (anno di nascita dal 2013)	90
F/M animali (anno di nascita dal 2013)	9
N. allevamenti con animali (anno di nascita dal 2013)	171

Nelle tabelle 2 e 3 si riportano le statistiche descrittive dei seguenti parametri calcolati con optiSel (R-package): - equiGen: somma della completeness in tutte le generazioni;

- fullGen: numero massimo di generazioni piene (tutti gli ascendenti per generazione) tracciate;

- maxGen: numero massimo di generazioni massime (almeno un ascendente per generazione) tracciate;

- PCI: è l' Index of Pedigree Completeness che rappresenta la media armonica della completeness dei genitori (MacCluer, 1983);

- inbreeding: consanguineità.

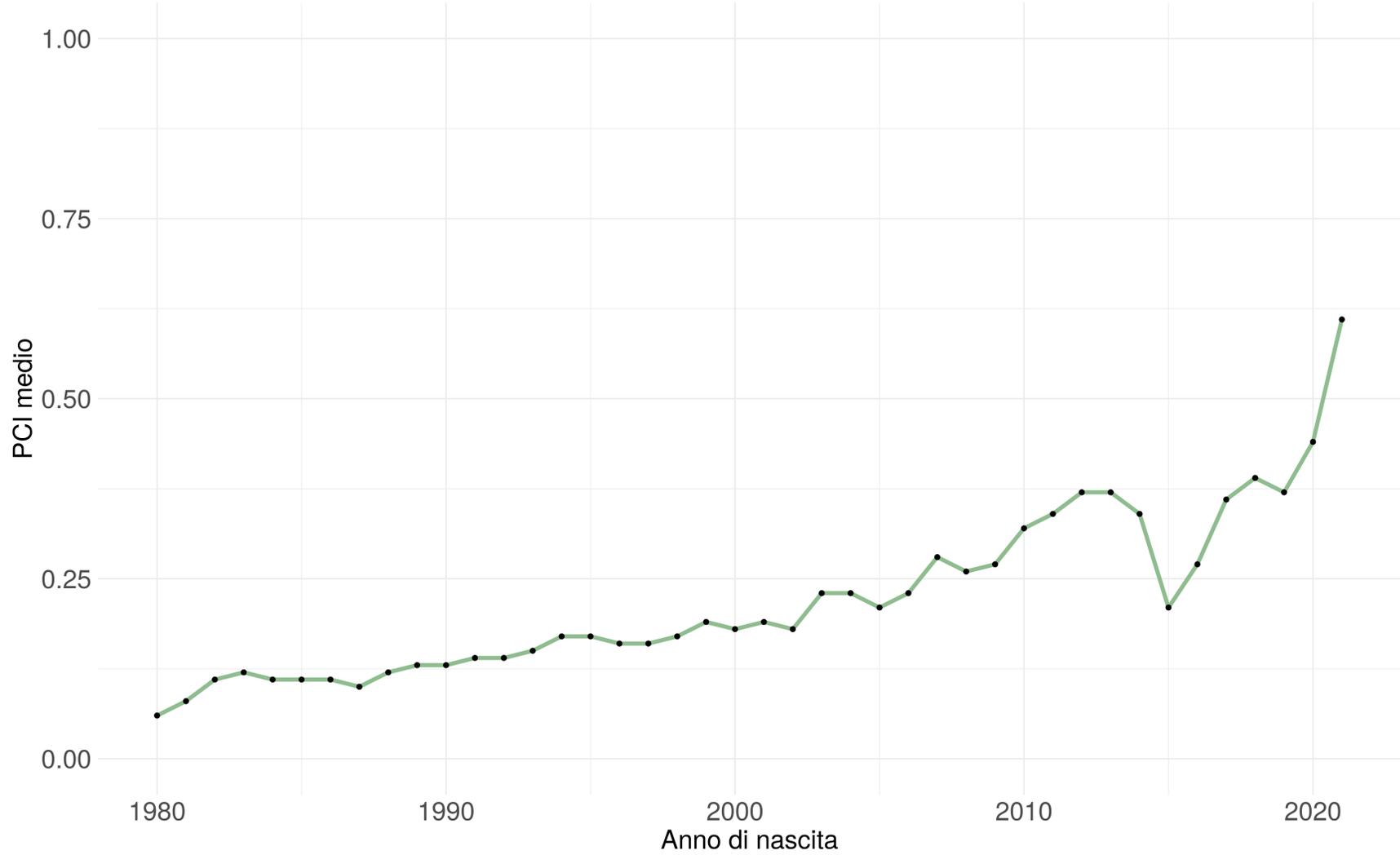
Table 2: Statistiche descrittive delle summary del pedigree del totale dei soggetti

	Mean	Median	Sd	Kurtosis	Skewness	Min	Ist_Qu	IIIrd_Qu	Max	N.Miss	N.oss
equiGen	0.739	0.000	1.300	14.155	2.828	0.000	0.000	1.000	11.417	0	743334
fullGen	0.474	0.000	0.830	12.948	2.633	0.000	0.000	1.000	8.000	0	743334
maxGen	1.282	0.000	2.567	15.436	3.150	0.000	0.000	1.000	21.000	0	743334
PCI	0.145	0.000	0.243	5.941	1.851	0.000	0.000	0.250	1.000	0	743334
Inbreeding	0.005	0.000	0.030	57.367	7.055	0.000	0.000	0.000	0.500	0	743334

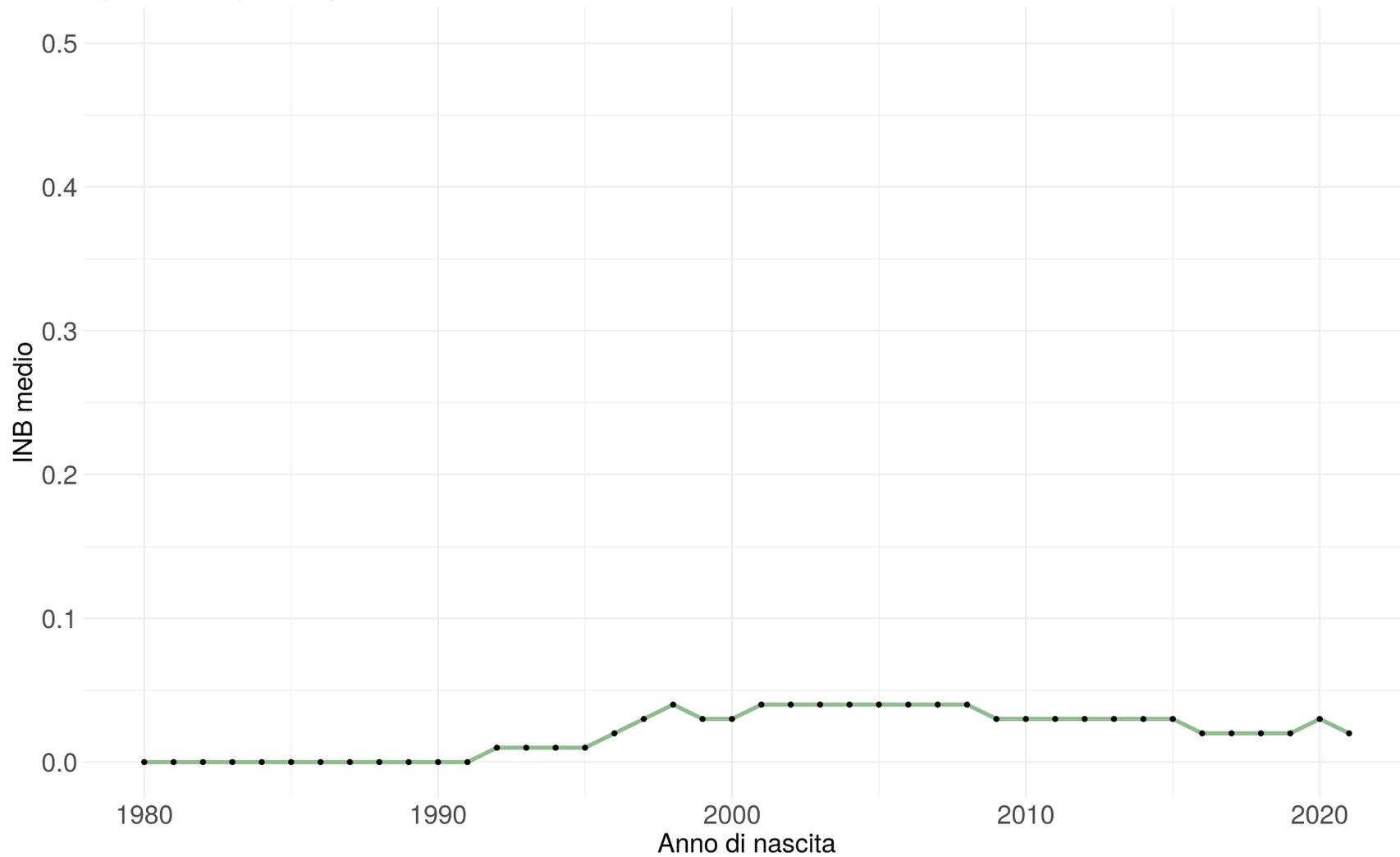
Table 3: Statistiche descrittive delle summary del pedigree dei soggetti con anno di nascita dal 2013

	Mean	Median	Sd	Kurtosis	Skewness	Min	Ist_Qu	IIIrd_Qu	Max	N.Miss	N.oss
equiGen	3.044	0.000	3.794	1.951	0.760	0.000	0.000	6.694	11.417	0	15415
fullGen	1.602	0.000	2.292	2.576	1.089	0.000	0.000	3.000	8.000	0	15415
maxGen	6.476	0.000	7.697	1.585	0.548	0.000	0.000	14.000	21.000	0	15415
PCI	0.354	0.000	0.444	1.501	0.602	0.000	0.000	0.968	1.000	0	15415
Inbreeding	0.011	0.000	0.033	44.283	5.956	0.000	0.000	0.013	0.398	0	15415

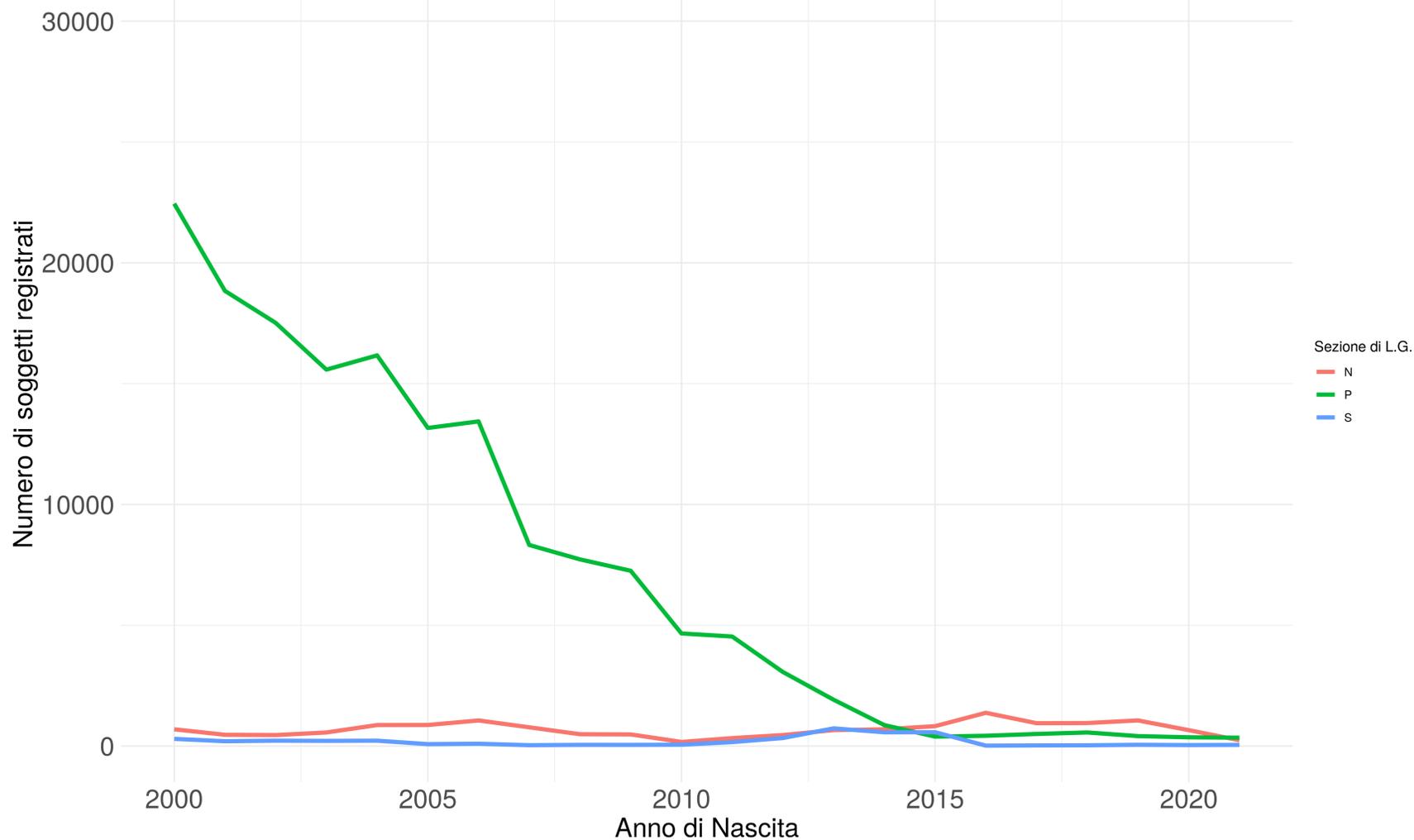
Index of Pedegree Completeness (PCI) medio per anno di nascita
optiSel, R-packege, (Wellmann R., 2018; McCluer et. al,1983)



Inbreeding medio per anno di nascita
optiSel, R-packege, (Wellmann R., 2018)

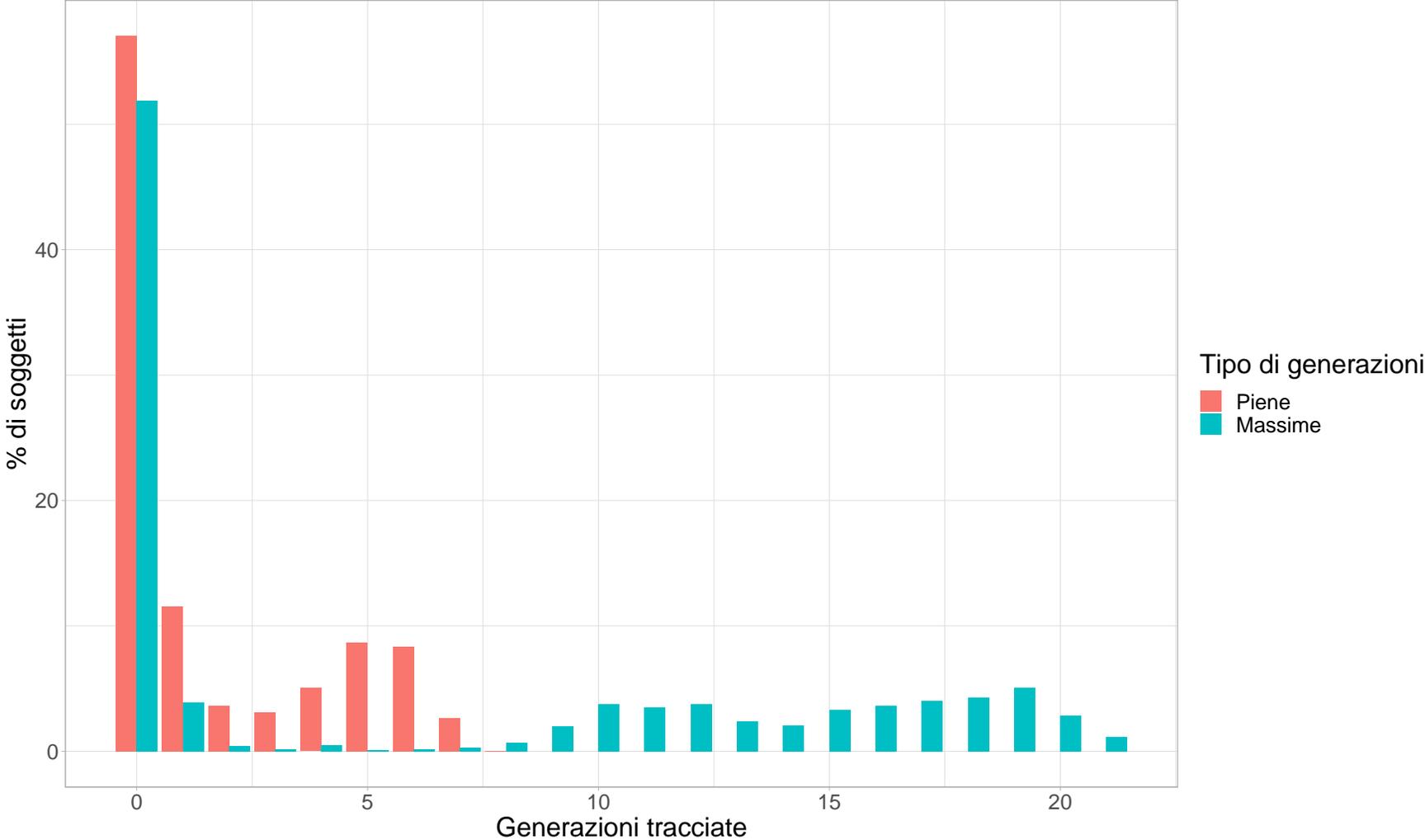


Andamento del numero di registrazione del libro Genealogico (L.G.) per sezione
Sezione P = Principale; sezione S = Supplementare; sezione N = Non iscritti.

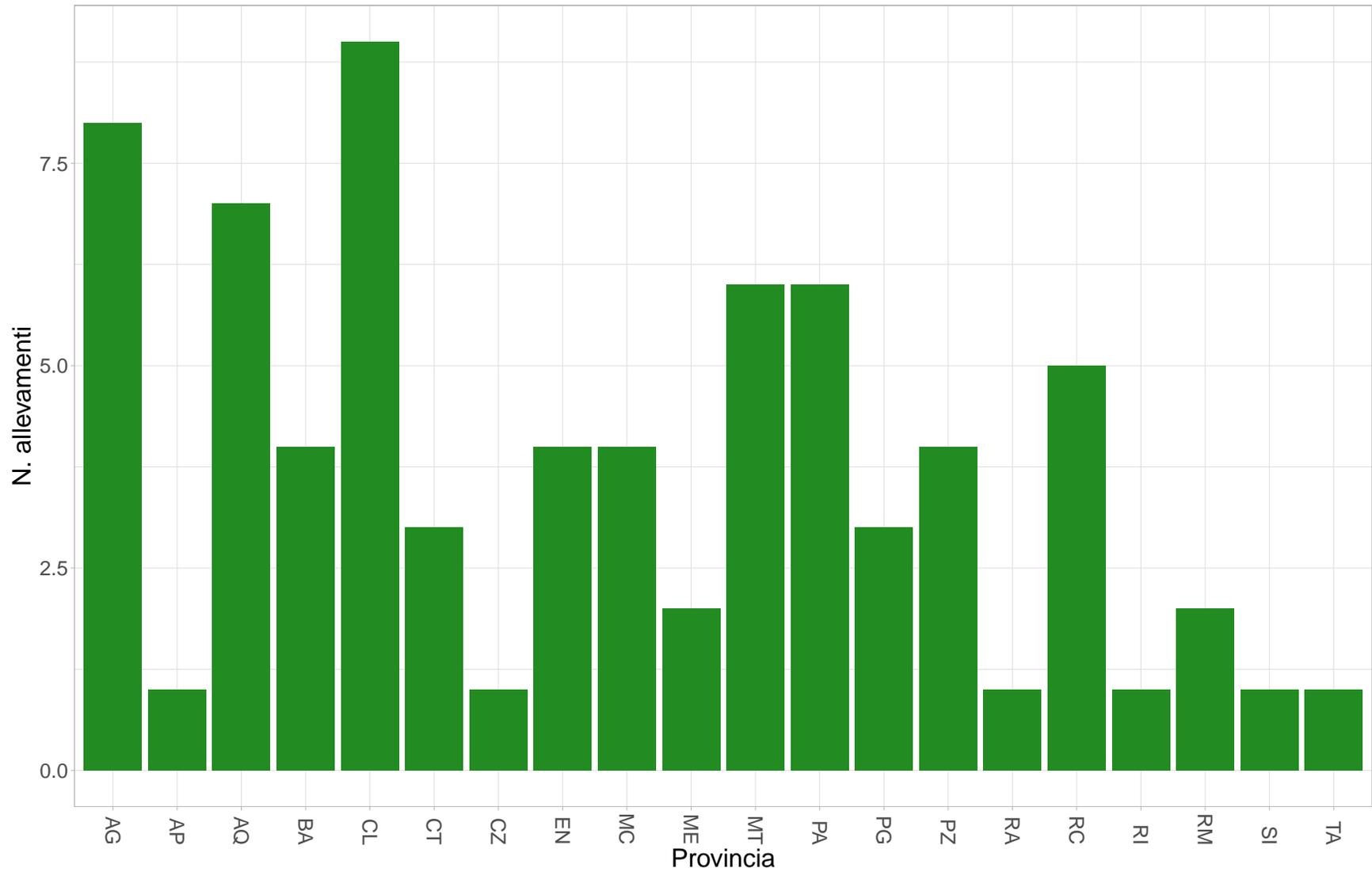


Distribuzione dei soggetti per numero di generazioni piene e massime tracciate

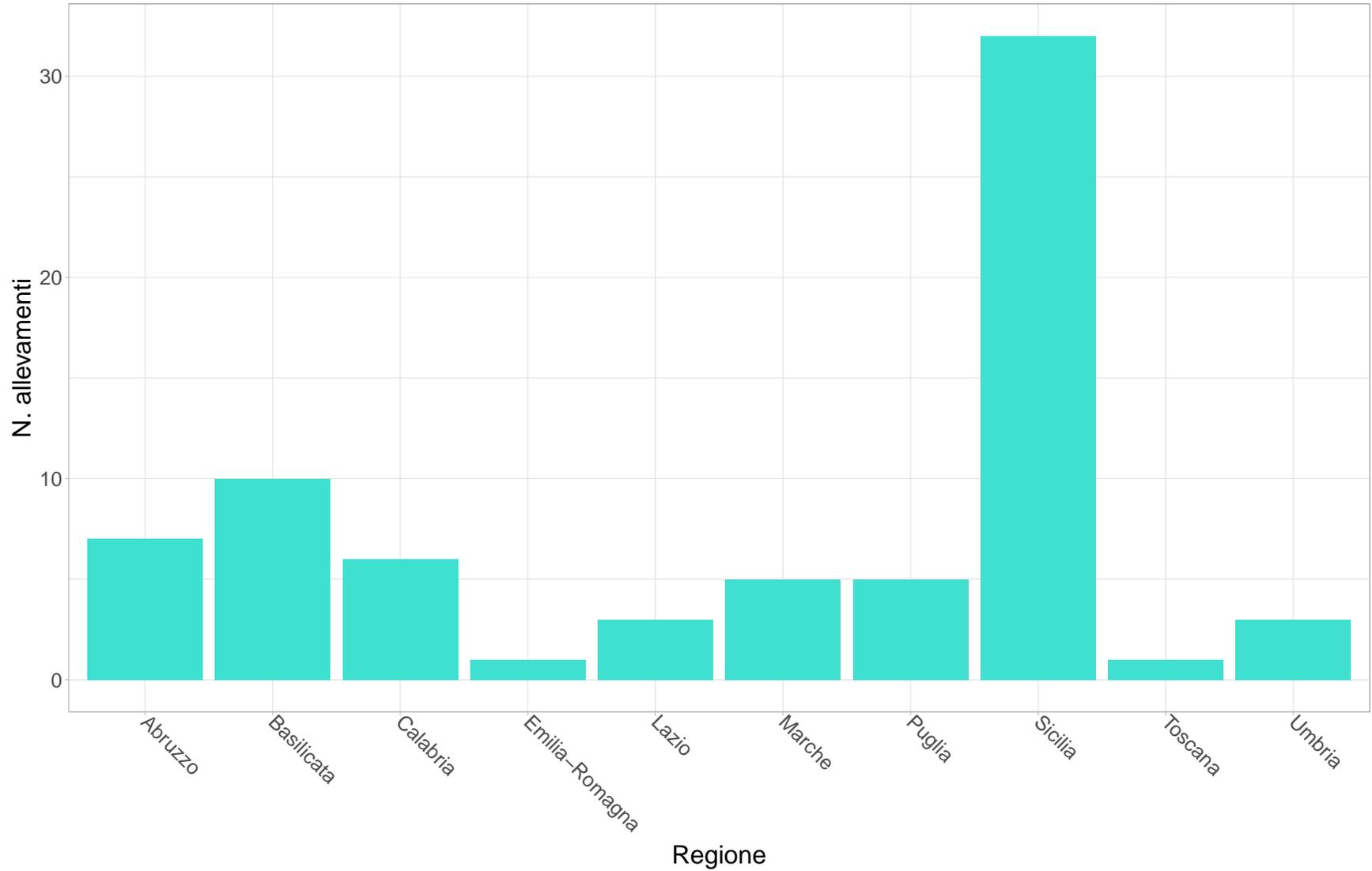
Soggetti vivi



Numero di allevamenti per provincia (allevamenti con almeno 10 animali iscritti)



Numero di allevamenti per Regione (allevamenti con almeno 10 animali iscritti)



Mappa di consanguineita' per provincia

Note: 100 % allevamenti localizzati

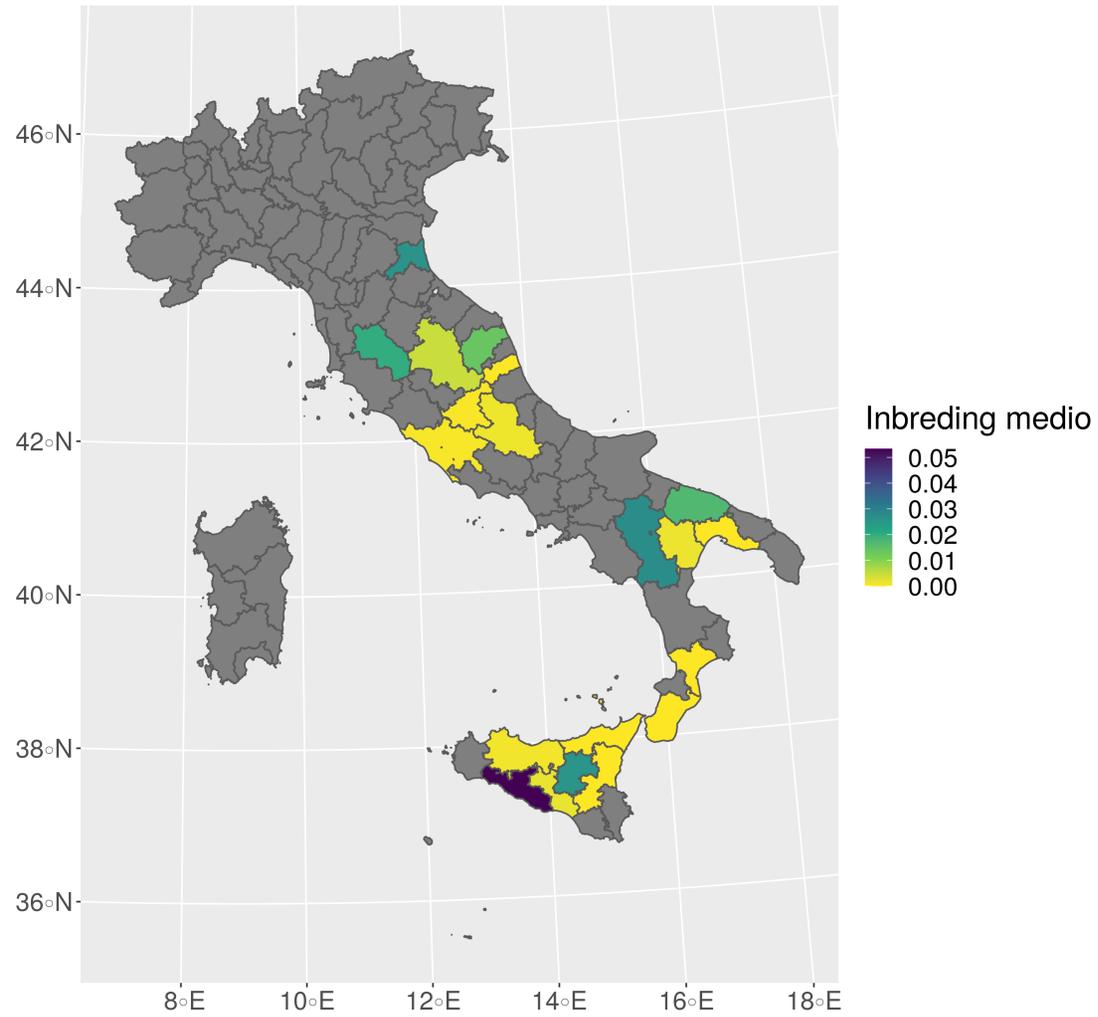


Figure 1: Mappa di Consanguineità

Mappa di consanguineita' per regione

Note: 100 % allevamenti localizzati

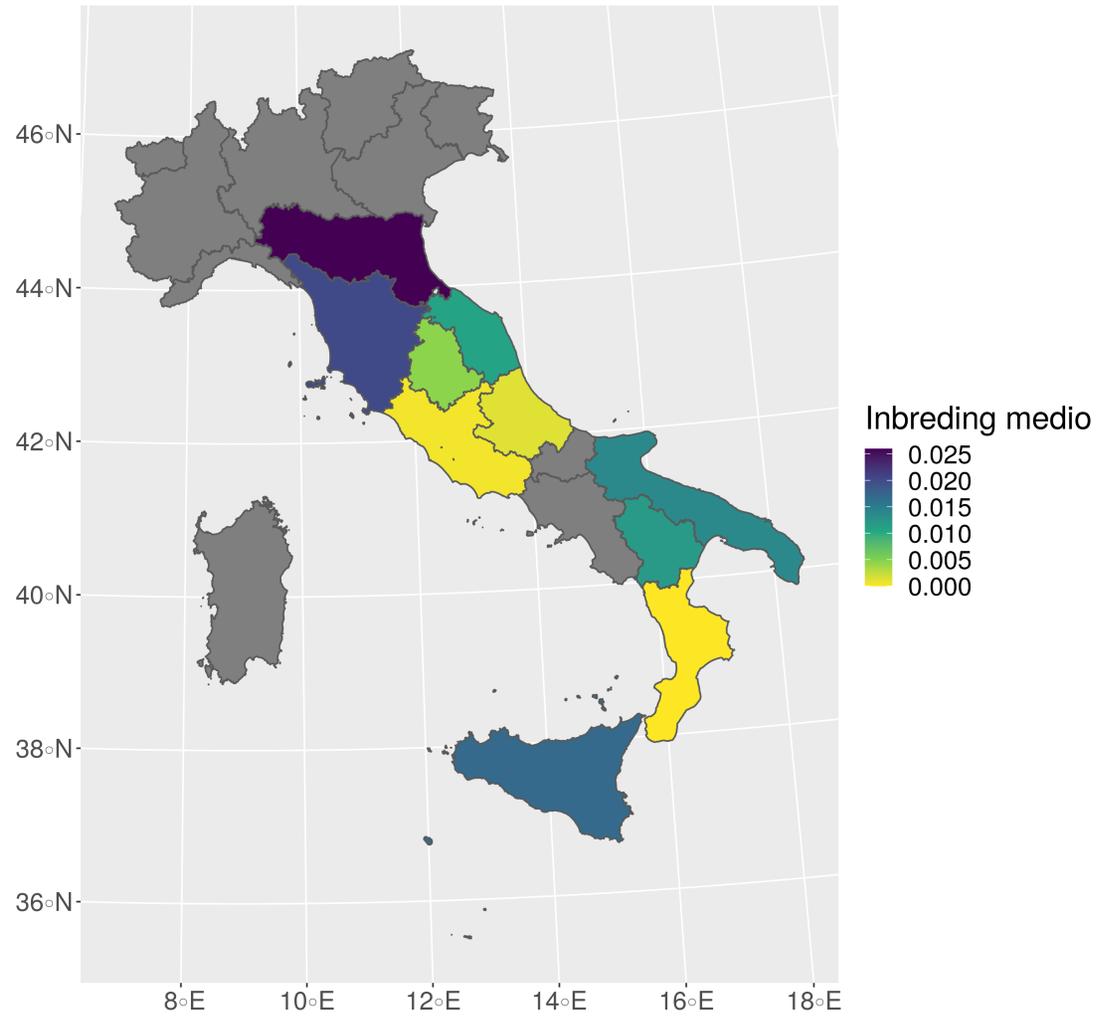


Figure 2: Mappa di Consanguineità

Analisi del pedigree

Sustainability Health Environment Economy Profitability & Genomic Organisation Animal (pheno)Typing (SHEEP&GOAT)

11 luglio, 2023

RAZZA: DELLE LANGHE

Codice Razza: 30

Table 1: Consistenze

	Breed 30
Totale animali registrati	40240
Maschi	2217
Femmine	38023
% Maschi	6
% Femmine	94
F/M	17
Totale animali (anno di nascita dal 2013)	6154
Maschi (anno di nascita dal 2013)	410
Femmine (anno di nascita dal 2013)	5744
% Maschi (anno di nascita dal 2013)	7
% Femmine (anno di nascita dal 2013)	93
F/M animali (anno di nascita dal 2013)	14
N. allevamenti con animali (anno di nascita dal 2013)	65

Nelle tabelle 2 e 3 si riportano le statistiche descrittive dei seguenti parametri calcolati con optiSel (R-package): - equiGen: somma della completeness in tutte le generazioni;

- fullGen: numero massimo di generazioni piene (tutti gli ascendenti per generazione) tracciate;

- maxGen: numero massimo di generazioni massime (almeno un ascendente per generazione) tracciate;

- PCI: è l' Index of Pedigree Completeness che rappresenta la media armonica della completeness dei genitori (MacCluer, 1983);

- inbreeding: consanguineità.

Table 2: Statistiche descrittive delle summary del pedigree del totale dei soggetti

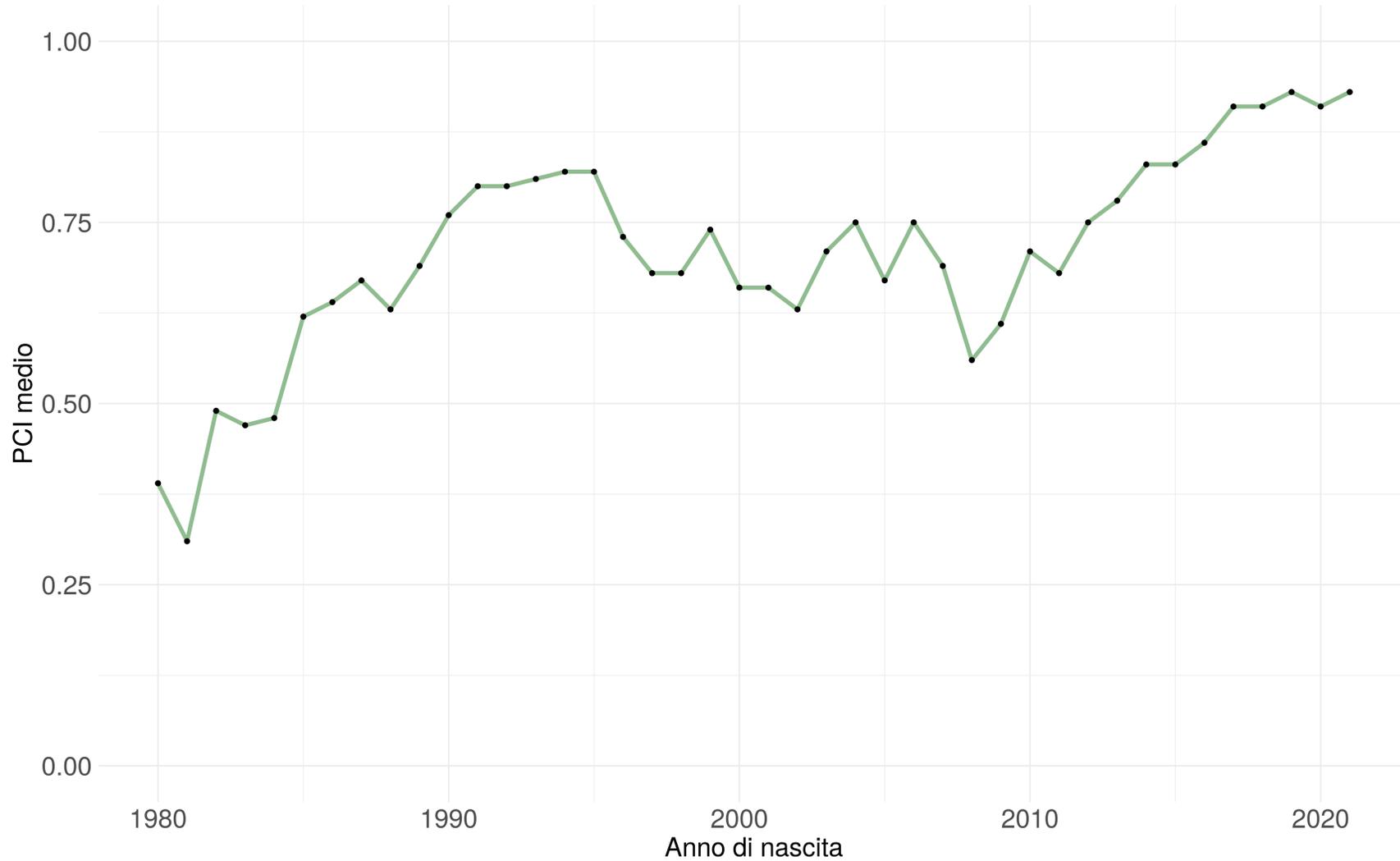
	Mean	Median	Sd	Kurtosis	Skewness	Min	Ist_Qu	IIIrd_Qu	Max	N.Miss	N.oss
equiGen	5.342	5.459	3.833	2.076	0.135	0.000	2.215	8.004	14.443	0	40240
fullGen	2.693	3.000	2.200	2.274	0.438	0.000	1.000	4.000	9.000	0	40240
maxGen	14.876	16.000	10.260	1.878	-0.101	0.000	6.000	22.000	34.000	0	40240
PCI	0.665	0.933	0.411	1.828	-0.763	0.000	0.367	1.000	1.000	0	40240
Inbreeding	0.035	0.015	0.059	12.795	2.972	0.000	0.000	0.041	0.469	0	40240

Table 3: Statistiche descrittive delle summary del pedigree dei soggetti con anno di nascita dal 2013

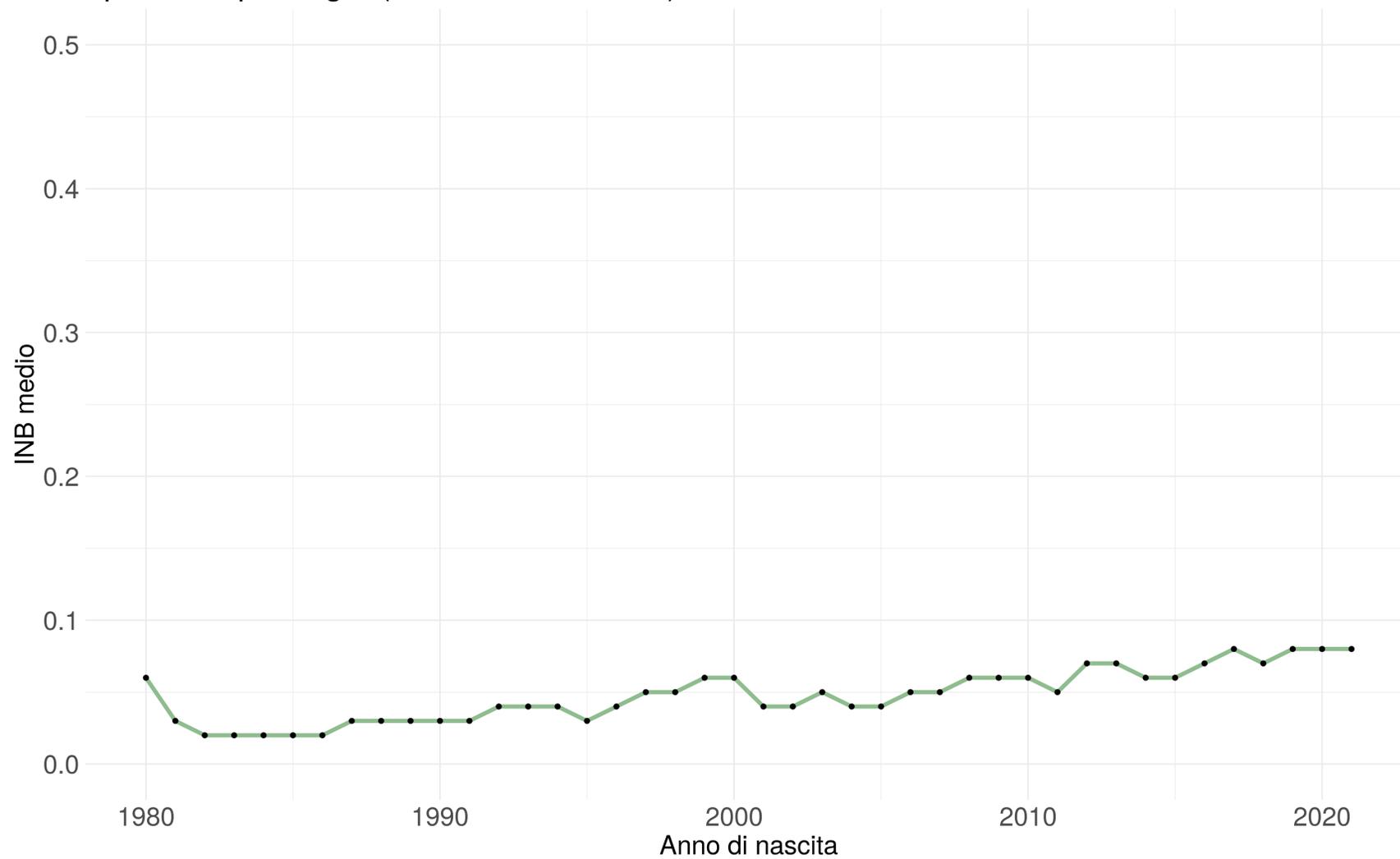
	Mean	Median	Sd	Kurtosis	Skewness	Min	Ist_Qu	IIIrd_Qu	Max	N.Miss	N.oss
equiGen	10.454	11.435	3.182	6.984	-2.116	0.000	10.272	12.313	14.443	0	6154
fullGen	5.120	6.000	2.463	2.255	-0.756	0.000	3.000	7.000	9.000	0	6154
maxGen	27.962	30.000	7.343	12.135	-3.178	0.000	29.000	31.000	34.000	0	6154
PCI	0.884	1.000	0.270	7.339	-2.382	0.000	0.968	1.000	1.000	0	6154
Inbreeding	0.068	0.053	0.064	8.926	2.238	0.000	0.037	0.078	0.441	0	6154

Index of Pedegree Completeness (PCI) medio per anno di nascita

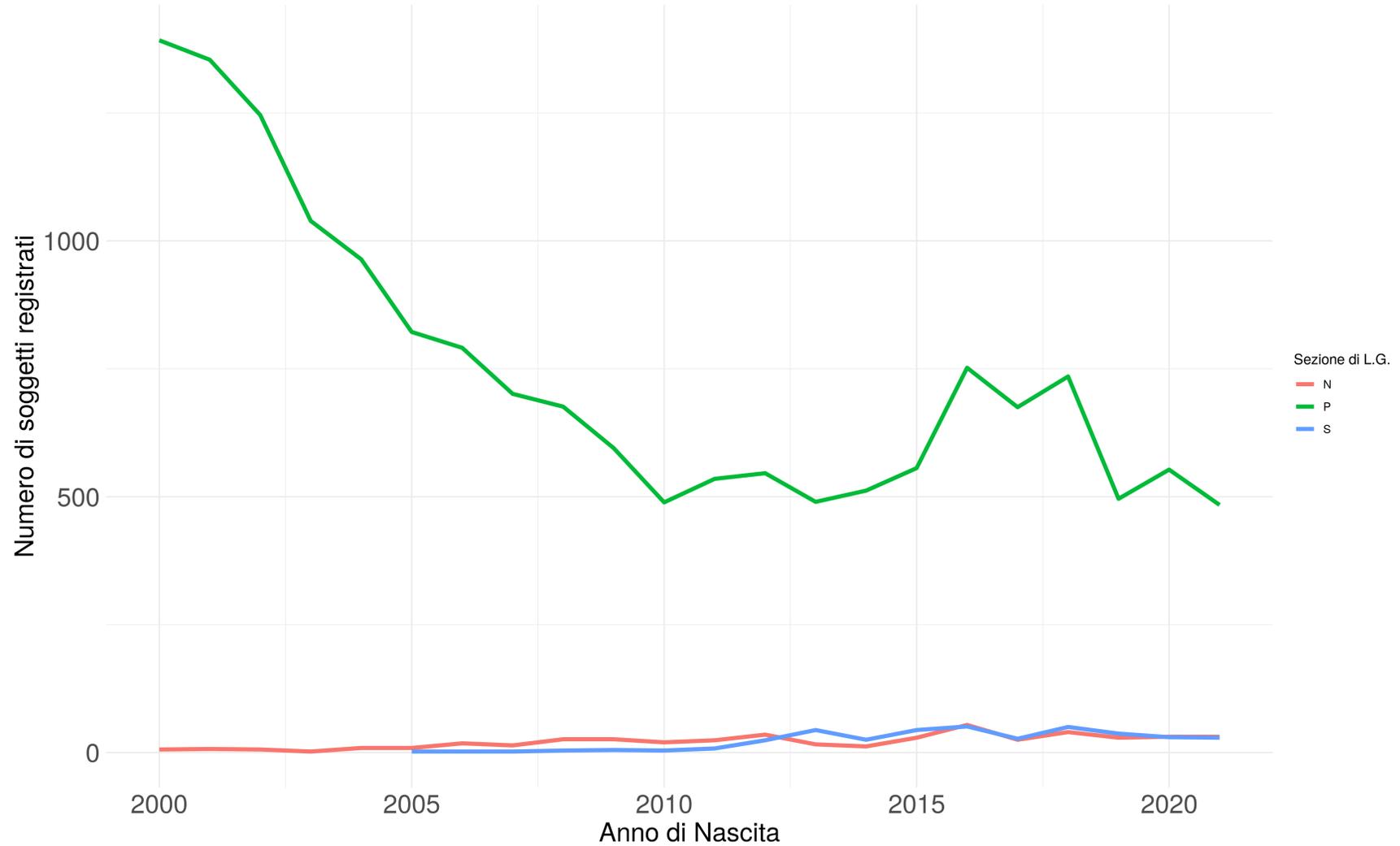
optiSel, R-pacgege, (Wellmann R., 2018; McCluer et. al,1983)



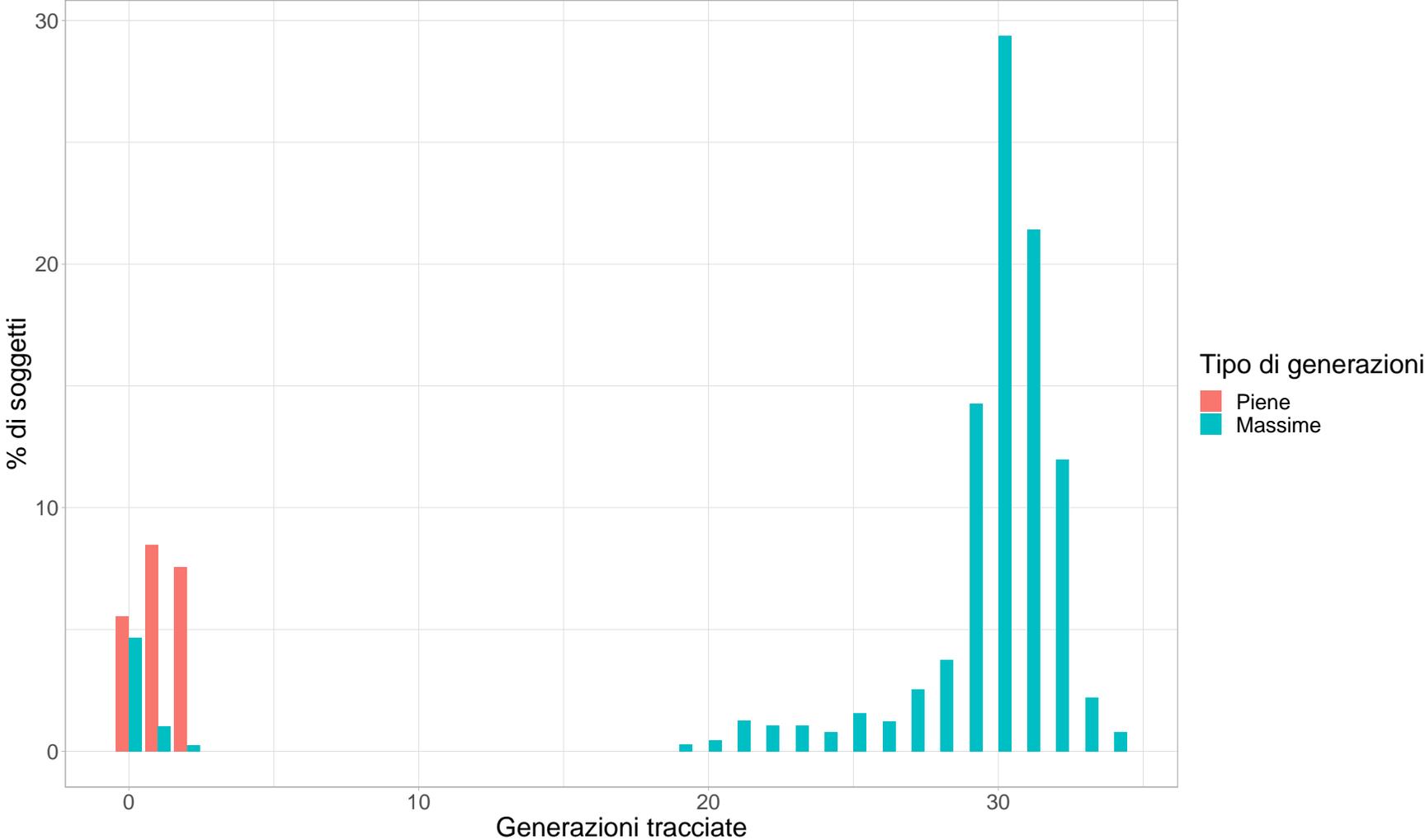
Inbreeding medio per anno di nascita
optiSel, R-packege, (Wellmann R., 2018)



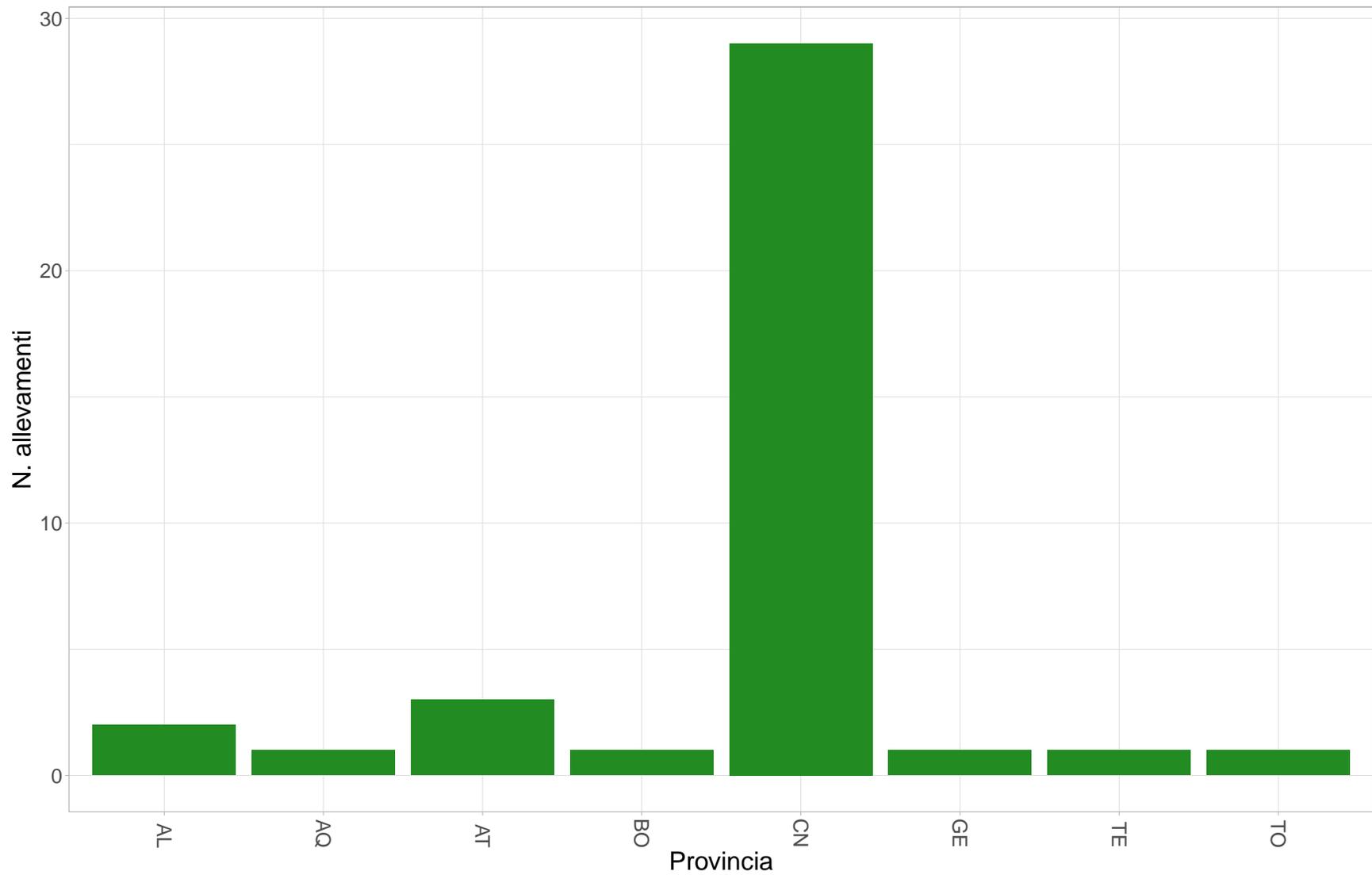
Andamento del numero di registrazione del libro Genealogico (L.G.) per sezione
Sezione P = Principale; sezione S = Supplementare; sezione N = Non iscritti.



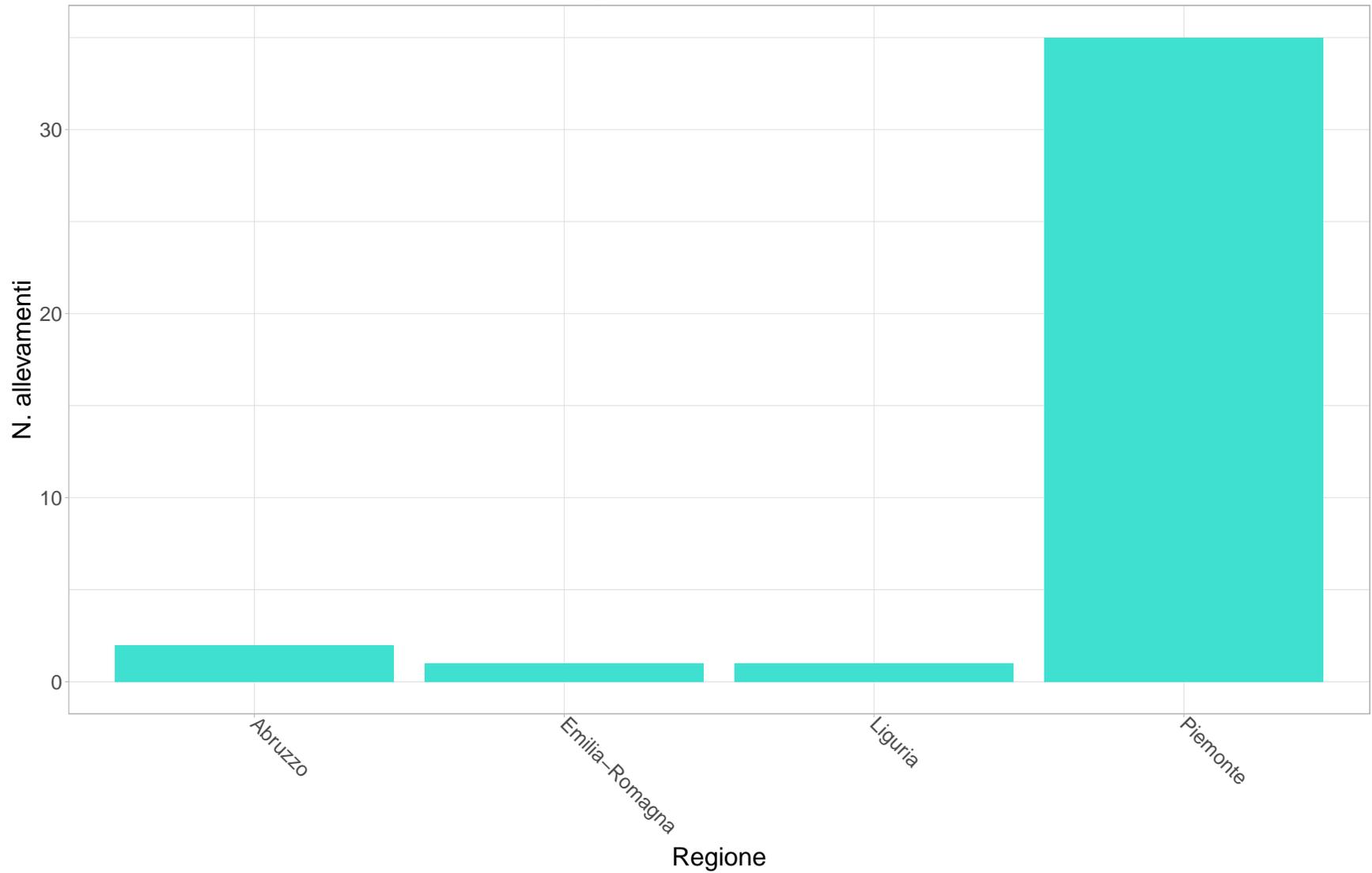
Distribuzione dei soggetti per numero di generazioni piene e massime tracciate
Soggetti vivi



Numero di allevamenti per provincia (allevamenti con almeno 10 animali iscritti)



Numero di allevamenti per Regione (allevamenti con almeno 10 animali iscritti)



Mappa di consanguineita' per provincia

Note: 100 % allevamenti localizzati

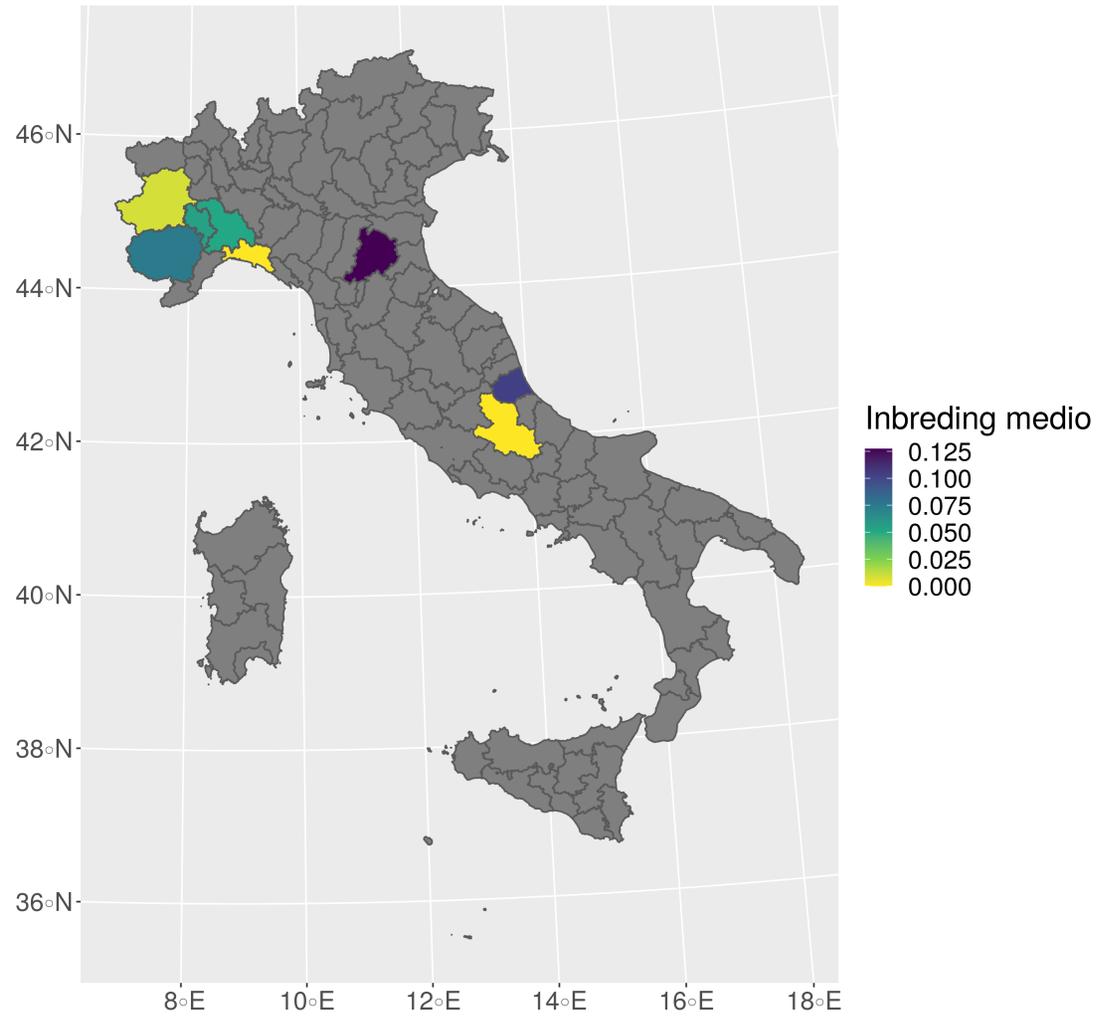


Figure 1: Mappa di Consanguineità

Mappa di consanguineita' per regione

Note: 100 % allevamenti localizzati

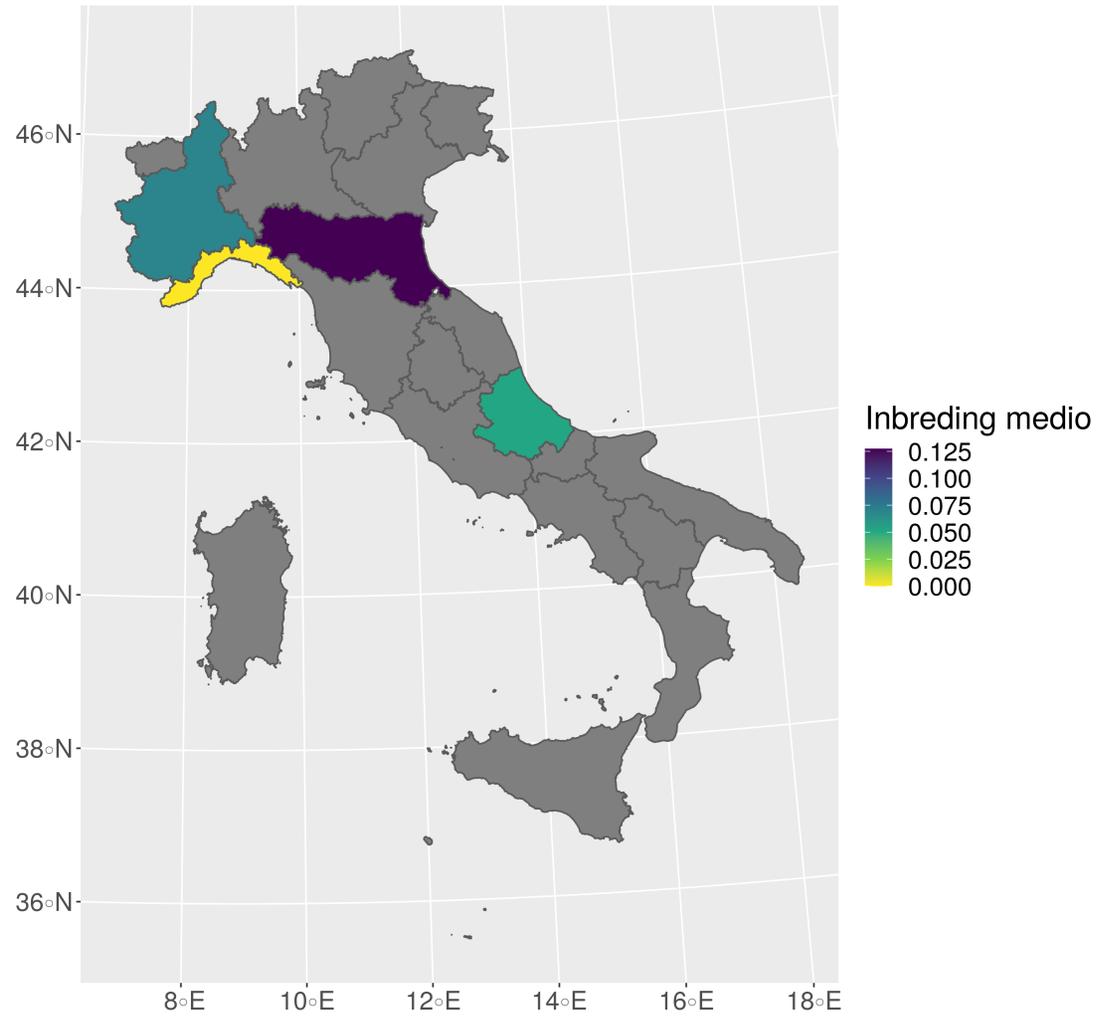


Figure 2: Mappa di Consanguineità

Analisi del pedigree

Sustainability Health Environment Economy Profitability & Genomic Organisation Animal (pheno)Typing (SHEEP&GOAT)

11 luglio, 2023

RAZZA: MERINIZZATA ITALIANA

Codice Razza: 31

Table 1: Consistenze

	Breed_31
Totale animali registrati	146370
Maschi	9532
Femmine	136838
% Maschi	7
% Femmine	93
F/M	14
Totale animali (anno di nascita dal 2013)	32258
Maschi (anno di nascita dal 2013)	2569
Femmine (anno di nascita dal 2013)	29689
% Maschi (anno di nascita dal 2013)	8
% Femmine (anno di nascita dal 2013)	92
F/M animali (anno di nascita dal 2013)	12
N. allevamenti con animali (anno di nascita dal 2013)	271

Nelle tabelle 2 e 3 si riportano le statistiche descrittive dei seguenti parametri calcolati con optiSel (R-package): - equiGen: somma della completeness in tutte le generazioni;

- fullGen: numero massimo di generazioni piene (tutti gli ascendenti per generazione) tracciate;

- maxGen: numero massimo di generazioni massime (almeno un ascendente per generazione) tracciate;

- PCI: è l' Index of Pedigree Completeness che rappresenta la media armonica della completeness dei genitori (MacCluer, 1983);

- inbreeding: consanguineità.

Table 2: Statistiche descrittive delle summary del pedigree del totale dei soggetti

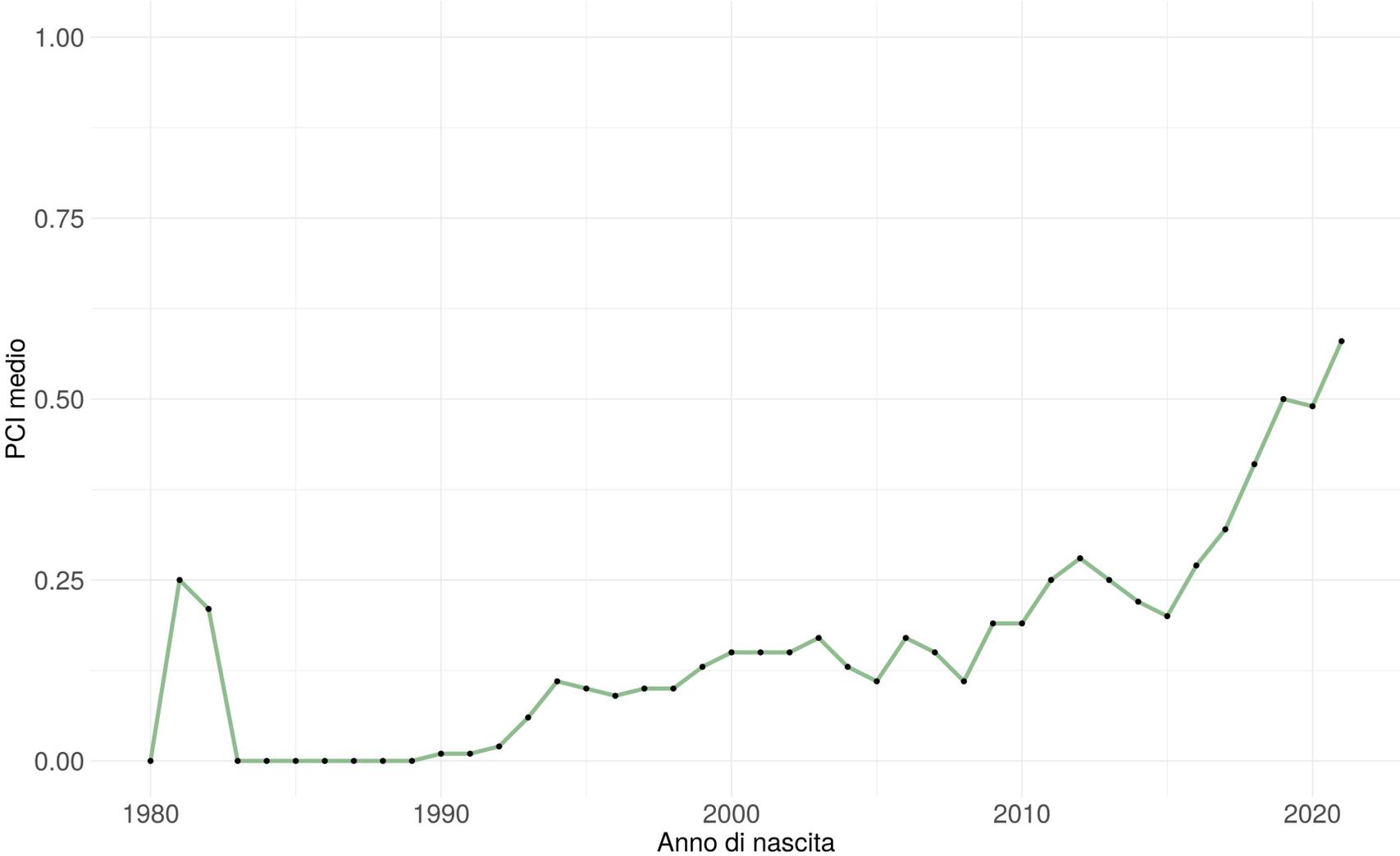
	Mean	Median	Sd	Kurtosis	Skewness	Min	Ist_Qu	IIIrd_Qu	Max	N.Miss	N.oss
equiGen	0.852	0.000	1.184	4.142	1.344	0.000	0.000	1.500	6.537	0	146370
fullGen	0.528	0.000	0.795	4.796	1.492	0.000	0.000	1.000	5.000	0	146370
maxGen	1.494	0.000	2.273	5.162	1.671	0.000	0.000	2.000	12.000	0	146370
PCI	0.174	0.000	0.260	3.770	1.344	0.000	0.000	0.333	1.000	0	146370
Inbreeding	0.007	0.000	0.036	39.579	5.855	0.000	0.000	0.000	0.442	0	146370

Table 3: Statistiche descrittive delle summary del pedigree dei soggetti con anno di nascita dal 2013

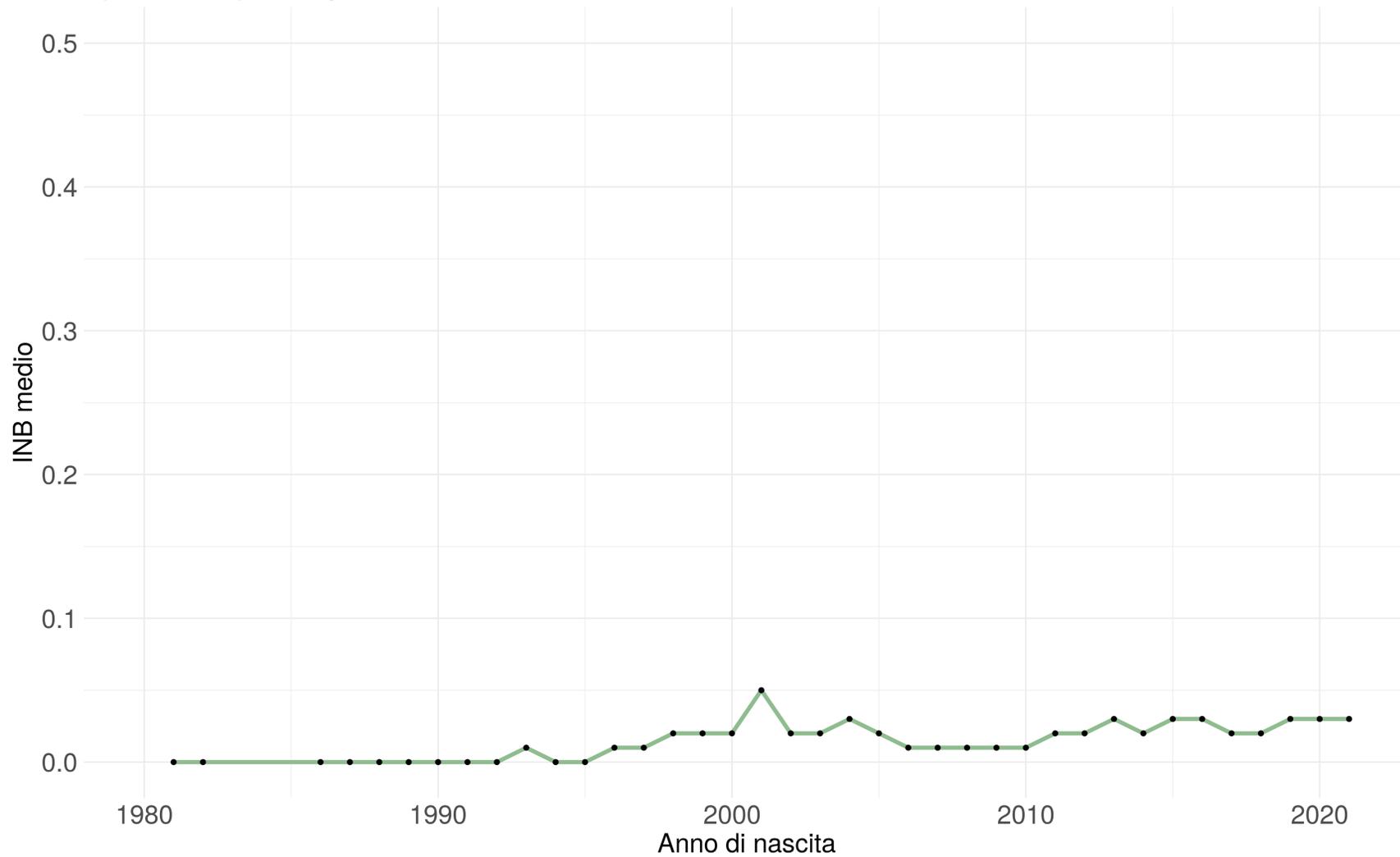
	Mean	Median	Sd	Kurtosis	Skewness	Min	Ist_Qu	IIIrd_Qu	Max	N.Miss	N.oss
equiGen	1.722	1.562	1.571	2.028	0.433	0.000	0.000	2.992	6.537	0	32258
fullGen	0.925	1.000	1.057	2.736	0.840	0.000	0.000	2.000	5.000	0	32258
maxGen	3.477	3.000	3.203	1.842	0.390	0.000	0.000	6.000	12.000	0	32258
PCI	0.321	0.250	0.350	1.711	0.512	0.000	0.000	0.682	1.000	0	32258
Inbreeding	0.014	0.000	0.045	20.929	4.119	0.000	0.000	0.000	0.442	0	32258

Index of Pedegree Completeness (PCI) medio per anno di nascita

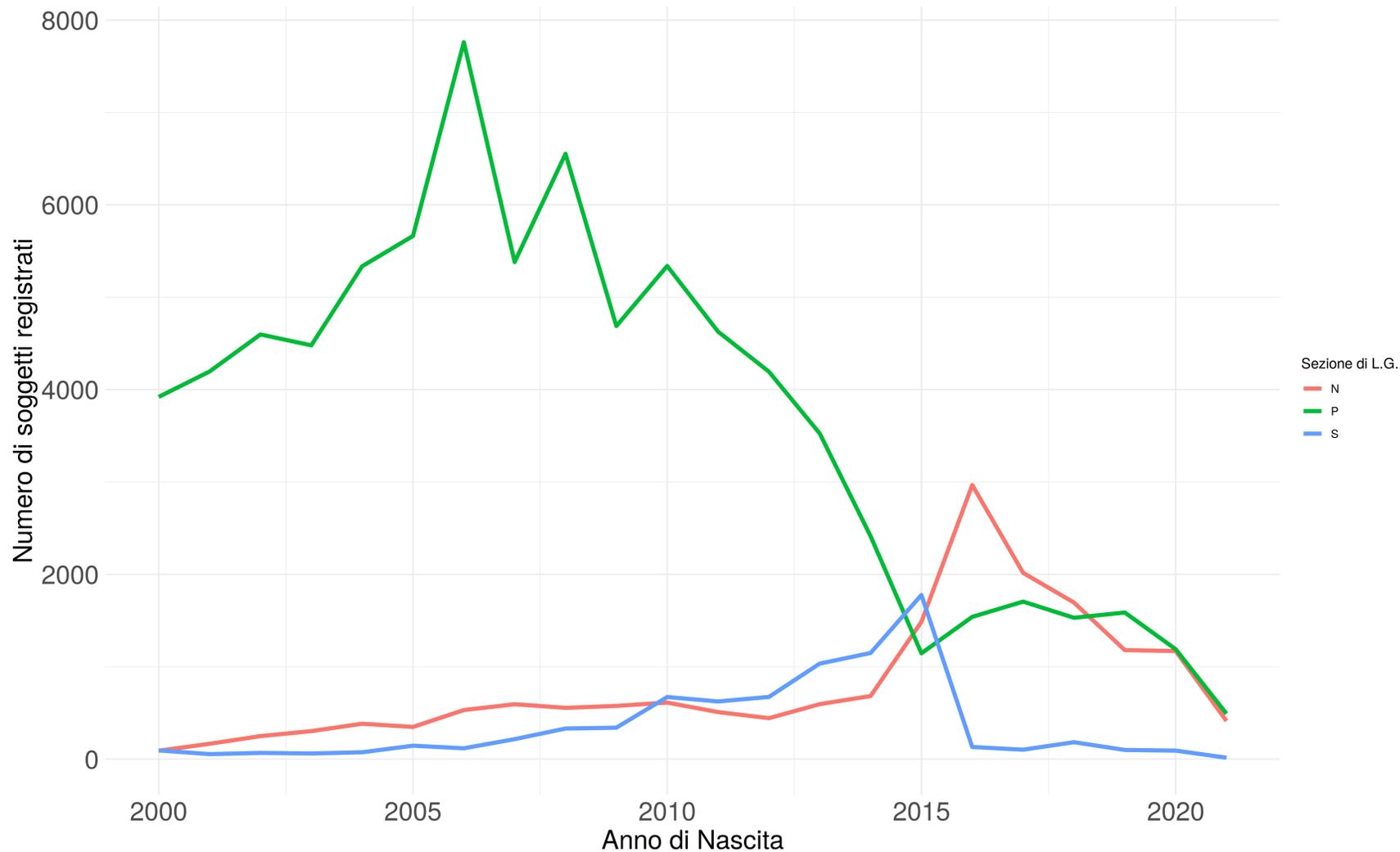
optiSel, R-packege, (Wellmann R., 2018; McCluer et. al,1983)



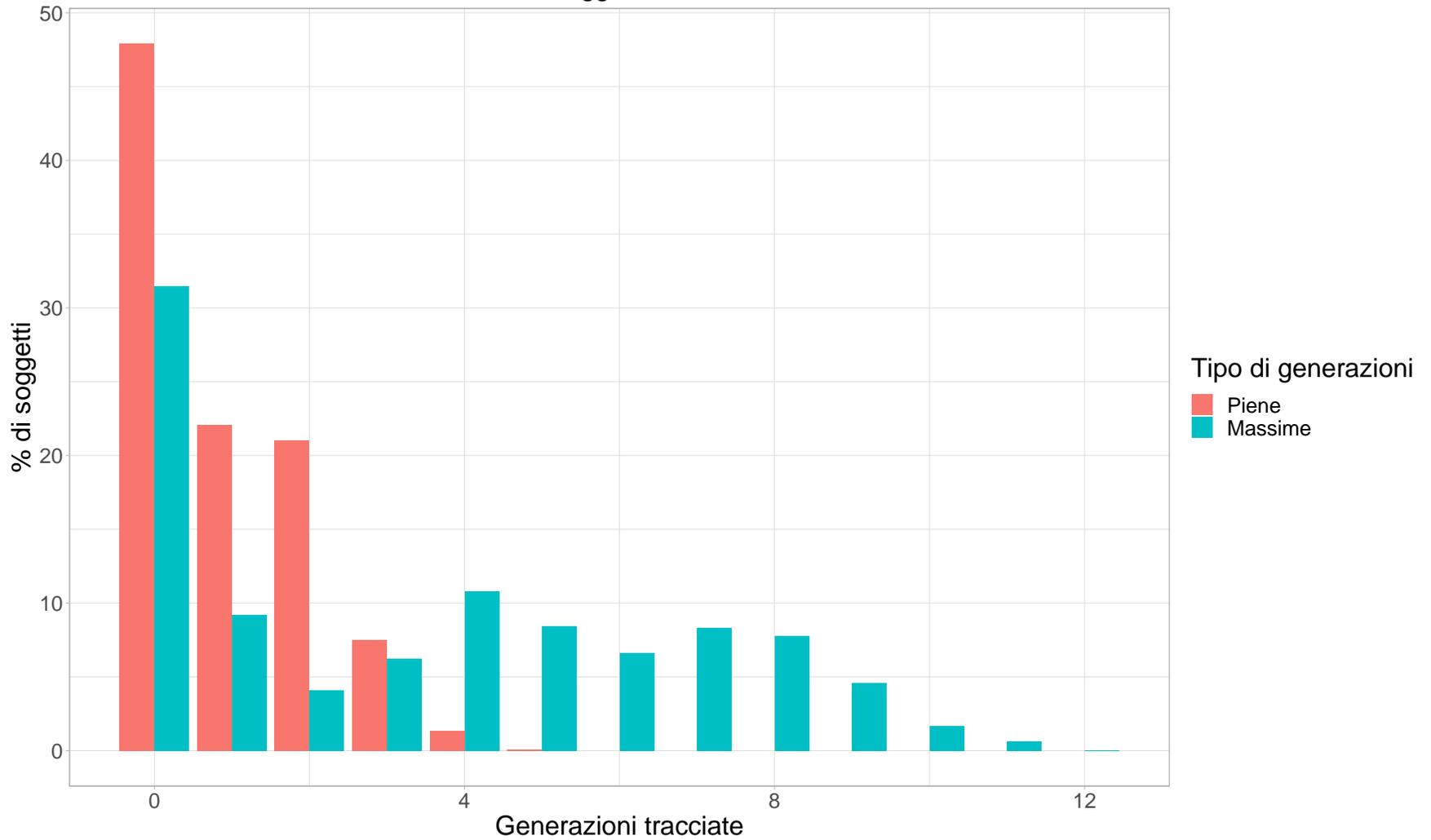
Inbreeding medio per anno di nascita
optiSel, R-packege, (Wellmann R., 2018)



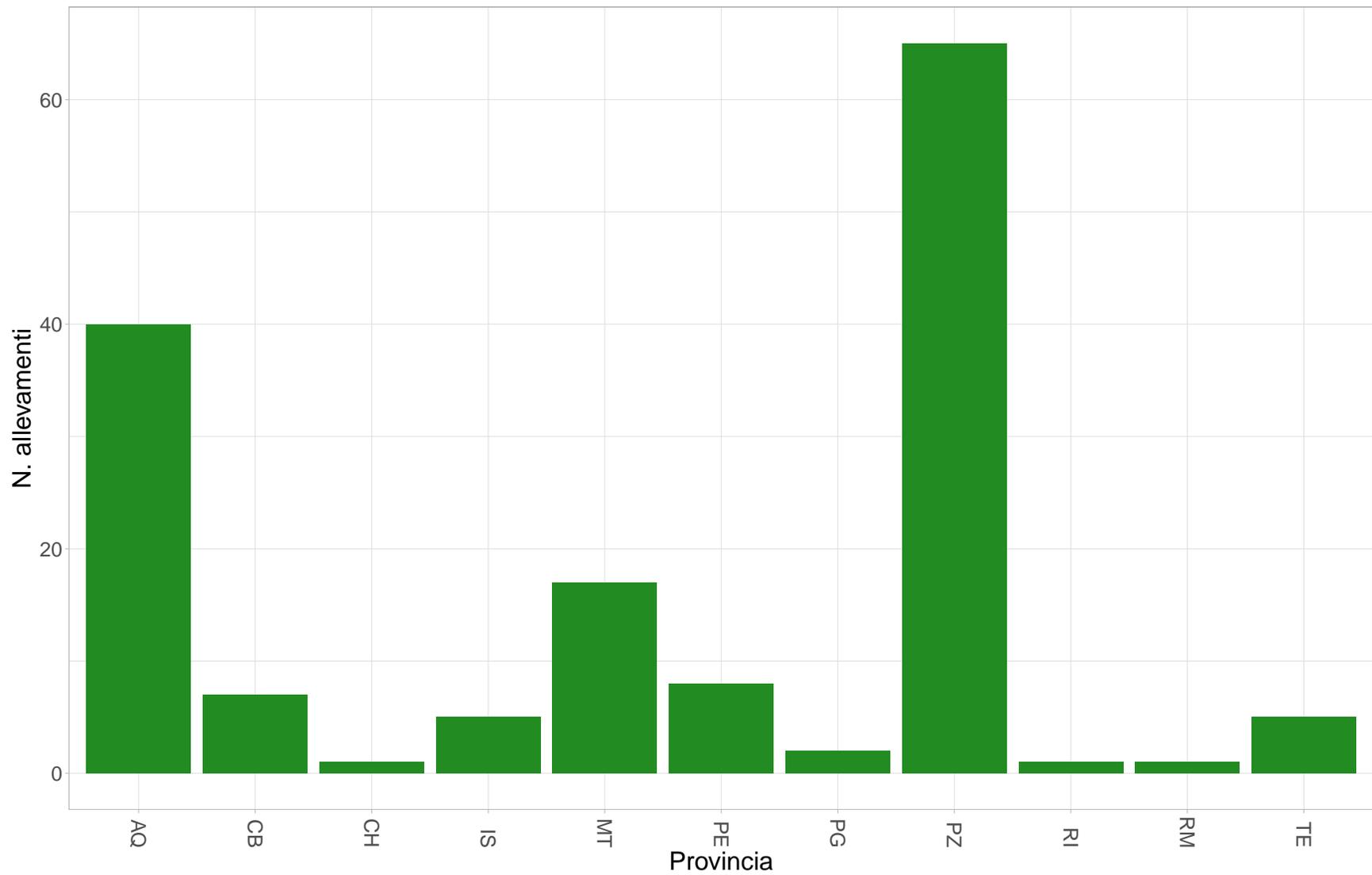
Andamento del numero di registrazione del libro Genealogico (L.G.) per sezione
Sezione P = Principale; sezione S = Supplementare; sezione N = Non iscritti.



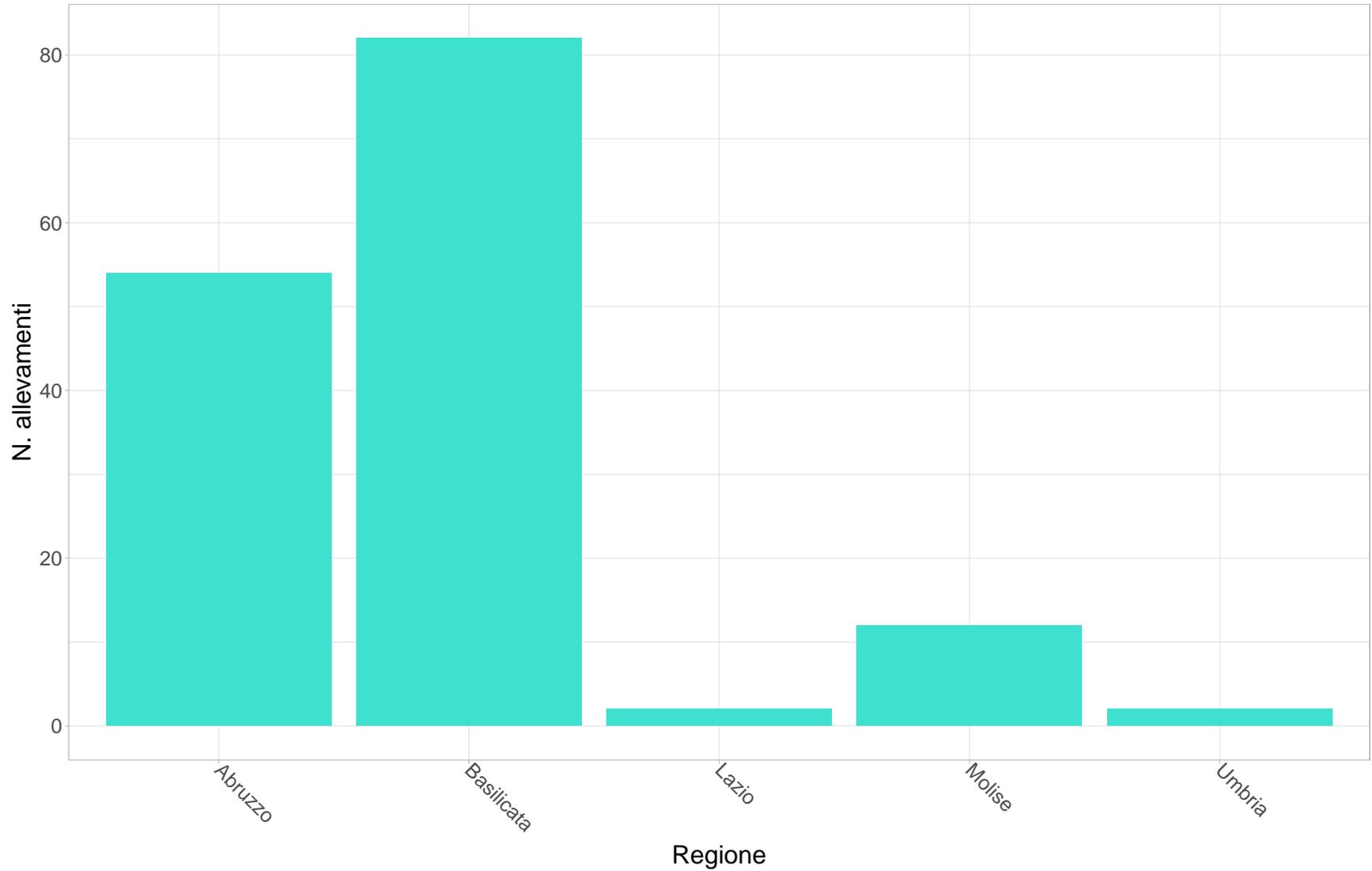
Distribuzione dei soggetti per numero di generazioni piene e massime tracciate
Soggetti vivi



Numero di allevamenti per provincia (allevamenti con almeno 10 animali iscritti)



Numero di allevamenti per Regione (allevamenti con almeno 10 animali iscritti)



Mappa di consanguineita' per provincia

Note: 100 % allevamenti localizzati

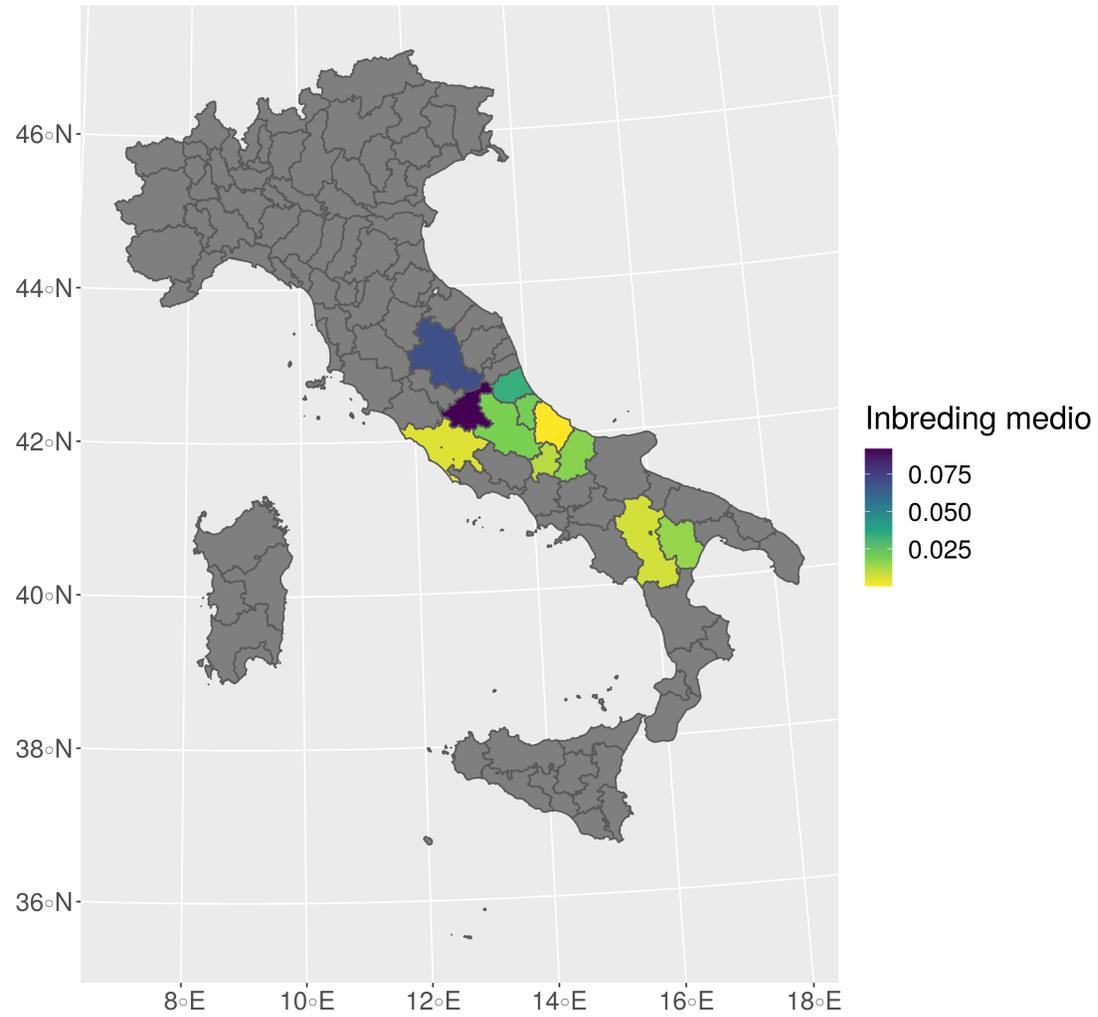


Figure 1: Mappa di Consanguineità

Analisi del pedigree

Sustainability Health Environment Economy Profitability & Genomic Organisation Animal (pheno)Typing (SHEEP&GOAT)

11 luglio, 2023

RAZZA: SAANEN

Codice Razza: 44

Table 1: Consistenze

	Breed 44
Totale animali registrati	148633
Maschi	9447
Femmine	139186
% Maschi	6
% Femmine	94
F/M	15
Totale animali (anno di nascita dal 2013)	47813
Maschi (anno di nascita dal 2013)	2692
Femmine (anno di nascita dal 2013)	45121
% Maschi (anno di nascita dal 2013)	6
% Femmine (anno di nascita dal 2013)	94
F/M animali (anno di nascita dal 2013)	17
N. allevamenti con animali (anno di nascita dal 2013)	393

Nelle tabelle 2 e 3 si riportano le statistiche descrittive dei seguenti parametri calcolati con optiSel (R-package): - equiGen: somma della completeness in tutte le generazioni;

- fullGen: numero massimo di generazioni piene (tutti gli ascendenti per generazione) tracciate;

- maxGen: numero massimo di generazioni massime (almeno un ascendente per generazione) tracciate;

- PCI: è l' Index of Pedigree Completeness che rappresenta la media armonica della completeness dei genitori (MacCluer, 1983);

- inbreeding: consanguineità.

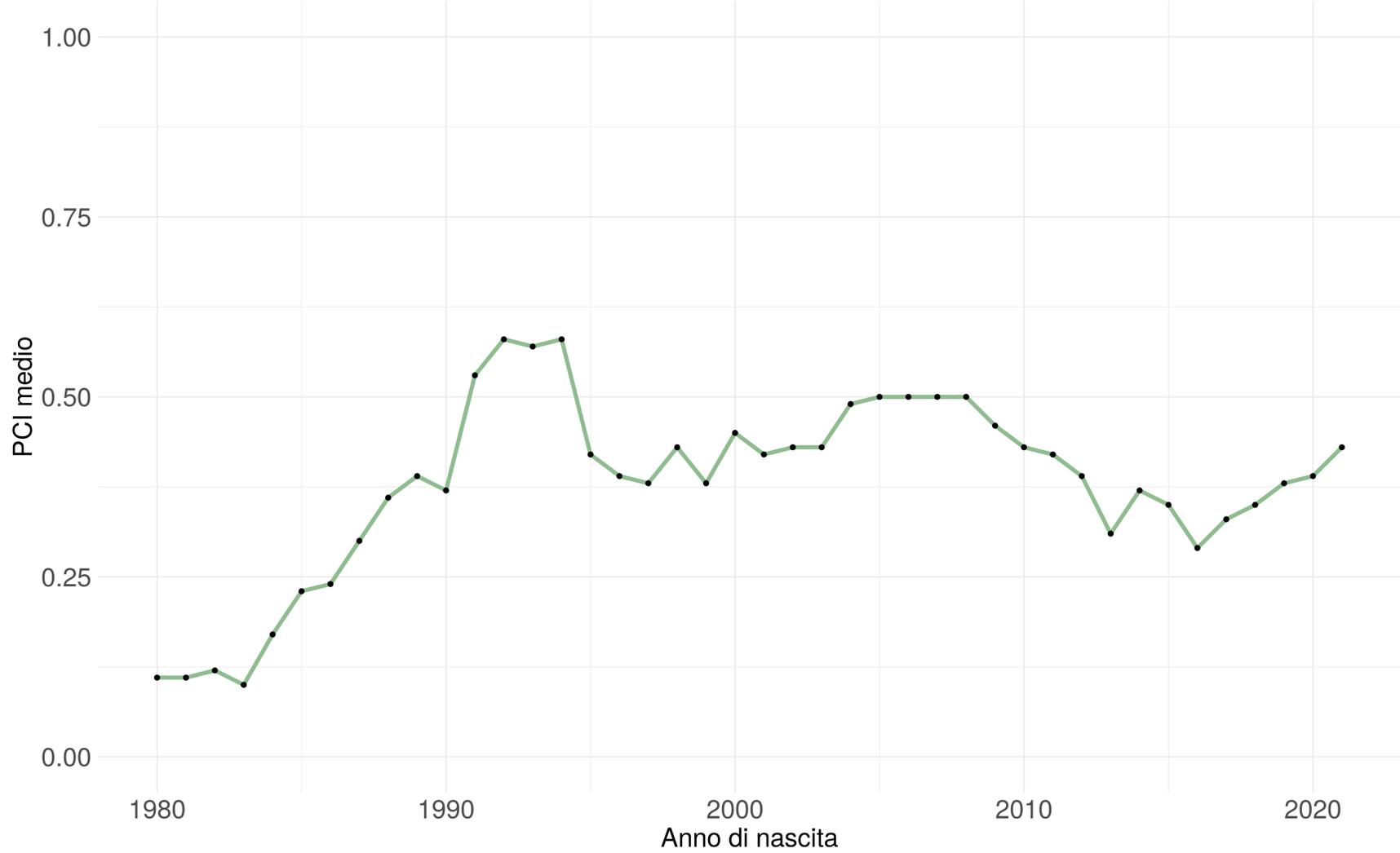
Table 2: Statistiche descrittive delle summary del pedigree del totale dei soggetti

	Mean	Median	Sd	Kurtosis	Skewness	Min	Ist_Qu	IIIrd_Qu	Max	N.Miss	N.oss
equiGen	2.415	1.500	2.555	2.233	0.676	0.000	0.000	4.473	10.967	0	148633
fullGen	1.243	1.000	1.497	3.157	1.062	0.000	0.000	2.000	7.000	0	148633
maxGen	5.772	3.000	6.280	2.008	0.630	0.000	0.000	11.000	24.000	0	148633
PCI	0.380	0.250	0.406	1.492	0.428	0.000	0.000	0.833	1.000	0	148633
Inbreeding	0.018	0.000	0.051	21.778	3.982	0.000	0.000	0.002	0.723	0	148633

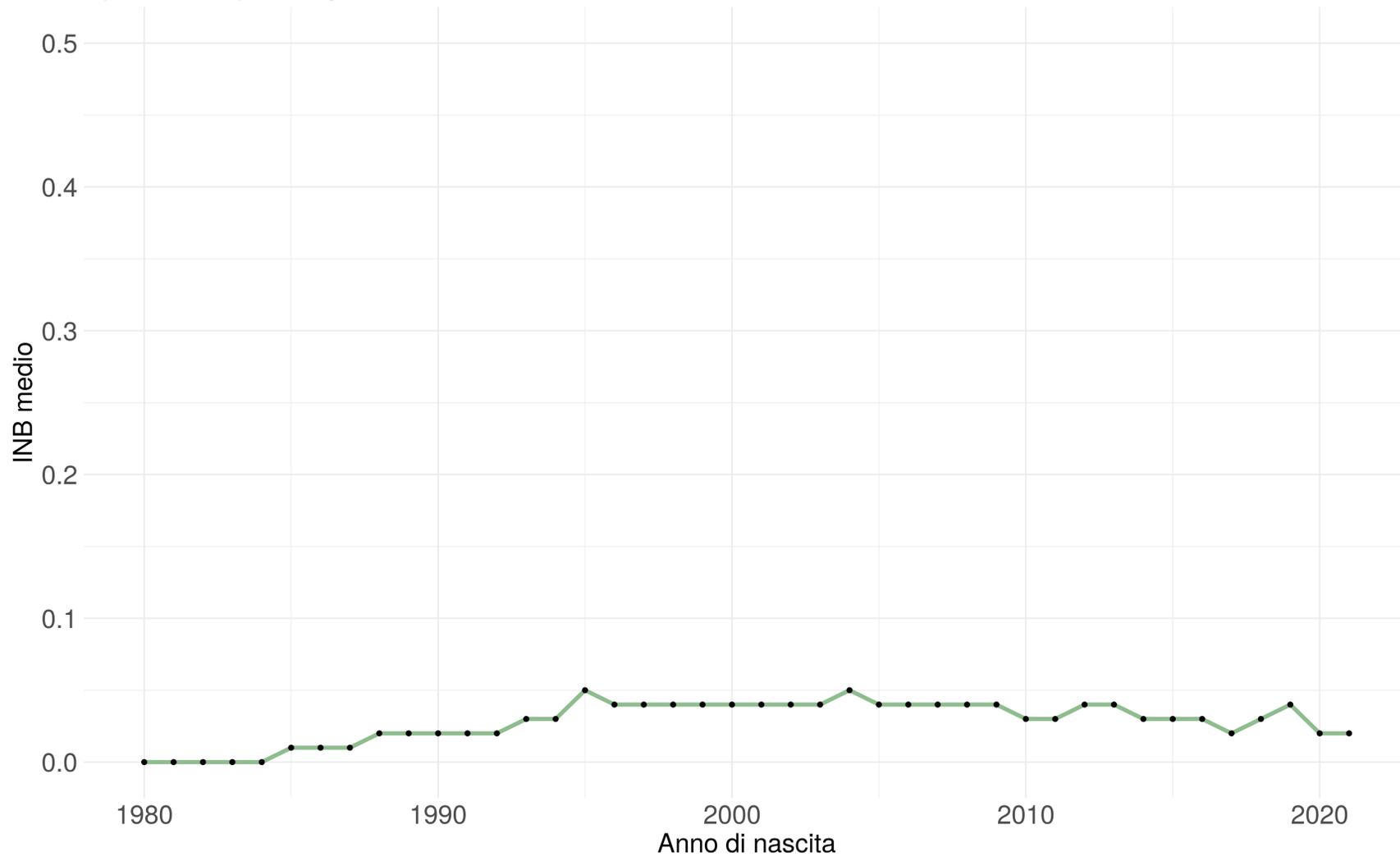
Table 3: Statistiche descrittive delle summary del pedigree dei soggetti con anno di nascita dal 2013

	Mean	Median	Sd	Kurtosis	Skewness	Min	Ist_Qu	IIIrd_Qu	Max	N.Miss	N.oss
equiGen	2.518	1.000	2.760	2.107	0.666	0.000	0.000	4.933	10.967	0	47813
fullGen	1.130	0.000	1.503	3.657	1.256	0.000	0.000	2.000	7.000	0	47813
maxGen	6.985	2.000	7.411	1.522	0.394	0.000	0.000	14.000	24.000	0	47813
PCI	0.352	0.000	0.411	1.563	0.555	0.000	0.000	0.833	1.000	0	47813
Inbreeding	0.014	0.000	0.044	26.368	4.550	0.000	0.000	0.003	0.505	0	47813

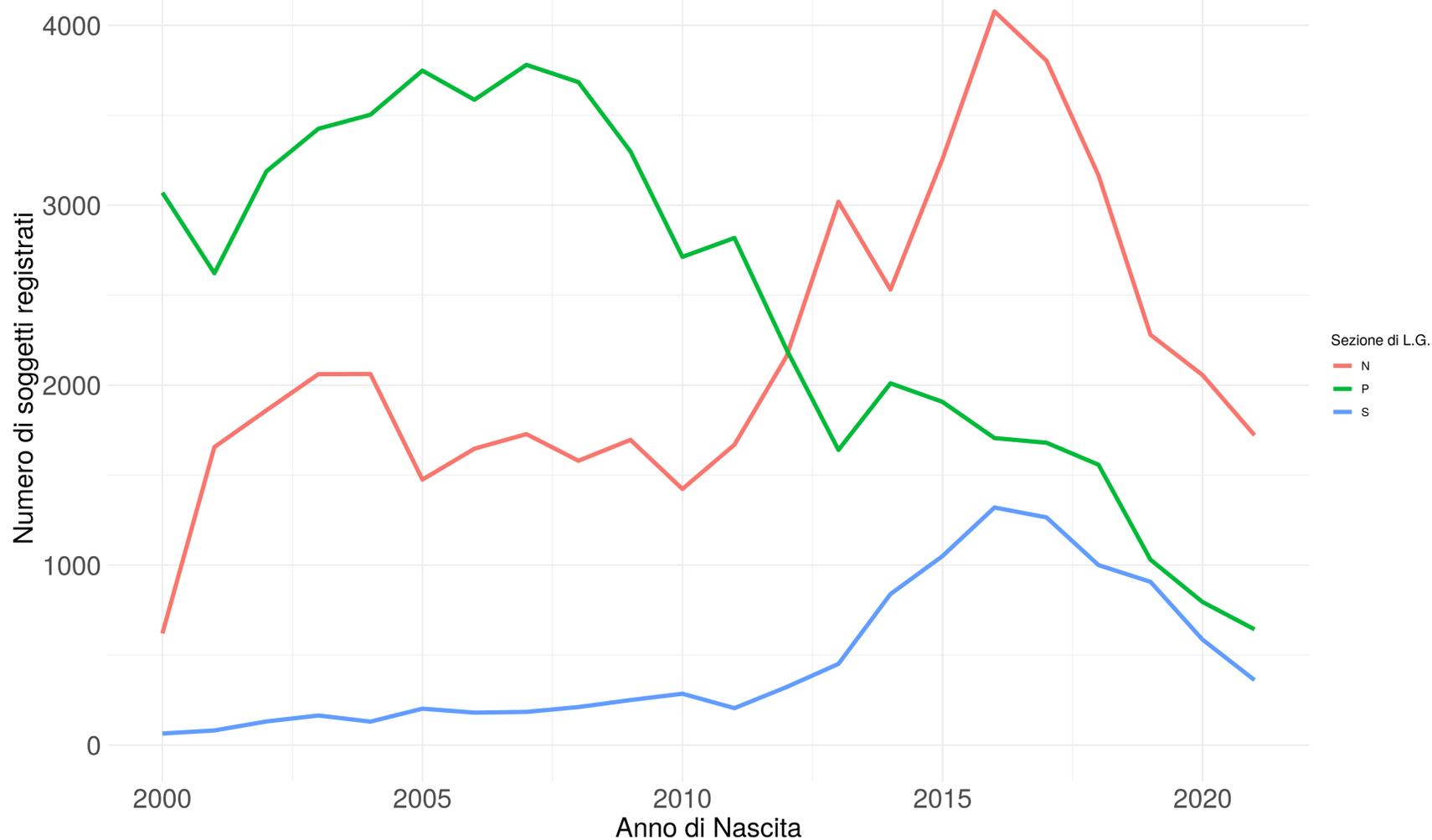
Index of Pedegree Completeness (PCI) medio per anno di nascita
optiSel, R-packege, (Wellmann R., 2018; McCluer et. al,1983)



Inbreeding medio per anno di nascita
optiSel, R-packege, (Wellmann R., 2018)

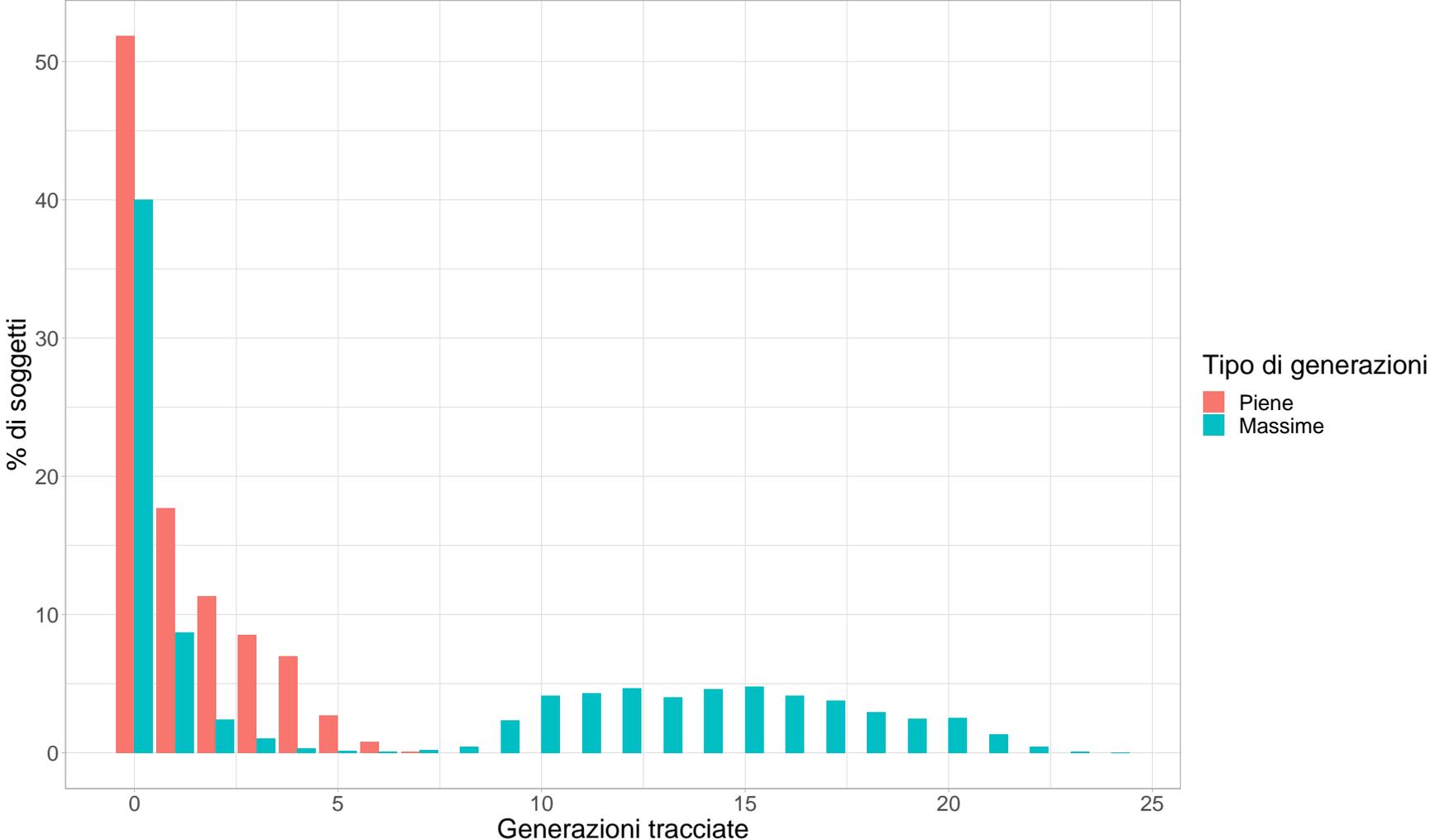


Andamento del numero di registrazione del libro Genealogico (L.G.) per sezione
Sezione P = Principale; sezione S = Supplementare; sezione N = Non iscritti.

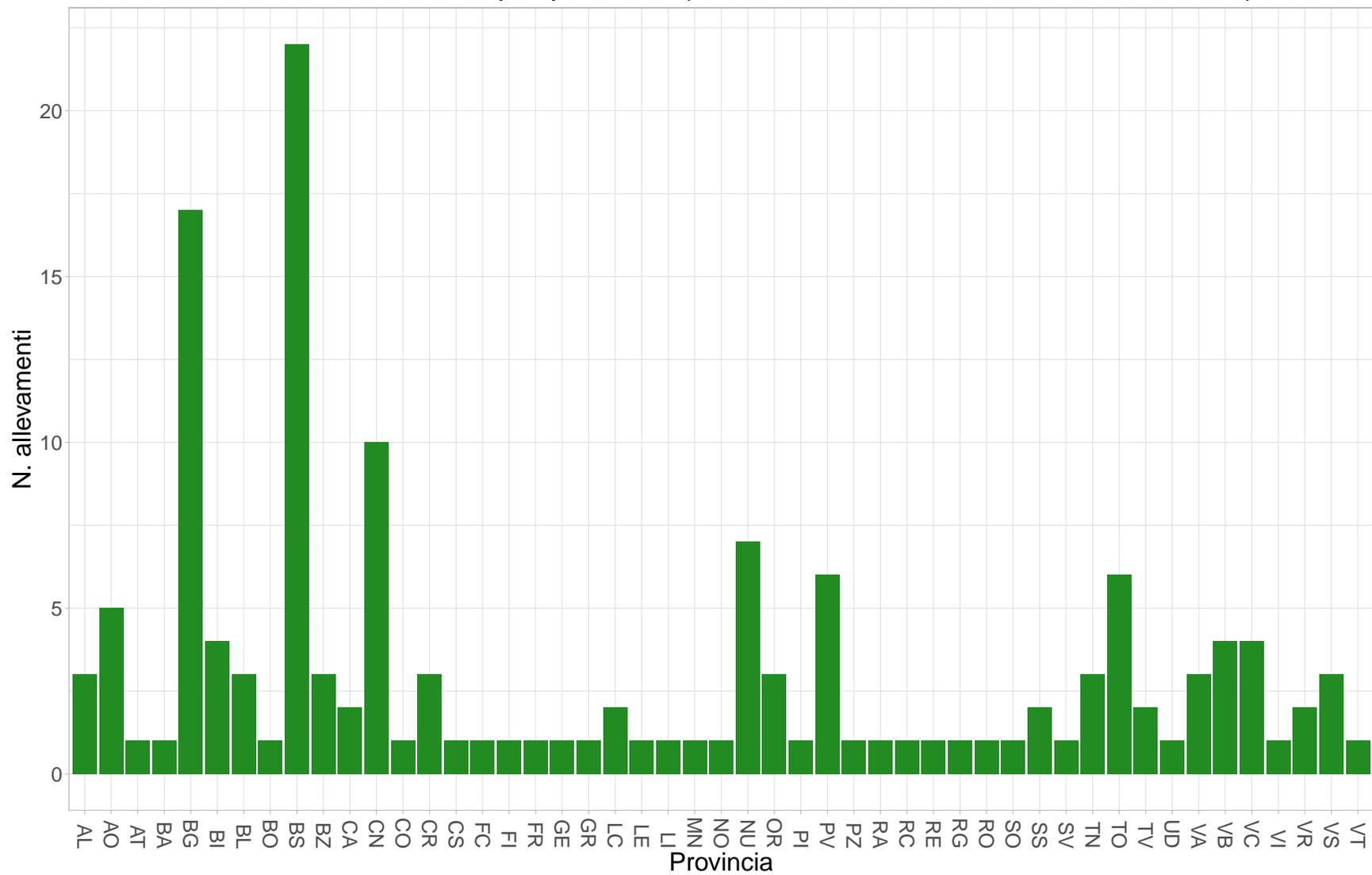


Distribuzione dei soggetti per numero di generazioni piene e massime tracciate

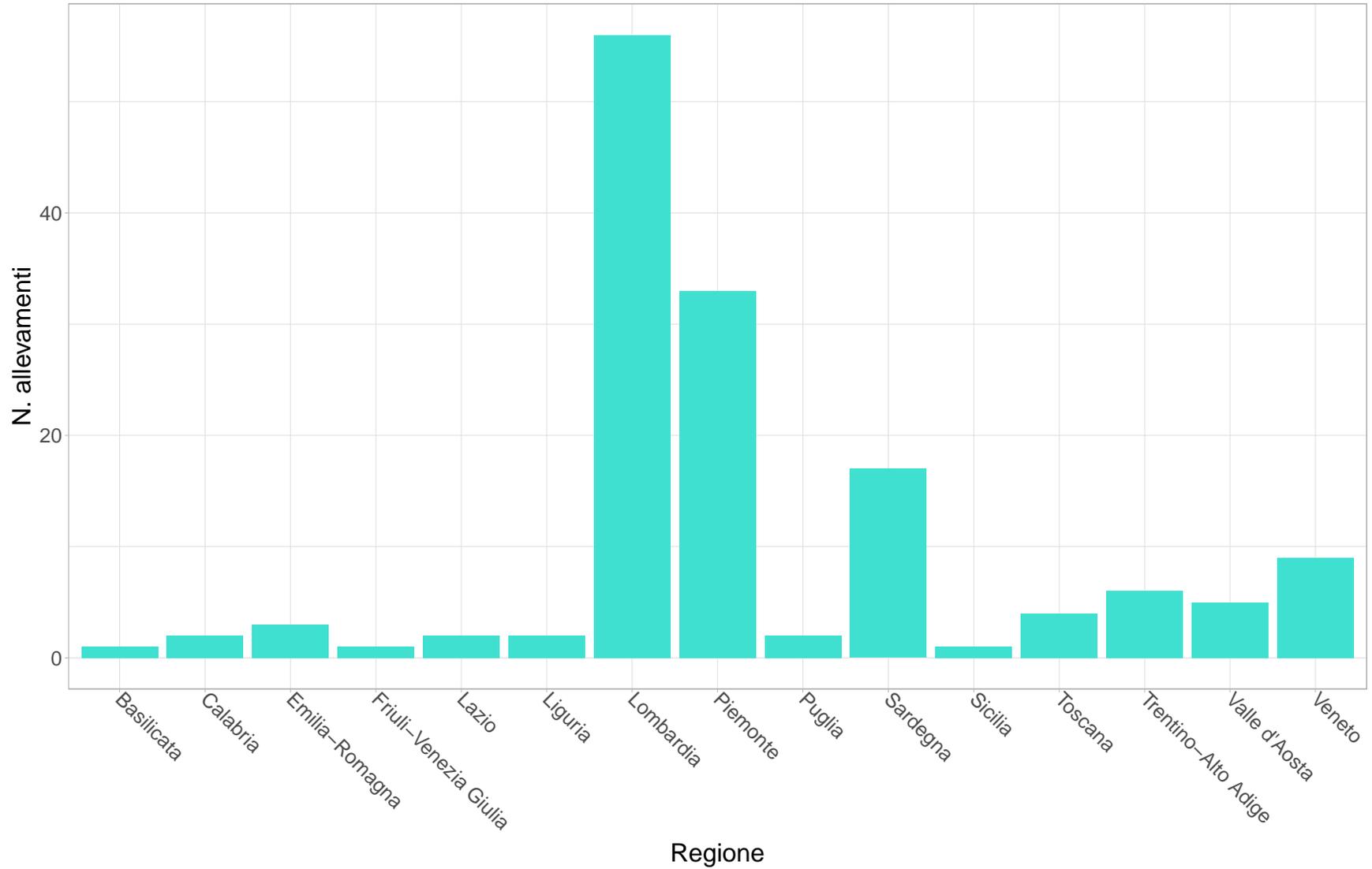
Soggetti vivi



Numero di allevamenti per provincia (allevamenti con almeno 10 animali iscritti)



Numero di allevamenti per Regione (allevamenti con almeno 10 animali iscritti)



Mappa di consanguineita' per provincia

Note: 99.3 % allevamenti localizzati

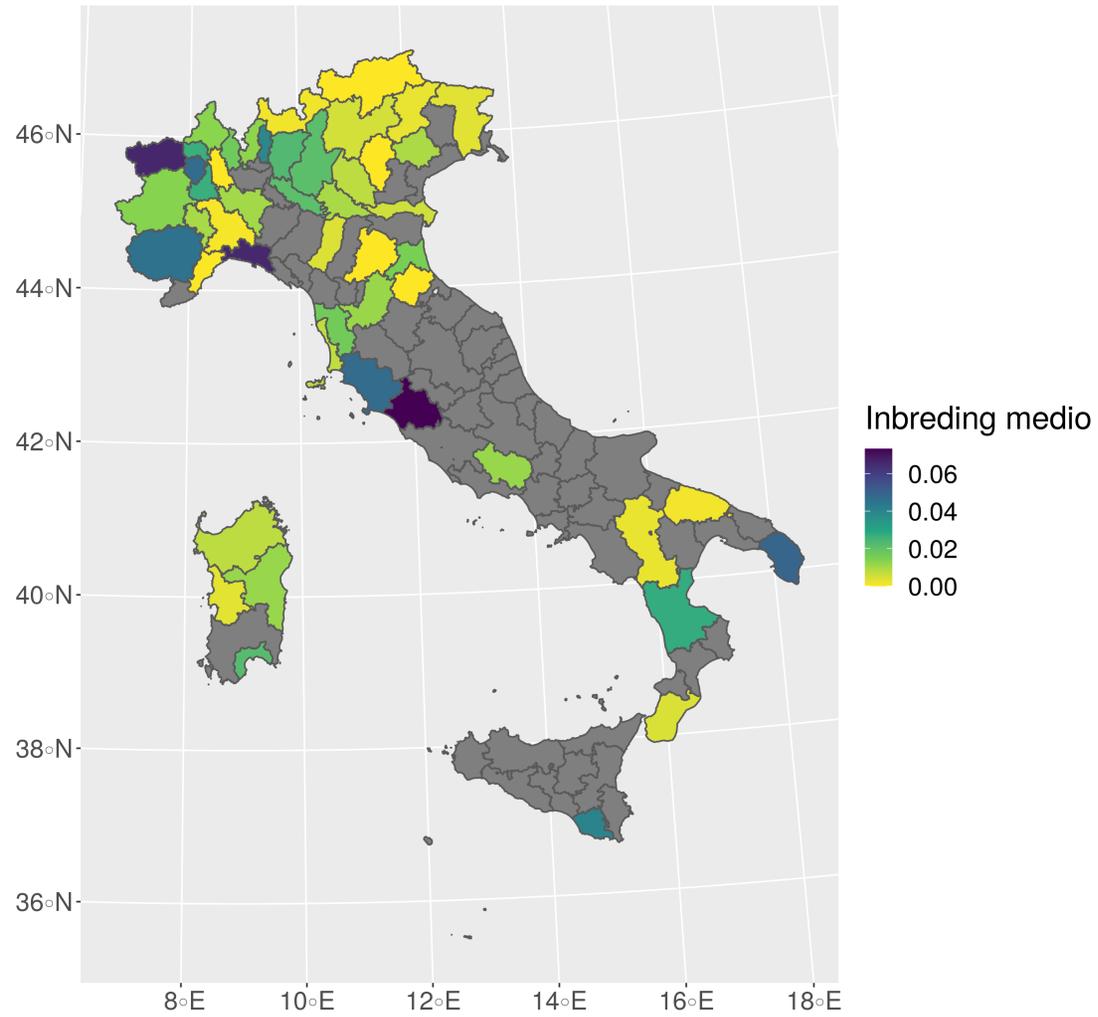


Figure 1: Mappa di Consanguineità

Mappa di consanguineita' per regione

Note: 100 % allevamenti localizzati

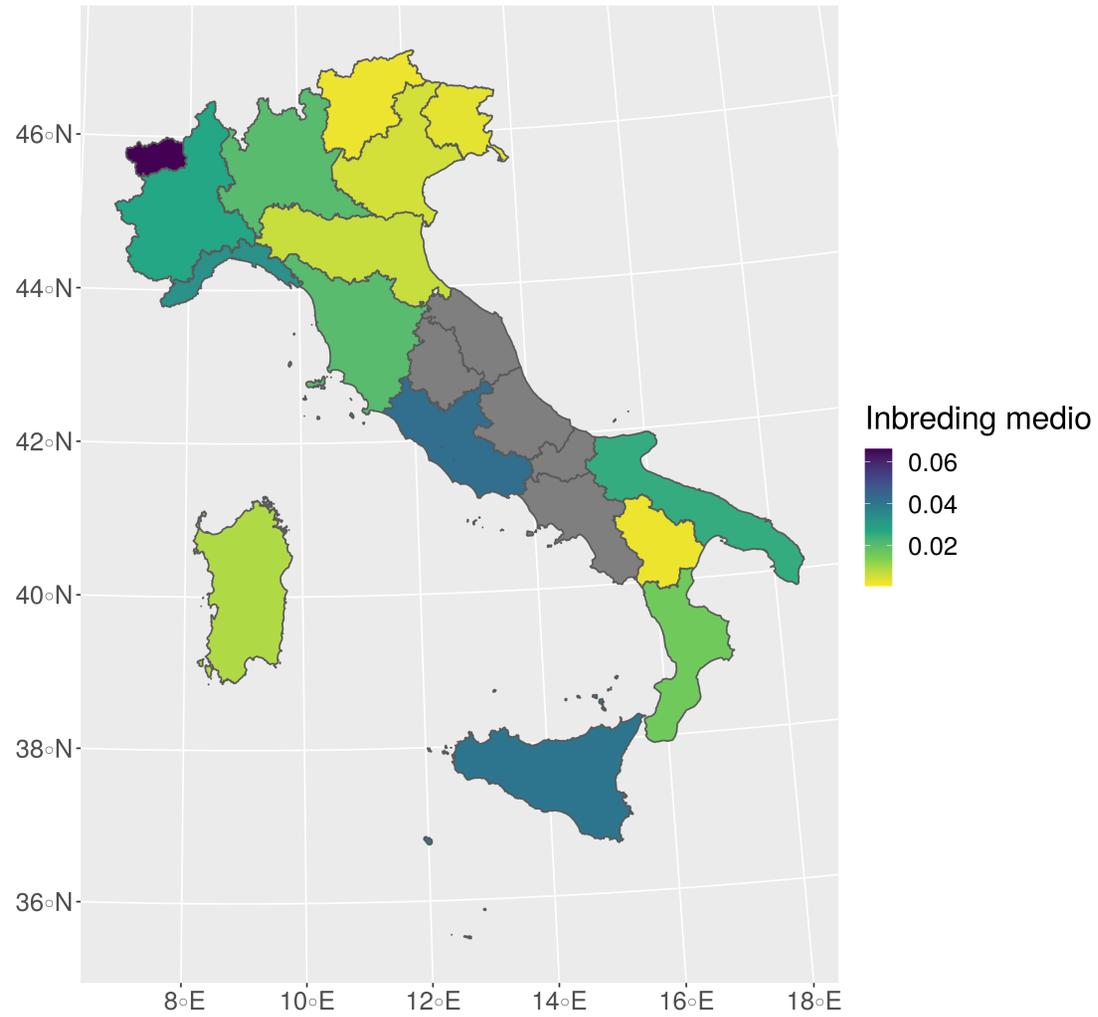


Figure 2: Mappa di Consanguineità

Analisi del pedigree

Sustainability Health Environment Economy Profitability & Genomic Organisation Animal (pheno)Typing (SHEEP&GOAT)

11 luglio, 2023

RAZZA: CAMOSCIATA DELLE ALPI

Codice Razza: 45

Table 1: Consistenze

	Breed_45
Totale animali registrati	126300
Maschi	9645
Femmine	116655
% Maschi	8
% Femmine	92
F/M	12
Totale animali (anno di nascita dal 2013)	41527
Maschi (anno di nascita dal 2013)	3064
Femmine (anno di nascita dal 2013)	38463
% Maschi (anno di nascita dal 2013)	7
% Femmine (anno di nascita dal 2013)	93
F/M animali (anno di nascita dal 2013)	13
N. allevamenti con animali (anno di nascita dal 2013)	528

Nelle tabelle 2 e 3 si riportano le statistiche descrittive dei seguenti parametri calcolati con optiSel (R-package): - equiGen: somma della completeness in tutte le generazioni;

- fullGen: numero massimo di generazioni piene (tutti gli ascendenti per generazione) tracciate;

- maxGen: numero massimo di generazioni massime (almeno un ascendente per generazione) tracciate;

- PCI: è l' Index of Pedigree Completeness che rappresenta la media armonica della completeness dei genitori (MacCluer, 1983);

- inbreeding: consanguineità.

Table 2: Statistiche descrittive delle summary del pedigree del totale dei soggetti

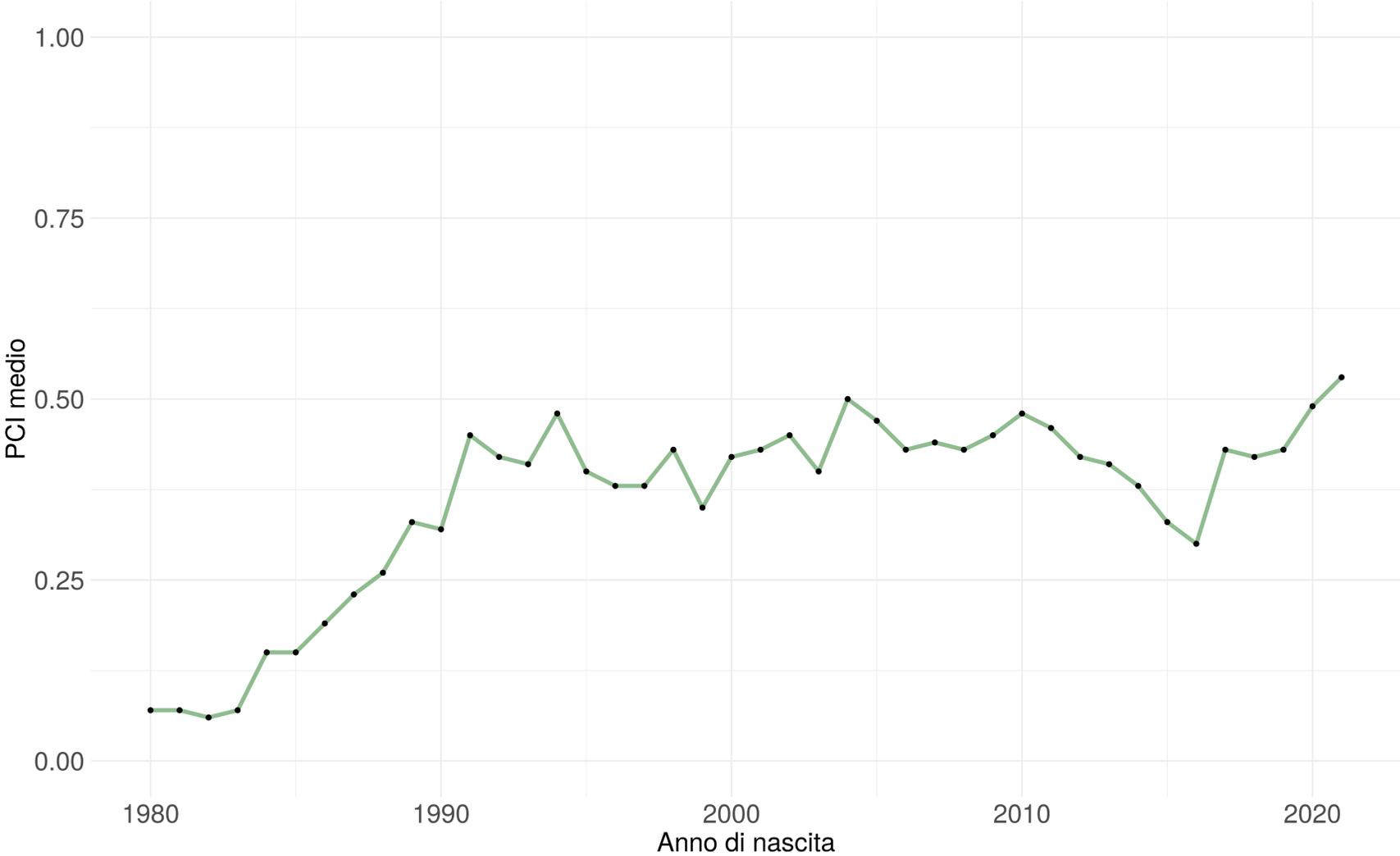
	Mean	Median	Sd	Kurtosis	Skewness	Min	Ist_Qu	IIIrd_Qu	Max	N.Miss	N.oss
equiGen	2.410	1.750	2.472	1.951	0.568	0.000	0.000	4.492	10.019	0	126300
fullGen	1.230	1.000	1.433	2.805	0.949	0.000	0.000	2.000	7.000	0	126300
maxGen	5.298	3.000	5.647	2.027	0.617	0.000	0.000	10.000	23.000	0	126300
PCI	0.385	0.300	0.404	1.484	0.402	0.000	0.000	0.833	1.000	0	126300
Inbreeding	0.017	0.000	0.051	20.341	3.977	0.000	0.000	0.002	0.545	0	126300

Table 3: Statistiche descrittive delle summary del pedigree dei soggetti con anno di nascita dal 2013

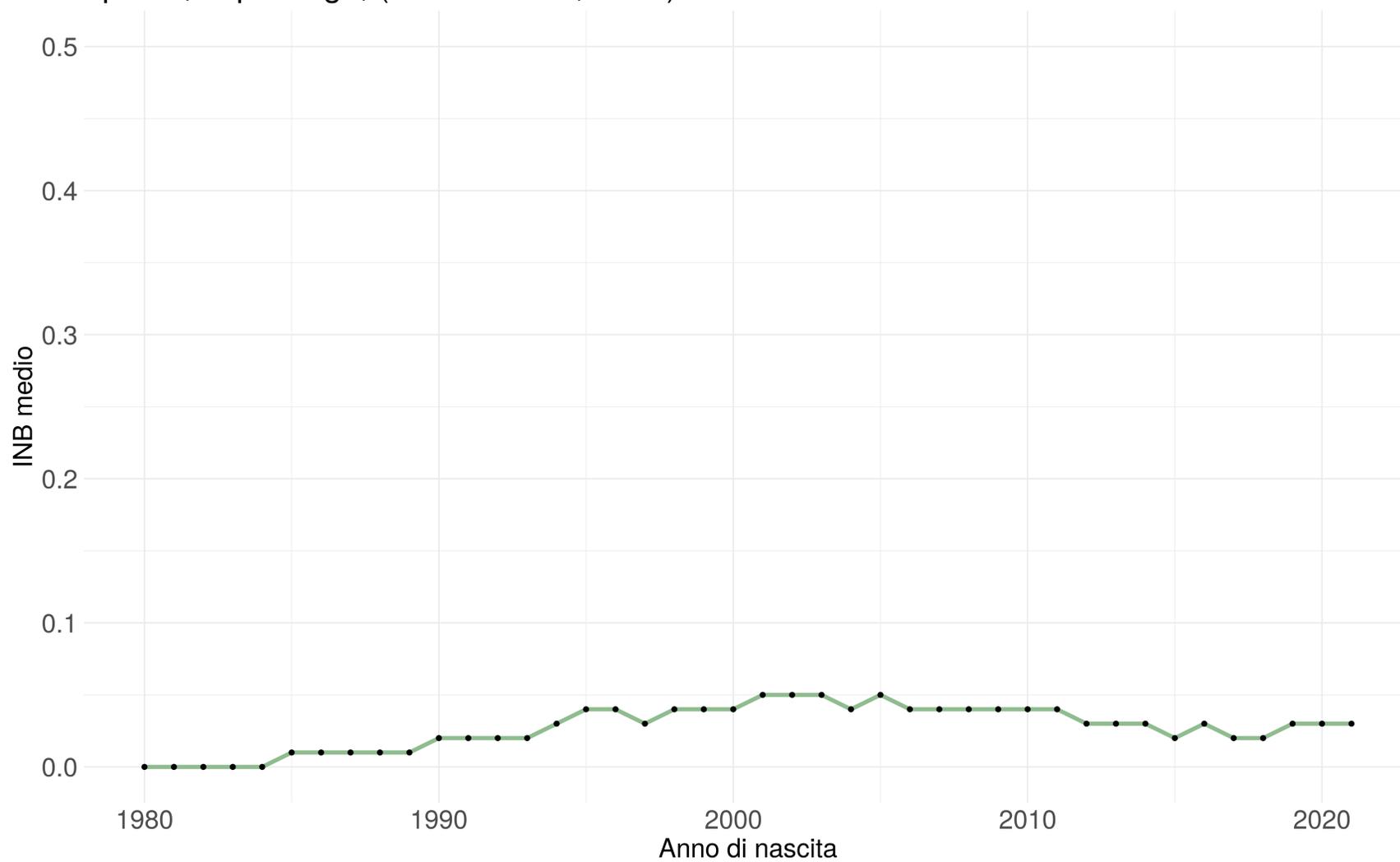
	Mean	Median	Sd	Kurtosis	Skewness	Min	Ist_Qu	IIIrd_Qu	Max	N.Miss	N.oss
equiGen	3.031	2.945	2.772	1.553	0.256	0.000	0.000	5.669	10.019	0	41527
fullGen	1.374	1.000	1.579	2.584	0.892	0.000	0.000	2.000	7.000	0	41527
maxGen	7.816	10.000	6.850	1.350	0.004	0.000	0.000	14.000	23.000	0	41527
PCI	0.420	0.375	0.421	1.338	0.266	0.000	0.000	0.905	1.000	0	41527
Inbreeding	0.015	0.000	0.044	24.978	4.430	0.000	0.000	0.005	0.482	0	41527

Index of Pedegree Completeness (PCI) medio per anno di nascita

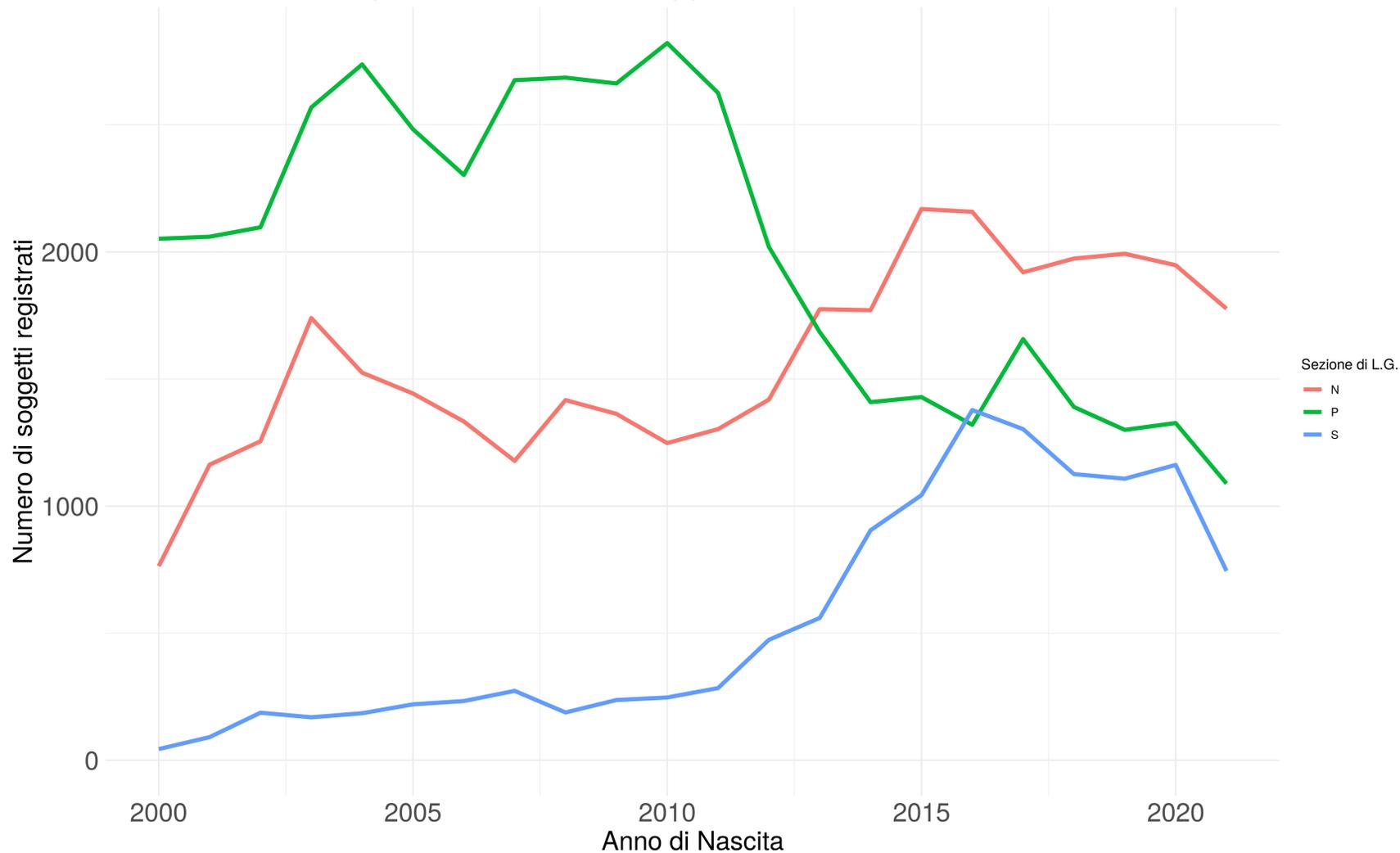
optiSel, R-packege, (Wellmann R., 2018; McCluer et. al,1983)



Inbreeding medio per anno di nascita
optiSel, R-packege, (Wellmann R., 2018)

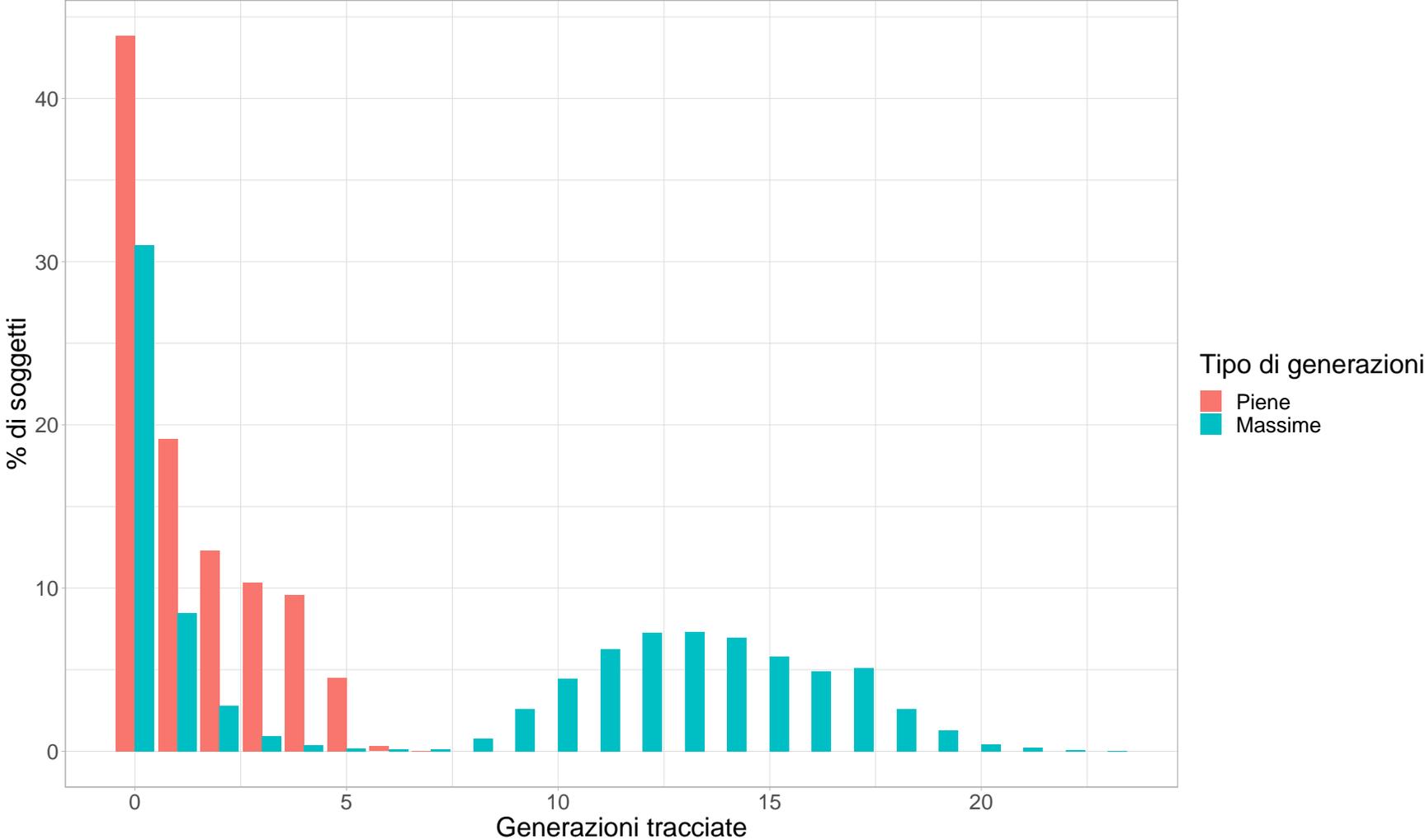


Andamento del numero di registrazione del libro Genealogico (L.G.) per sezione
Sezione P = Principale; sezione S = Supplementare; sezione N = Non iscritti.

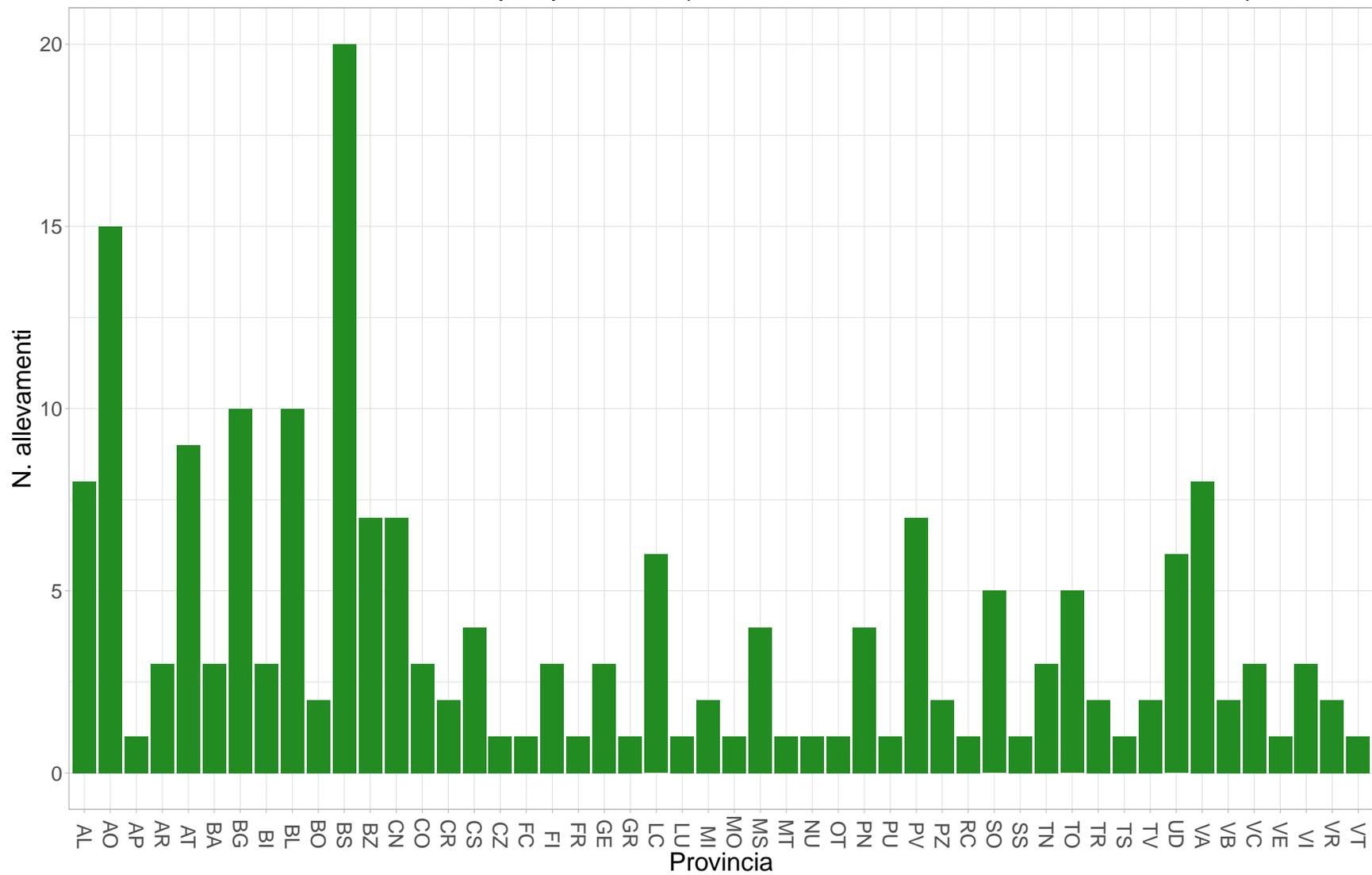


Distribuzione dei soggetti per numero di generazioni piene e massime tracciate

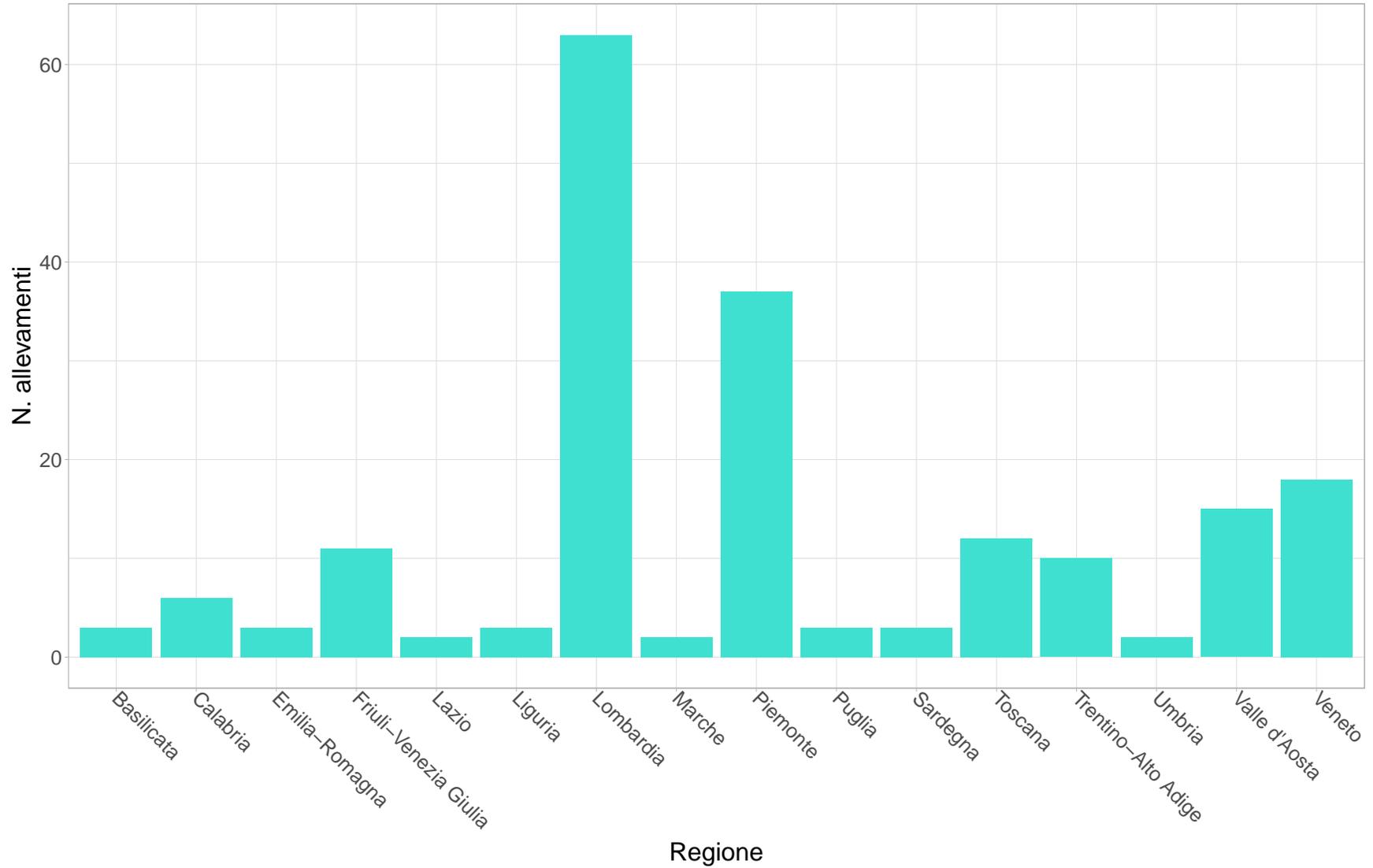
Soggetti vivi



Numero di allevamenti per provincia (allevamenti con almeno 10 animali iscritti)



Numero di allevamenti per Regione (allevamenti con almeno 10 animali iscritti)



Mappa di consanguineita' per provincia

Note: 99.5 % allevamenti localizzati

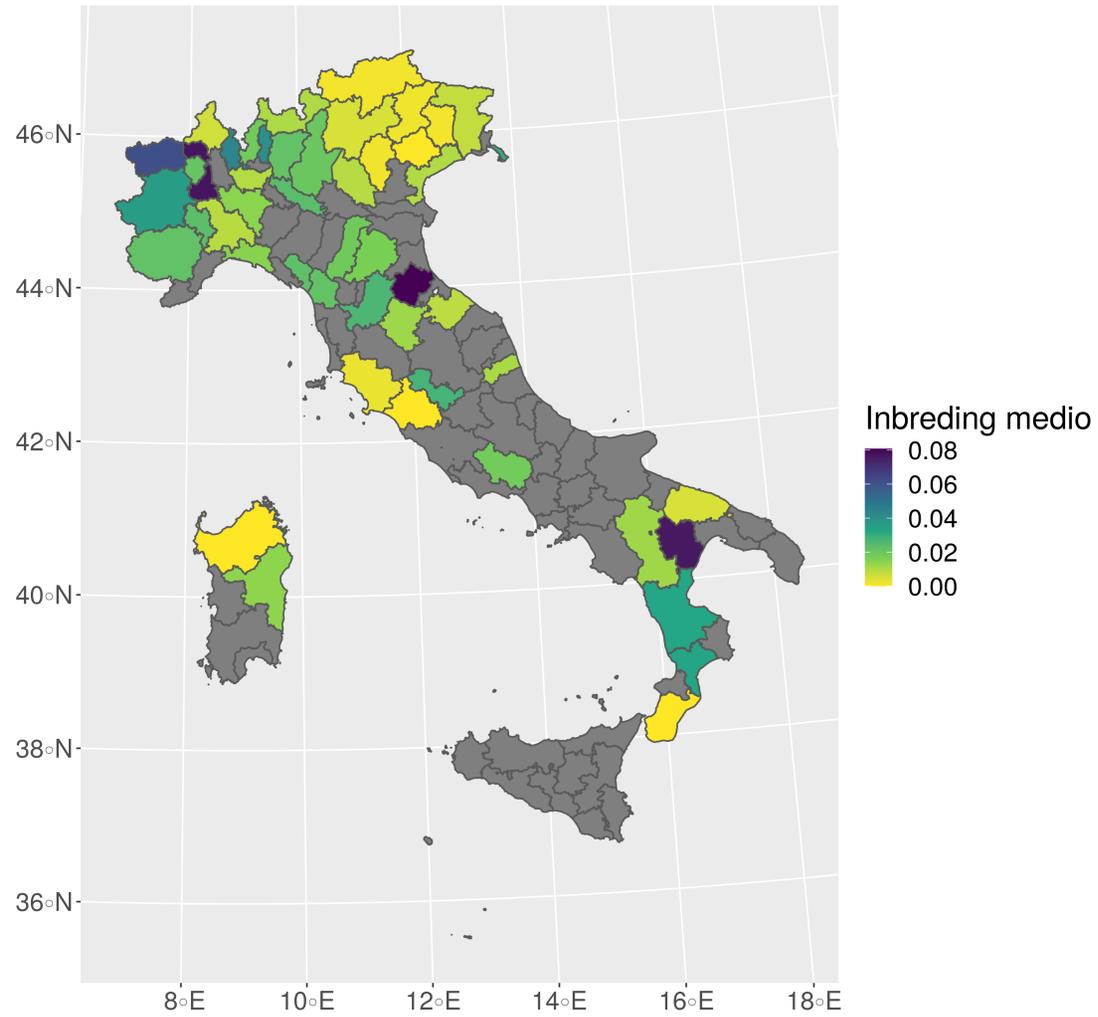


Figure 1: Mappa di Consanguineità

Mappa di consanguineita' per regione

Note: 100 % allevamenti localizzati

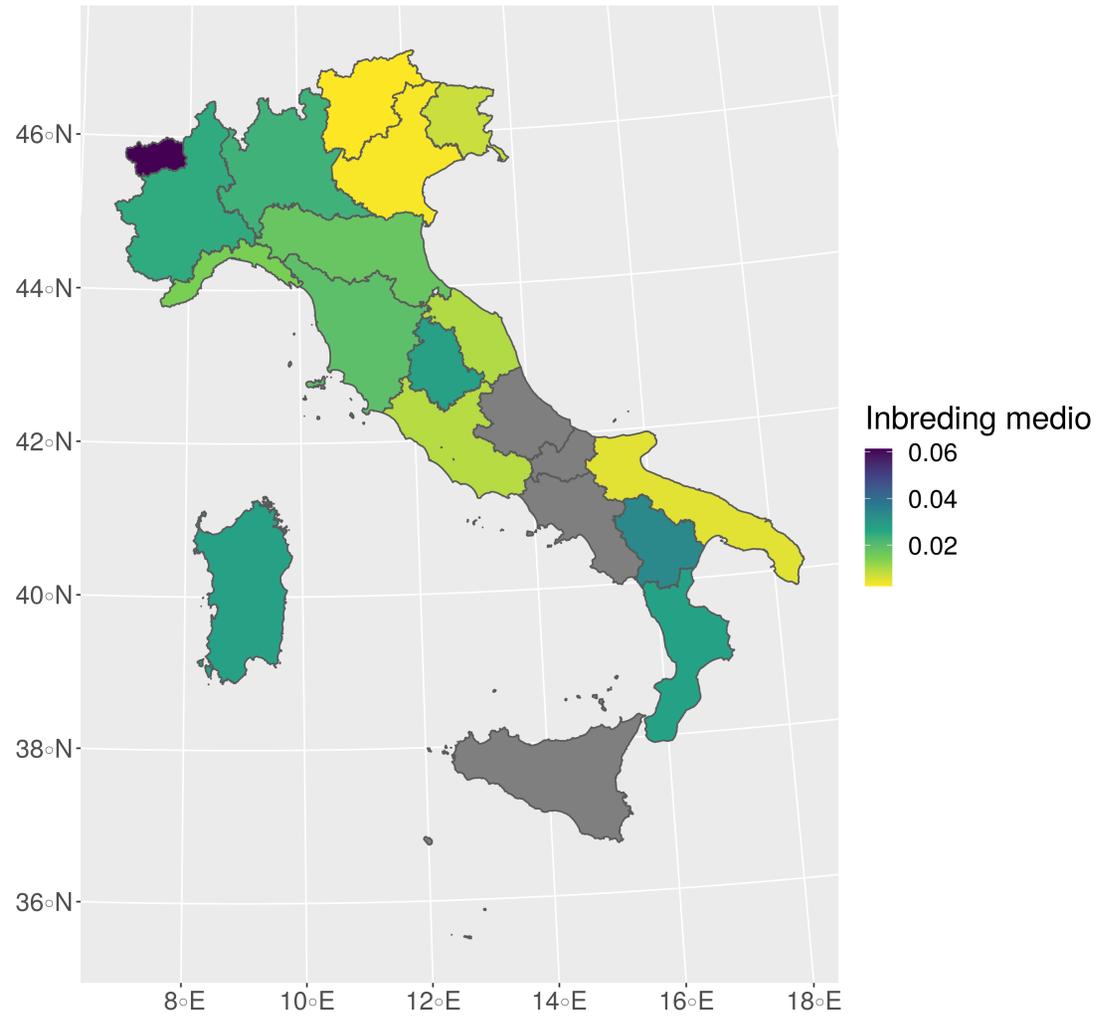


Figure 2: Mappa di Consanguineità